

Ferramenta desktop WIPO Sequence

Curso on-line

O que estamos cobrindo hoje

- Finalidade da ferramenta
- Vistas principais no âmbito da interface: Página inicial do Projeto, Detalhes do Projeto
- Principais características:
 - Criação de um projeto e sequências
 - Importação de dados de listagem sequencial – suporta diferentes formatos
 - Validação de dados de listagem sequencial – relatório de verificação
 - Acréscimo de dados de projeto – chaves de características e qualificadores
 - Qualificadores de texto livre e exportação XLIFF
 - Geração de listagens sequenciais compatíveis com ST.26
- Suporte de idiomas e preferências de ajuste

O que não estaremos cobrindo

- O material coberto na introdução à WIPO ST.26:
https://www.wipo.int/meetings/en/details.jsp?meeting_id=62848
- Se você não completou este módulo, queira consultar o WIPO Standard ST.26 em:
<https://www.wipo.int/export/sites/www/standards/en/pdf/03-26-01.pdf>
- Evoluções no desenvolvimento da WIPO Sequence: a primeira edição oficial, que será usada na data da implementação *big-bang* (geral), estará disponível em abril de 2022.

Finalidade da ferramenta desktop WIPO Sequence

- A partir de 1° de julho de 2022, todas as listagens sequenciais depositadas a nível internacional, nacional ou regional devem estar em conformidade com o WIPO Standard ST.26
- WIPO Sequence: ferramenta comum desktop produzida pela OMPI para criar e validar listagens sequenciais compatíveis com o WIPO ST.26
- A WIPO Sequence é produzida pela OMPI para garantir que todos os requerentes ao redor do mundo tenham acesso à mesma ferramenta gratuita

WIPO Sequence: Instalação

- Todos os pacotes de instalação e documentação de suporte ao usuário podem ser baixados da página inicial da WIPO Sequence em:
<https://www.wipo.int/standards/en/sequence>
- A ferramenta desktop WIPO Sequence está disponível para sistemas operacionais MS Windows, Mac OSX e Linux
- Uma funcionalidade de atualização automática alertará o usuário quando uma nova versão estiver disponível
- O usuário deverá aceitar novos Termos de Uso sempre que uma nova versão seja instalada em seu computador

WIPO Sequence: Importante

- Todas as listagens sequenciais geradas e os dados de projetos inseridos na WIPO Sequence são armazenados **localmente** (no computador do usuário)
- Projetos podem ser criados e listagens sequenciais geradas enquanto offline, mas o recurso de atualização automática requer uma conexão com a internet
- A WIPO Sequence é distribuída para uso gratuito de todos os candidatos sem o fornecimento do código fonte

Página inicial do Projeto


[NEW PROJECT](#) [IMPORT PROJECT](#) [IMPORT SEQUENCE LISTING](#) [VALIDATE SEQUENCE LISTING](#)

PROJECTS



Project name	Applicant file reference	Applicant name	Invention title	Status	Creation Date
Test ST.26 Import				new	2019-04-03
SampleValidProject	14283.6000-00000	BIOMX LTD.	BACTERIOPHAGE FOR MODULATING INFLAMMATORY BOWEL DISEASE	generated	2019-04-04


Detalhes do Projeto

 **DEMONSTRATION PROJECT** VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING PREFERENCES ENGLISH [Back To List](#)

GENERAL INFORMATION SEQUENCES

DEMONSTRATION PROJECT

[Print](#) [Export](#) [Import Another Project](#) [Validate](#) [Generate Sequence Listing](#)

Project Name Demonstration Project	Creation date 2019-01-30	
File Name Sequence-list-import	Sequences 6	
Description This is a description for the project.	Status generated	

► **GENERAL INFORMATION**

► **SEQUENCES**

Principais características da ferramenta (1)

- Projeto de Criação:
 - Informações Gerais
 - Sequências
 - Validar Projeto
 - Gerar ST.26 SL
 - Imprimir SL
 - Validar ST.26 SL

- Listagens Personalizadas:
 - Organismos Personalizados
 - Pessoa/Organização

Principais características da ferramenta (2)

- Importar:
 - SL existente: ST.25/ST.26
 - Formatos comuns: FASTA/multi-sequence/raw
 - Projeto ST.26 existente


- Características da ferramenta:
 - Preferências
 - Suporte multilíngue
 - Atualização automática

- A funcionalidade completa da ferramenta é fornecida no manual de desktop WIPO Sequence em:
<https://www.wipo.int/export/sites/www/standards/en/sequence/wipo-sequence-manual-1-1-0-en.pdf>

Criação de um projeto (demonstração)

The screenshot shows the 'PROJECTS' section of the WIPO Sequence application. The top navigation bar includes 'WIPO | Sequence', 'PROJECTS', 'PERSONS & ORGANIZATIONS', 'ORGANISMS', 'PREFERENCES', and 'ENGLISH'. Below the navigation bar, there are links for 'NEW PROJECT', 'IMPORT PROJECT', 'IMPORT SEQUENCE LISTING', and 'VALIDATE SEQUENCE LISTING'. The main heading is 'PROJECTS'. A search bar with the placeholder text 'Search project by name' and a magnifying glass icon is present. A message box states: 'Currently you do not have any projects in your list. In the 'Projects' area you can create a new project or import an existing project.'

Acrescentar detalhes ao projeto: Informações Gerais (demonstração)

 WIPO | Sequence

[INSECTICIDAL PROTEINS](#)
[VERIFICATION REPORT](#)
[FREE TEXT QUALIFIERS](#)
[IMPORT REPORT](#)
[DISPLAY THE SEQUENCE LISTING](#)
[HELP](#)
▼
[PREFERENCES](#)
[ENGLISH▼](#)
Return to project home

<p>Project Name Insecticidal Proteins</p> <p>Status modified</p> <p>Description Insecticidal proteins and methods for their use</p> <p>Source language code for free text qualifiers en</p> <p>Original free text language code en</p>	<p>Creation date 2021-04-07</p> <p>File Name Insecticidal Proteins SL</p> <p>Sequences 0</p> <p>Non English free text language code fr</p>	✎
--	--	---

GENERAL INFORMATION

APPLICATION IDENTIFICATION

IP Office	▼
<p>Application Identification*</p> <p><input checked="" type="radio"/> Before the assignment of the application number</p> <p><input type="radio"/> After the assignment of the application number</p>	<p style="color: red;">Applicant file reference*</p> <p>Application File Reference is a mandatory field when 'Before the assignment of the application number' is provided.</p>

Tabela de síntese de sequências

SEQUENCES

Sequence ID Number	Sequence Name	Length	Molecule Type	Organism
1	US20190136258A1-20190509-S00001_seq_SEQ ID NO 1	245	RNA	Rebilus crediton
2	Inserted sequence	41	DNA	Wohlfahrtiopsis bishoppi
3	US20190136258A1-20190509-S00001_seq_SEQ ID NO 2	1481		Pseudomonas sp.
4	US20190136258A1-20190509-S00001_seq_SEQ ID NO 2	1458		Pseudomonas monteilii

Acrescentar detalhes ao projeto: uma nova sequência

- Na vista detalhada do projeto, é possível criar uma sequência ou importar uma sequência para o projeto

The screenshot displays the WIPO Sequence management interface. At the top, there is a navigation bar with the WIPO logo and several menu items: INSECTICIDAL PROTEINS, VERIFICATION REPORT, FREE TEXT QUALIFIERS, IMPORT REPORT, DISPLAY THE SEQUENCE LISTING, HELP, PREFERENCES, and ENGLISH. A 'Return to project home' button is located in the top right corner. Below the navigation bar, there are two tabs: 'GENERAL INFORMATION' and 'SEQUENCES'. The 'SEQUENCES' tab is active, and the main content area is titled 'SEQUENCES'. Below the title, there are five buttons: 'Create new sequence', 'Import sequence', 'Insert Sequence', 'Reorder Sequence', and 'Bulk Edit'. The 'Create new sequence' and 'Import sequence' buttons are highlighted with a red border. Below the buttons, there is a table with the following columns: 'Sequence ID Number', 'Sequence Name', 'Length', 'Molecule Type', and 'Organism'.

Sequence ID Number	Sequence Name	Length	Molecule Type	Organism
--------------------	---------------	--------	---------------	----------

Criar uma sequência

SEQUENCES

Create new sequence Import sequence Insert Sequence Reorder Sequence

Sequence ID Number	Sequence Name	Length	INSDSeqMoltype	Organism						
1	WIPO Sequence	INSECTICIDAL PROTEINS	VERIFICATION REPORT	FREE TEXT QUALIFIERS	IMPORT REPORT	DISPLAY THE SEQUENCE LISTING	HELP	PREFERENCES	ENGLISH	Return to project home

1 2

Sequence Name*
Name/description for sequence

Molecule Type*
DNA

Residues*
agagagagagagagagagatttaaaatttagagaatattagagagatatataggaagtatataggatatgagagtatagaggatataggatata

Organism name
unidentified

Qualifier Molecule Type
genomic DNA

Mark as an intentionally skipped sequence
 The sequence contains both DNA & RNA fragments

Cancel Create sequence Create & Display Sequence

Sequências saltadas

- Como no ST.25, as sequências saltadas são representadas pela série '000'
- As sequências saltadas são indicadas assinalando a casa abaixo:

SEQUENCE 2

Sequence Name* EP130135_N2067-7148W0 - SL_seq_2	Sequence Number (ID) 2
Molecule Type* AA	Length 45
Organism name synthetic construct	Qualifier Molecule Type protein
<input checked="" type="checkbox"/> Mark as an intentionally skipped sequence	

[Cancel](#)[Update sequence](#)

Reordenar sequências (demonstração)

WIPO | Sequence
 INSECTICIDAL PROTEINS
VERIFICATION REPORT
FREE TEXT QUALIFIERS
IMPORT REPORT
DISPLAY THE SEQUENCE LISTING
HELP
▼
PREFERENCES
ENGLISH ▼
Return to project home

GENERAL INFORMATION SEQUENCES

SEQUENCES

Create new sequence
Import sequence
Insert Sequence
Reorder Sequence
Bulk Edit

Sequence ID Number	Sequence Name	Length	Molecule Type	Organism
1	Error four testing_seq_1	1004	DNA	unidentified
2	Error four testing_seq_2	191	AA	unidentified
3	Error four testing_seq_3	1004	DNA	synthetic construct
4	Error four testing_seq_4	191	AA	synthetic construct
5	Error four testing_seq_5	795	DNA	synthetic construct
6	Error four testing_seq_6	264	AA	synthetic construct

Importar listagens sequenciais existentes

The screenshot displays the WIPO Sequence database interface. The top navigation bar includes 'WIPO | Sequence', 'PROJECTS', 'PERSONS & ORGANIZATIONS', 'ORGANISMS', 'PREFERENCES', and 'ENGLISH'. The main navigation area features 'NEW PROJECT', 'IMPORT PROJECT', 'IMPORT SEQUENCE LISTING' (highlighted with a red box), and 'VALIDATE SEQUENCE LISTING'. The main content area shows a project named 'insecticidal proteins.xml' with a 'Project Name' field containing 'Import Sequence Project'. A red circle '3' highlights the project name field. Below the project name, there are two checkboxes: 'Select Range Sequences' and 'Select the general information contents to be imported'. A file explorer window is open, showing the 'Import Seq Listing' folder. The file 'Insecticidal Proteins.xml' is selected, highlighted with a red circle '2'. The file explorer also shows other files like 'ST26T-1087', '9_ST25_9238084_DTD_Based.xml', 'changedata.xml', 'Insecticidal Proteins (1).xml', 'Invalid_project.xml', 'Noseqs0.xml', 'Opt_Soy_Loci.xml', 'QN_1.xml', 'Results QV 29.xml', 'ST_25_import_complex.txt', and 'ST_25_long.txt'. The file explorer's 'Nombre' field contains 'Insecticidal Proteins.xml' and the file type is set to '*.txt;*.xml'. A red circle '1' highlights the 'Upload ST.25 [.txt] or ST.26 [.xml] file' button. The 'Import Sequence Listing' button is also visible.

insecticidal proteins.xml

Upload ST.25 [.txt] or ST.26 [.xml] file

Project Name
Import Sequence Project

Select Range Sequences

Select the general information contents to be imported

PROJECTS

Project name : Applicant file referenc

Creation Date

WIPO
WORLD
INTELLECTUAL PROPERTY
ORGANIZATION

WIPO PUBLIC

Importar listagem sequencial ST.25 (1)

- A WIPO Sequence suporta a importação de listagens sequenciais ST.25
- No entanto, os campos obrigatórios ST.26 em falta no arquivo importado terão de ser inseridos manualmente pelo usuário, inclusive:
 - FONTE/fonte: tipo de molécula e organismo
 - Qualificadores obrigatórios para características, ex: modified_base (mod_base)
- Na importação, a WIPO Sequence faz várias modificações nos dados importados antes de incluí-los no projeto.
- O relatório “Change Data” (dados modificados) apresenta um resumo das modificações

Importar listagem sequencial ST.25 (2)

- As modificações são implementadas com base nas recomendações enunciadas no Anexo VII (conselhos para a transformação de ST.25 em ST.26 sem acrescentar novas matérias)

- Isto inclui o seguinte:
 - Todos os resíduos ‘u’ são convertidos em ‘t’ para uma sequência ARN
 - Substitui moléculas de tipo:
 - (i) ADN por DNA, (ii) ARN por RNA, (iii) PRT por AA
 - Substitui ‘sequência artificial’ (e equivalentes especificados) por ‘construção sintética’
 - Substitui ‘desconhecido’ (e equivalentes especificados) por ‘não identificado’
 - Substitui os símbolos de aminoácidos em código de 3 letras por código de 1 letra.

Importar listagem sequencial (demo)



WIPO | Sequence

PROJECTS

PERSONS & ORGANIZATIONS

ORGANISMS

PREFERENCES ENGLISH

[NEW PROJECT](#) [IMPORT PROJECT](#) [IMPORT SEQUENCE LISTING](#) [VALIDATE SEQUENCE LISTING](#)

PROJECTS



Project name :	Applicant file reference	Applicant name	Invention title	Status	Creation Date
Insecticidal Proteins				new	2019-05-09

Importar o formato FASTA

WIPO | Sequence INSECTICIDAL PROTEINS VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING HELP PREFERENCES ENGLISH Return to project home

D:\test data\USPTO Test files\FASTA_multisequence_1.fasta Upload file [.txt, .xml, .FASTA]

Select Range of Sequence IDs * Molecule Type*

This field is mandatory and a value is required. Choose a default sequence molecule type for the selected Sequence ID range.

Check to save this description as a note.

Sequence Number [ID]	
1	>AAN76654.1 Est1 partial
2	>BAC11014.1 deletion isoform of telomerase reverse transcriptase
3	>CAA98800.1 CDC13
4	>AF411028.1 Saccharomyces pastorianus Est1 gene
5	>AB086379.1 Homo sapiens hTERT mRNA deletion isoform of telomerase reverse transcriptase

⏪ ⏩ 1 2 ⏪ ⏩

Importar o formato RAW

WIPO | Sequence INSECTICIDAL PROTEINS VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING HELP PREFERENCES ENGLISH Return to project home

20	141 error test_seq_48	680	AA	Listeria monocytogenes
----	-----------------------	-----	----	------------------------

⏪ ⏩ 1 2 ⏪ ⏩

D:\test data\raw_test.txt Upload file [.txt, .xml, .FASTA]

The file selected is in raw format. Please select the sequence molecule type in order to import the sequence.

Sequence Name*	Molecule Type*	▼
Organism name	Qualifier Molecule Type	▼

Cancel Import sequence

Importar multissequências

WIPO | Sequence

INSECTICIDAL PROTEINS

VERIFICATION REPORT

FREE TEXT QUALIFIERS

IMPORT REPORT

DISPLAY THE SEQUENCE LISTING

HELP

▼ PREFERENCES ENGLISH

Return to project home

<u>17</u>	141 error test_seq_44	261	AA	Homo sapiens
<u>18</u>	141 error test_seq_46	29	DNA	Homo sapiens
<u>19</u>	141 error test_seq_47	29	DNA	Homo sapiens
<u>20</u>	141 error test_seq_48	680	AA	Listeria monocytogenes

⏪ ⏩ 1 2 ⏪ ⏩

D:\test data\Multisequence.txt

Upload file [,.txt, .xml, .FASTA]


Select Range of Sequence IDs

Cancel Import sequence

Relatório de importação (1)

- Caso tenha havido erros ou avisos durante a importação, será gerado um relatório de importação
- As mensagens fornecidas neste relatório destacam certas sequências que exigirão introdução manual pelo usuário
- O relatório de importação fornece uma classificação, a etiqueta ST.25 relevante, uma mensagem para o usuário e a SEQ ID
- As mensagens podem ser classificadas ('Tipo de nota') como:
 - INDIVIDUAIS: relacionadas com uma sequência importada específica
 - GLOBAIS: relativas a todas as sequências importadas

Relatório de importação (2)


[INSECTICIDAL PROTEINS](#)
[VERIFICATION REPORT](#)
[FREE TEXT QUALIFIERS](#)
[IMPORT REPORT](#)
[DISPLAY THE SEQUENCE LISTING](#)
[HELP](#)
[PREFERENCES](#)
[ENGLISH](#)
[Return to project home](#)


Import Report Messages

Type of Note	Data Element	Message Text	Detected Sequence
INDIVIDUAL	<222>	No location information has been found for the feature SOURCE of SEQ ID NO 23. The user can add the location information as recommended in Annex VII, ST.26.	23
INDIVIDUAL	<222>	No location information has been found for the feature SOURCE of SEQ ID NO 24. The user can add the location information as recommended in Annex VII, ST.26.	24
INDIVIDUAL	<222>	No location information has been found for the feature SOURCE of SEQ ID NO 25. The user can add the location information as recommended in Annex VII, ST.26.	25
INDIVIDUAL	<222>	No location information has been found for the feature SOURCE of SEQ ID NO 26. The user can add the location	26

Mudar a transposição de dados (1)

- Detalhes específicos de quaisquer alterações efetuadas durante a importação de uma listagem sequencial ST.25
- Contrastado com o relatório de importação, em que se espera que o usuário forneça esses detalhes
- Listagem da etiqueta original ST.25 e da etiqueta ST.26 alvo, bem como da transformação que foi aplicada e a ID SEQ relevante
- Porém, as transformações aqui não alteram o conteúdo original: por exemplo, um ‘u’ mudado para um ‘t’ ainda será uracil no projeto ST.26

Mudar a transposição de dados (2)



[INSECTICIDAL PROTEINS](#)
[VERIFICATION REPORT](#)
[FREE TEXT QUALIFIERS](#)
[IMPORT REPORT](#)
[DISPLAY THE SEQUENCE LISTING](#)
[HELP](#)
[PREFERENCES](#)
[ENGLISH](#)
[Return to project home](#)

Change Data

Origin Tag	Origin Element Name	Origin Element Value	Target Element Name	Target Element Value	Transformation	Sequence ID Number
<222>	Feature Location		Feature Location	1..15	A feature location has been specified automatically since one was not provided.	23
<221>	Name/Key		Feature Key	REGION	The custom feature key has been replaced with a recommended key (see Annex VII, ST.26).	23
<223>	Other information		Qualifier Name	NOTE	A 'Note' qualifier has been created.	23
<223>	Other information		Qualifier Value	Antibody Light Chain CDR	A value has been added to qualifier	23

Acréscimo de chaves de características e qualificadores (1)

▼ SEQUENCE 2

Sequence Number (ID) 2	Molecule Type DNA	
Sequence Name Inserted sequence	Organism Wohlfahrtiopsis bishoppi	
Length 41		

▼ FEATURES

Add feature

Feature Key	Location	Qualifiers
source	1..41	mol_type = genomic DNA organism = Wohlfahrtiopsis bishoppi



▼ SEQUENCE

gatagtatgt atatatagta gtatgatgat gatatgatga t	41
---	----

Acréscimo de chaves de características e qualificadores (2)

▼ FEATURES

Add feature

Feature Key	Location	Qualifiers	
source	1..23	mol_type = genomic DNA organism = Tinamus osgoodi	

1

Feature 1

Feature Key*	Feature Location*
D_segment	4..15

For a detailed explanation of the format of the feature location please [click here](#)

▼ QUALIFIERS



Add qualifier

Cancel Create Feature

Acréscimo de chaves de características e qualificadores (3)

▼ QUALIFIERS

Add qualifier

Qualifier Name	mol_type	Qualifier Value	genomic DNA	
Qualifier Name	organism	Qualifier Value	Tinamus osgoodi	

Qualifier Name

Qualifier Value

- cell_line
- cell_type
- chromosome
- clone
- clone_lib

Cancel Create Qualifier

Acréscimo de característica/qualificador (demo)

WIPO | Sequence PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH

NEW PROJECT IMPORT PROJECT IMPORT SEQUENCE LISTING VALIDATE SEQUENCE LISTING

PROJECTS

Search project by name

Project name	Applicant file reference	Applicant name	Invention title	Status	Creation Date
Insecticidal Proteins				new	2019-05-09
Optimal Soybean Loci				new	2019-05-09

Localizações de características permitidas (1)

- Descritores de localização para sequências de nucleotídeos e aminoácidos:

Localização	Sintaxe	Descrição
Número único de resíduos	x	Aponta para um único resíduo na sequência.
Números de resíduos que delimitam uma extensão de sequência	x..y	Aponta para uma gama contínua de resíduos que os resíduos iniciais e finais delimitam e incluem.
Resíduos antes do primeiro ou depois do último número de resíduos especificado	<x >x <x..y x..>y <x..>y	Aponta para uma região que inclui um resíduo ou extensão especificados de resíduos e que se estende para além de um resíduo especificado. Os símbolos '<' e '>' podem ser usados com um único resíduo ou com o número de resíduos no início e no fim de uma extensão de resíduos.

Localizações de características permitidas (2)

- Descritores de localização somente para sequências de nucleotídeos:

Localização	Sintaxe	Descrição
Um local entre dois nucleotídeos contíguos	x^y	Aponta para uma localização entre dois nucleótidos adjacentes, por exemplo, um local de clivagem endonucleolítica. Os números de posição dos nucleotídeos adjacentes são separados por um caractere (^).

Localizações de características permitidas (3)

- Descritores de localização somente para aminoácidos:

Localização	Sintaxe	Descrição
Números de resíduos unidos por um cross-link intra-cadeia	x..y	Aponta para aminoácidos unidos por uma ligação intra-cadeia quando usada com uma característica que indica uma ligação cruzada intra-cadeia, como “CROSSLNK” ou “DISULFID”.

Localizações de características complexas

(SOMENTE sequências nucleotídicas)

Location syntax	Location description
<code>join(location, location, ..., location)</code>	The indicated locations are joined (placed end-to-end) to form one contiguous sequence.
<code>order(location, location, ..., location)</code>	The elements are found in the specified order but nothing is implied about whether joining those elements is reasonable.
<code>complement(location)</code>	Indicates that the feature is located on the strand complementary to the sequence span specified by the location descriptor, when read in the 5' to 3' direction or in the direction that mimics the 5' to 3' direction.

Qualificadores de texto livre: definição e uso

- Texto livre: *“é um tipo de formato de valor para certos qualificadores, apresentado sob a forma de uma frase de texto descritivo ou outro formato especificado”*
 - ref: WIPO ST.26

- Um dos seguintes dois tipos:
 - Dependente de idioma (pode exigir tradução), por exemplo, note
 - Independente de idioma, como allele

- Não deve ultrapassar mil caracteres, a menos que seja o qualificador de tradução

- Ver WIPO ST.26 Anexo I Seções 6 e 8: lista completa de qualificadores de texto livre dependentes de idioma

Acréscimo de qualificador de texto livre

WIPO | Sequence INSECTICIDAL PROTEINS VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING HELP PREFERENCES ENGLISH

Return to project home

For a detailed explanation of the format of the feature location please [click here](#)

▼ QUALIFIERS

Add qualifier

Qualifier Name *	▼	Qualifier Value
note		
		NOTE: this value may require translation for National/Regional procedures.
Language*	▼	Non English Qualifier Value
There is currently no Non English language code selected in your project. Please select one first.		

Cancel Create Qualifier

Cancel Create Feature

Qualificadores de texto livre: XLIFF

WIPO | Sequence INSECTICIDAL PROTEINS VERIFICATION REPORT **FREE TEXT QUALIFIERS** IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING HELP PREFERENCES ENGLISH Return to project home

IMPORT FREE TEXT QUALIFIERS EXPORT FREE TEXT QUALIFIERS

FREE TEXT QUALIFIERS

Sequence ID Number	Sequence Name	Feature Key	Feature Location	Qualifier ID	Qualifier Name	Qualifier Value	Non English Qualifier Value-[fr]	Available language codes
1	Error four testing_seq_20	SOURCE	1..191	q26	<u>ORGANISM</u>	synthetic construct		
2	Error four testing_seq_1	source	1..1004	q5	<u>organism</u>	unidentified		
3	Error four testing_seq_2	SOURCE	1..191	q6	<u>ORGANISM</u>	unidentified		
4	Error four testing_seq_3	source	1..1004	q7	<u>organism</u>	synthetic construct		
5	Error four testing_seq_4	SOURCE	1..191	q8	<u>ORGANISM</u>	synthetic construct		


Validação da listagem sequencial

WIPO | Sequence DEMO PROJECT VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING PREFERENCES ENGLISH [Back To List](#)


GENERAL INFORMATION SEQUENCES

DEMO PROJECT

[Print](#) [Export](#) [Import Another Project](#) [Validate](#) [Generate Sequence Listing](#)

Project Name Demo Project	Creation date 2019-02-21	
File Name	Sequences 36	
Description Th is is a project for demonstration purposes of the manual.	Status new	

Relatório de verificação

 **WIPO** | Sequence

[INSECTICIDAL PROTEINS](#)
[VERIFICATION REPORT](#)
[FREE TEXT QUALIFIERS](#)
[IMPORT REPORT](#)
[DISPLAY THE SEQUENCE LISTING](#)
[HELP](#)
[▼](#)
[PREFERENCES](#)
[ENGLISH ▼](#)
Return to project home

ERROR: After project verification, some errors or warnings have been detected. ✕

Report generated on 2021-04-26

<input type="checkbox"/>	Severity ◯	Data Element ◯	Message Text	Detected Value	Detected Sequence	Rule ID ◯
<input type="checkbox"/>	ERROR	<u>Sequence Residue</u>	The sequence contains the invalid nucleotide symbol u at position 107. Nucleotide sequences must only contain the symbols set forth in WIPO ST.26 Annex I, Section 1.	-	Sequence 40	SR_2_SR_3
<input type="checkbox"/>	ERROR	<u>Sequence Residue</u>	The sequence contains the invalid nucleotide symbol u at position 4. Nucleotide sequences must only contain the symbols set forth in WIPO ST.26 Annex I, Section 1.	-	Sequence 40	SR_2_SR_3
			The sequence contains			

Mensagens de erro/advertência

- ADVERTÊNCIA: pode ser ignorada, mas deve ser abordada através de revisão manual
- ERRO: deve ser abordado pelo usuário
- Link no relatório de verificação para um componente específico da sequência que causou o erro/aviso
- O projeto deve ser validado novamente para que este erro seja retificado no relatório
- O relatório de verificação pode ser impresso para consulta posterior

Relatório de validação: nenhum erro



The screenshot displays the top navigation bar of the WIPO Sequence tool. The navigation menu includes: INSECTICIDAL PROTEINS, VERIFICATION REPORT (highlighted), FREE TEXT QUALIFIERS, IMPORT REPORT, DISPLAY THE SEQUENCE LISTING, HELP, PREFERENCES, and ENGLISH. A 'Return to project home' button is located in the top right corner. Below the navigation bar, a light blue success message states: 'SUCCESS: The project has been successfully verified'. A larger light blue box contains the text: 'Report successfully generated on 2021-04-08' and 'This project does not contain any errors or warnings.'

Validação de listagem sequencial (demo)

WIPO | Sequence PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH

NEW PROJECT IMPORT PROJECT IMPORT SEQUENCE LISTING VALIDATE SEQUENCE LISTING

PROJECTS

Search project by name

Project name	Applicant file reference	Applicant name	Invention title	Status	Creation Date
Insecticidal Proteins				new	2019-05-09

Geração de listagem sequencial ST.26

The screenshot displays the WIPO Sequence application interface. At the top, a dark navigation bar contains the WIPO logo and the text 'WIPO | Sequence'. To the right of the logo, a series of menu items are listed: 'DEMO PROJECT', 'VERIFICATION REPORT', 'FREE TEXT QUALIFIERS', 'IMPORT REPORT', 'DISPLAY THE SEQUENCE LISTING', 'PREFERENCES', and 'ENGLISH' with a dropdown arrow. A 'Back To List' button is located in the top right corner of the navigation bar.

Below the navigation bar, the page content is organized into sections. On the left, there are two tabs: 'GENERAL INFORMATION' and 'SEQUENCES'. The 'DEMO PROJECT' title is prominently displayed in large, bold, black letters. To the right of the title, a row of five buttons is visible: 'Print', 'Export', 'Import Another Project', 'Validate', and 'Generate Sequence Listing'. The 'Generate Sequence Listing' button is highlighted with a red rectangular border.

Below the buttons, a white box contains project details. On the left side of this box, the following information is listed: 'Project Name Demo Project', 'File Name', and 'Description Th is is a project for demonstration purposes of the manual.' On the right side, the following information is listed: 'Creation date 2019-02-21', 'Sequences 36', and 'Status new'. A small edit icon (a pencil) is located in the bottom right corner of this information box.

```

<?xml version="1.0" encoding="UTF-8"?>
<!DOCTYPE ST26SequenceListing PUBLIC "-//WIPO//DTD Sequence Listing 1.3//EN" "ST26SequenceListing_V1_3.dtd">
<ST26SequenceListing originalFreeTextLanguageCode="en" dtdVersion="V1_3" fileName="Insecticidal Proteins SL"
softwareName="WIPO Sequence" softwareVersion="1.1.0-beta.5" productionDate="2021-04-08">
  <ApplicationIdentification>
    <IPOfficeCode>IB</IPOfficeCode>
    <ApplicationNumberText>PCT/IB2021/000021</ApplicationNumberText>
    <FilingDate>2021-04-07</FilingDate>
  </ApplicationIdentification>
  <ApplicantFileReference>WIPO-Insect-Demo</ApplicantFileReference>
  <EarliestPriorityApplicationIdentification>
    <IPOfficeCode>IB</IPOfficeCode>
    <ApplicationNumberText>PCT/IB/2020/000045</ApplicationNumberText>
    <FilingDate>2020-04-06</FilingDate>
  </EarliestPriorityApplicationIdentification>
  <ApplicantName languageCode="en">Merck Sharpe and Dohme Corp.</ApplicantName>
  <InventionTitle languageCode="en">Insecticidal proteins and methods of their use</InventionTitle>
  <SequenceTotalQuantity>32</SequenceTotalQuantity>
  <SequenceData sequenceIDNumber="1">
    <INSDSeq>
      <INSDSeq_length>440</INSDSeq_length>
      <INSDSeq_moltype>AA</INSDSeq_moltype>
      <INSDSeq_division>PAT</INSDSeq_division>
      <INSDSeq_feature-table>
        <INSDFeature>
          <INSDFeature_key>SOURCE</INSDFeature_key>
          <INSDFeature_location>1..440</INSDFeature_location>
          <INSDFeature_qual>
            <INSDQualifier>
              <INSDQualifier_name>MOL_TYPE</INSDQualifier_name>
              <INSDQualifier_value>protein</INSDQualifier_value>
            </INSDQualifier>
            <INSDQualifier id="q84">
              <INSDQualifier_name>ORGANISM</INSDQualifier_name>
              <INSDQualifier_value>Homo sapiens</INSDQualifier_value>
            </INSDQualifier>
          </INSDFeature_qual>
        </INSDFeature>
      </INSDSeq_feature-table>
    </INSDSeq>
  </SequenceData>

```

```

QVQLVESGGGVVQPGRSLRLDCKASGITFSNSGMHWVRQAPGKGLEWVAVIWDGSKRYYADSVKGRFTISRDNKNTLFLQMNSLRAEDTAVYYCATNDDYWGQGLVTV!
SNTKVDKRVESKYGPPCPPCPAPEFLGGPSVFLFPPKPKDLMISRTPEVTCVVVDVSDQEDPEVQFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQFNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYK

```

Geração de ST.26 SL em formato legível por humanos: TXT

Informações sobre a listagem sequencial:

Versão DTD: V1_3

Nome do arquivo: Proteínas inseticidas SL

Nome do software: WIPO Sequence

Versão do software: 1.1.0-beta.5

Data de produção: 08-04-2021

Informações Gerais:

Pedido atual / Instituto de PI: IB

Pedido atual / Número do pedido: PCT/IB2021/000021

Pedido atual / Data de depósito: 07-04-2021

Pedido atual / Referência do processo do requerente: WIPO-Insect-Demo

Pedido prioritário mais antigo / Instituto de PI: IB

Pedido prioritário mais antigo / Número do pedido: PCT/IB/2020/000045

Pedido prioritário mais antigo / Data de depósito: 06-04-2020

Nome do requerente: Merck Sharpe and Dohme Corp.

Nome do requerente / Idioma: en

Título da invenção: Insecticidal proteins and methods of their use (en)

Quantidade Total de Sequências: 32

Sequências:

Número de Sequência (ID): 1

Comprimento: 440

Tipo de Molécula: AA

Localização das Características/Qualificadores:

- FONTE, 1..440

> MOL_TIPO, proteína

> ORGANISMO, Homo sapiens

WIPO PUBLIC

Geração de ST.26 SL em formato legível por humanos: HTML

Sequence Listing

1	Sequence Listing Information	
1-1	File Name	Insecticidal Proteins SL.xml
1-2	DTD Version	V1_3
1-3	Software Name	WIPO Sequence
1-4	Software Version	1.2.0-beta.3
1-5	Production Date	2022-03-21
1-6	Original free text language code	en
1-7	Non English free text language code	
2	General Information	
2-1	Current application: IP Office	IB
2-2	Current application: Application number	PCT/IB2021/000021
2-3	Current application: Filing date	2021-04-07
2-4	Current application: Applicant file reference	WIPO-Insect-Demo
2-5	Earliest priority application: IP Office	IB
2-6	Earliest priority application: Application number	PCT/IB/2020/000045
2-7	Earliest priority application: Filing date	2020-04-06
2-8en	Applicant name	Merck Sharpe and Dohme Corp.
2-8en	Applicant name: Name Latin	
2-9	Inventor name	
2-9en	Inventor name: Name Latin	
2-10en	Invention title	Insecticidal proteins and methods of their use
2-11	Sequence Total Quantity	31
3-1	Sequences	
3-1-1	Sequence Number [ID]	1
3-1-2	Molecule Type	AA
3-1-3	Length	440

Pessoas/Organizações

WIPO | ST26 Tool PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH ▼

CREATE NEW PERSON OR ORGANIZATION

PERSONS & ORGANIZATIONS

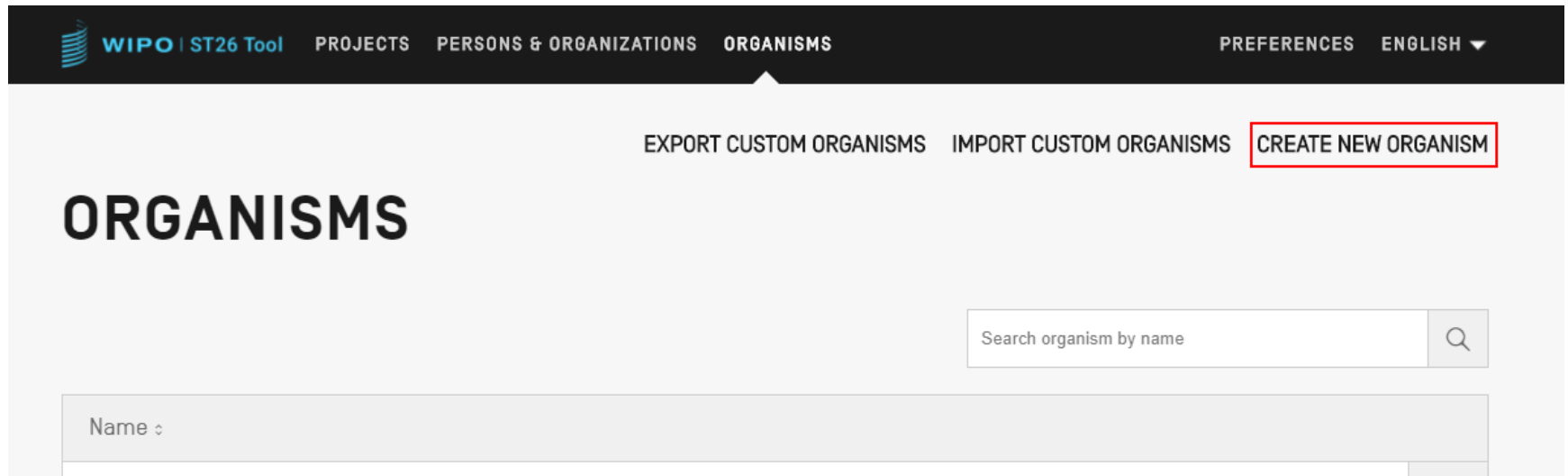
Search person or organization by name

Name ◯	Language Code ◯	Name Latin ◯	Residence Address ◯	Correspondence Address ◯

WIPO | ST26 Tool CREATE NEW PERSON OR ORGANIZATION PREFERENCES ENGLISH ▼

Name*	Residence Address
Language* <input type="button" value="▼"/>	Correspondence Address
Name Latin	

Organismos Personalizados



The screenshot shows the 'Organisms' section of the WIPO ST26 Tool. The top navigation bar includes 'WIPO | ST26 Tool', 'PROJECTS', 'PERSONS & ORGANIZATIONS', 'ORGANISMS', 'PREFERENCES', and 'ENGLISH'. Below the navigation bar, there are three buttons: 'EXPORT CUSTOM ORGANISMS', 'IMPORT CUSTOM ORGANISMS', and 'CREATE NEW ORGANISM' (highlighted with a red border). The main heading is 'ORGANISMS'. A search bar with the placeholder text 'Search organism by name' and a magnifying glass icon is present. Below the search bar, there is a table with a header row containing 'Name' and a dropdown arrow.

WIPO | ST26 Tool PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH ▼

EXPORT CUSTOM ORGANISMS IMPORT CUSTOM ORGANISMS **CREATE NEW ORGANISM**

ORGANISMS

Search organism by name

Name ▾

Idiomas disponíveis (1)

- A ferramenta desktop Wipo Sequence fornece todos os rótulos e mensagens de notificação em cada um dos 10 idiomas PCT:
 - Inglês, francês, espanhol, árabe, russo, chinês, alemão, português, coreano e japonês
- A página inicial / o manual do usuário também está disponível nesses dez idiomas
- O idioma para a interface pode ser configurado no canto superior direito da tela (mostrado na página seguinte)
- O idioma padrão GUI (Graphical User Interface) pode ser definido em 'Preferências'
- O relatório de verificação também será gerado nesse idioma


Idiomas disponíveis (2)

WIPO | Sequence DEMONSTRATION PROJECT VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING PREFERENCES ENGLISH Back To List

GENERAL INFORMATION SEQUENCES

DEMONSTRATION PROJECT


Print Export Import Another Project Validate **Generate Sequence Listing**

Project Name Demonstration Project	Creation date 2019-01-30	
File Name Sequence-list-import	Sequences 6	
Description This is a description for the project.	Status generated	

► GENERAL INFORMATION

► SEQUENCES


Ajuste de preferências

 **PREFERENCES** **HELP** ▼

PREFERENCES **ENGLISH** ▼ [Return to project home](#)

PREFERENCES

Maximum number of residue symbols to be displayed *	200
Default location where the sequence listing XML file will be generated	C:\Users\devfrancis\Documents\WIPO Sequence Testing
Maximum number of sequences to print [Leave empty for all]	1000
Maximum number of residues to print [Leave empty for all]	1000
Original free text language code [optional]	false
Enable rule XQV_49 for language-dependent qualifiers	Off
Default language for tool interface *	English



Sessão de perguntas e respostas

wiposequence@wipo.int

Recursos adicionais

- Norma WIPO ST.26 (em inglês):

<https://www.wipo.int/export/sites/www/standards/en/pdf/03-26-01.pdf>

- Página inicial da WIPO Sequence (em inglês):

<https://www.wipo.int/standards/en/sequence>