

■ WIPO Sequence 데스크탑 소프트웨어

웨비나 교육

오늘 다룰 내용

- 도구의 목적
- 인터페이스 내의 기본 보기: 프로젝트 홈, 프로젝트 세부사항
- 지원하는 주요 기능:
 - 프로젝트 및 서열 작성
 - 서열목록 데이터 가져오기 – 다양한 형식 지원
 - 서열목록 데이터 유효성 검증 – 검증 보고서
 - 프로젝트 데이터 추가 – 특징 기호 및 한정자
 - 자유텍스트 한정자 및 XLIFF 내보내기
 - ST.26을 준수하는 서열목록 생성
- 언어 지원 및 환경 설정 조정

다루지 않는 내용

■ WIPO ST.26을 소개하는 강의에 포함된 내용은 다루지 않습니다:
https://www.wipo.int/meetings/en/details.jsp?meeting_id=62848

■ 위의 강의를 수강하지 않은 경우 아래 주소에 링크된 WIPO 표준 ST.26을 참조하십시오:

<https://www.wipo.int/export/sites/www/standards/en/pdf/03-26-01.pdf>

■ ‘WIPO Sequence 개발’ 현황 - 빅뱅 시행일(2022.07.01.)에 사용될 첫 공식 버전은 2022년 5월에 출시 예정입니다.

WIPO Sequence 데스크탑 소프트웨어의 목적

- 2022년 7월 1일부터 국제, 국내 또는 지역 특허청에 출원 시 제출되는 모든 서열목록은 WIPO 표준 ST.26을 반드시 준수해야 합니다.
- WIPO Sequence: WIPO ST.26을 준수하는 서열목록을 작성하고 검증할 수 있도록 WIPO가 만든 전세계 공통 데스크탑 소프트웨어입니다.
- WIPO Sequence는 전세계 모든 출원인이 무료로 동일한 소프트웨어를 사용할 수 있도록 보장합니다.
- 제출된 서열목록은 특허공개와 함께 누구나 검색할 수 있는 DB (GenBank 등)에 공개됩니다.

ST.25 vs ST.26

ST.25	ST.26
숫자 식별자를 갖는 ASCII .txt (예, <210>)	구성요소와 속성을 갖는 XML
다음을 포함할 필요가 없음 : <ul style="list-style-type: none"> - D-아미노산 - 분지형 서열의 선형(linear) 부위 - 핵산염기 유사체 	다음을 포함해야 함 : <ul style="list-style-type: none"> - D-아미노산 - 분지형 서열의 선형 부위 - 핵산염기 유사체
서열 주석: <ul style="list-style-type: none"> - 특징 기호(feature key)만 가능 	서열 주석: <ul style="list-style-type: none"> - 특징 기호(feature key) 및 한정자(qualifier)
서열 포함 허용 : <ul style="list-style-type: none"> - 10개 미만의 구체적으로 정의된 핵산염기 서열 - 4개 미만의 구체적으로 정의된 아미노산 서열 	금지된 서열: <ul style="list-style-type: none"> - 10개 미만의 구체적으로 정의된 핵산염기 서열 - 4개 미만의 구체적으로 정의된 아미노산 서열

WIPO Sequence: 설치

- 모든 설치 패키지 및 사용자 지원 문서는 다음 주소의 WIPO Sequence 홈페이지에서 다운로드 가능합니다:

<https://www.wipo.int/standards/ko/sequence>

- WIPO Sequence 데스크탑 소프트웨어는 MS Windows, Mac OSX 및 Linux 운영 체제에서 사용 가능합니다.
- 새로운 버전을 사용 가능할 경우에는 자동 업데이트 기능이 이를 사용자에게 알려줍니다.
- 새로운 버전이 데스크탑에 설치되기 전 새 이용 약관을 승인해야 합니다.

WIPO Sequence: 중요

- WIPO Sequence에 입력된 프로젝트 데이터 및 작성된 모든 서열목록은 사용자의 컴퓨터에 저장됩니다.
- 프로젝트를 오프라인에서 작성하고 서열목록을 생성할 수 있지만 자동 업데이트 기능을 사용하려면 인터넷에 연결해야 합니다.
- WIPO Sequence는 모든 출원인이 무료로 사용할 수 있도록 제공되지만 소스 코드는 제공되지 않습니다.
- WIPO Sequence에 관한 새로운 소식을 받기 위해서는 WIPO Sequence 홈페이지를 통해 뉴스레터 구독을 권장합니다.

프로젝트 홈

[NEW PROJECT](#) [IMPORT PROJECT](#) [IMPORT SEQUENCE LISTING](#) [VALIDATE SEQUENCE LISTING](#)

PROJECTS



Project name ◦	Applicant file reference	Applicant name	Invention title	Status	Creation Date 📅
Test ST.26 Import				new	2019-04-03
SampleValidProject	14283.6000-00000	BIOMX LTD.	BACTERIOPHAGE FOR MODULATING INFLAMMATORY BOWEL DISEASE	generated	2019-04-04

[새 프로젝트](#)
[프로젝트 가져오기](#)
[서열목록 가져오기](#)
[서열목록 검증](#)

프로젝트



프로젝트 명칭 ◦	출원인 관리번호 ◦	출원인 명칭 ◦	발명의 명칭 ◦	상태 ◦	생성일자 ◦
ST.26 수정부록				무효	2022-05-03 10:15
ST.26AnnexIII	2021-0001	홍길동	AnnexIII Sequence Listing Test	무효	2021-04-26 21:00
ST26서열목록작성테스트	98-00002	홍길동	Example of a Sequence Listing	생성된	2021-04-23 11:55

프로젝트 세부사항

WIPO | Sequence DEMONSTRATION PROJECT VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING PREFERENCES ENGLISH ▼ [Back To List](#)

GENERAL INFORMATION SEQUENCES

DEMONSTRATION PROJECT

Print
Export
Import Another Project
Validate
Generate Sequence Listing

<p>Project Name Demonstration Project</p> <p>File Name Sequence-list-import</p> <p>Description This is a description for the project.</p>	<p>Creation date 2019-01-30</p> <p>Sequences 6</p> <p>Status generated</p>	
---	---	--

▶ **GENERAL INFORMATION**

▶ **SEQUENCES**

일반 정보 서열

ST26서열목록작성테스트

인쇄

내보내기

다른 프로젝트 가져오기

검증

서열목록 생성

프로젝트 명칭 ST26서열목록작성테스트

상태 생성된

프로젝트 설명 서열목록작성테스트

최초 자유텍스트 언어 코드 en

CDS 특징이 생성될 때 translation 한정자를 자동으로 추가합니다. 켜짐

생성일자 2021-04-23 11:55

파일명 ST26SequenceListingTest_0414

서열 3

비영어 자유텍스트 언어 코드 ko



▶ 일반 정보

▶ 서열

소프트웨어 주요 특징 (1)

- 프로젝트 작성:
 - 일반 정보
 - 서열
 - 프로젝트 검증
 - ST.26 서열목록 생성
 - 서열목록 인쇄
 - ST.26 서열목록 유효성 검증(오류 검증)

- 사용자 정의 목록:
 - 사용자 정의 생물명
 - 개인 및 법인명

소프트웨어 주요 특징 (2)

- 가져오기:
 - 기존 서열목록: ST.25/ST.26
 - 일반 형식: FASTA/multi-sequence/raw
 - 기존 ST.26 프로젝트

- 소프트웨어 기능:
 - 환경 설정
 - 다중 언어 지원
 - 자동 업데이트

- 이 소프트웨어의 전체 기능은 다음 주소에 링크된 WIPO Sequence 데스크탑 매뉴얼에 안내되어 있습니다:
<https://www.wipo.int/standards/ko/sequence>

프로젝트 작성

The screenshot shows the top navigation bar of the WIPO Sequence website. The left side contains the WIPO logo and the text 'WIPO | Sequence'. The right side contains navigation links: '프로젝트', '개인 및 법인', '생물명', and '도움말'. On the far right, there are links for '환경설정' and '한국어'. Below the navigation bar, the main content area features a large heading '프로젝트' on the left. To the right of the heading, there is a navigation menu with four items: '새 프로젝트' (highlighted with a red box), '프로젝트 가져오기', '서열목록 가져오기', and '서열목록 검증'. Below the heading and navigation menu, there is a search bar with the placeholder text '프로젝트 명칭 검색' and a search icon. A large grey box contains the following text: '현재 귀하의 목록에는 아무 프로젝트도 없습니다.' and ''프로젝트' 메뉴에서 새로운 프로젝트를 생성하거나 기존 프로젝트를 가져올 수 있습니다.'

프로젝트 세부사항 추가: 일반 정보

WIPO | Sequence

[ST26서열목록작성 테스트](#)
[검증 보고서](#)
[언어 종속 한 정자](#)
[검증 보고서 가져 오기](#)
[서열목록 표시](#)
[도움말](#)

[환경설정](#)
[한국어](#)
[프로젝트 홈으로 돌아가기](#)

ST26서열목록작성테스트

인쇄
내보내기
다른 프로젝트 가져오기
검증
서열목록 생성

<p>프로젝트 명칭 ST26서열목록작성테스트</p> <p>상태 생성된</p> <p>프로젝트 설명 서열목록작성테스트</p> <p>최초 자유텍스트 언어 코드 en</p> <p>CDS 특징이 생성될 때 translation 한정자를 자동으로 추가합니다. 켜짐</p>	<p>생성일자 2021-04-23 11:55</p> <p>파일명 ST26SequenceListingTest_0414</p> <p>서열 3</p> <p>비영어 자유텍스트 언어 코드 ko</p>
---	--

일반 정보

출원 정보 확인

특허청 코드

KR

<p>출원 정보 확인*</p> <ul style="list-style-type: none"> <input checked="" type="radio"/> 출원번호를 부여받기 전 <input type="radio"/> 출원번호를 부여받은 후 	<p>출원인 관리번호*</p> <p>98-00002</p> <p style="font-size: small;">관리 번호는 '출원번호를 부여받기 전'일 경우 필수로 기재되어야 합니다.</p>
<p>출원번호</p>	<p>출원일자</p> <p>Date</p>

취소
저장

서열 요약표

SEQUENCES

Sequence ID Number	Sequence Name	Length	Molecule Type	Organism
1	US20190136258A1-20190509-S00001_seq_SEQ ID NO 1	245	RNA	Rebilus crediton
2	Inserted sequence	41	DNA	Wohlfahrtiopsis bishoppi
3	US20190136258A1-20190509-S00001_seq_SEQ ID NO 2	1481		Pseudomonas sp.
4	US20190136258A1-20190509-S00001_seq_SEQ ID NO 2	1458		Pseudomonas monteilii

▼ 서열

새로운 서열 생성

서열 가져오기

서열 삽입

서열 재정렬

일괄 수정

서열식별번호	서열 명칭	길이	서열 타입	생물명	생략된 서열
1	Seq_1	162	DNA	Zymomonas mobilis	아니요
2	Seq_2	20	AA	Zymomonas mobilis	아니요
3	Seq_3	20	AA	Zymomonas mobilis	아니요

⏪ ⏩ 1 ⏪ ⏩

프로젝트 세부사항 추가: 새로운 서열

- 프로젝트 세부사항을 보여주는 화면에서 서열을 작성하거나 프로젝트에 서열을 가져올 수 있습니다.

The screenshot shows the top navigation bar of the WIPO Sequence application. The main content area is titled 'SEQUENCES' and contains a row of buttons: 'Create new sequence', 'Import sequence', 'Insert Sequence', 'Reorder Sequence', and 'Bulk Edit'. The 'Create new sequence' and 'Import sequence' buttons are highlighted with a red rectangular box. Below the buttons is a table header with columns: 'Sequence ID Number', 'Sequence Name', 'Length', 'Molecule Type', and 'Organism'.

WIPO | Sequence INSECTICIDAL PROTEINS VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING HELP PREFERENCES ENGLISH Return to project home

GENERAL INFORMATION SEQUENCES

SEQUENCES

Create new sequence Import sequence Insert Sequence Reorder Sequence Bulk Edit

Sequence ID Number	Sequence Name	Length	Molecule Type	Organism
--------------------	---------------	--------	---------------	----------

일반 정보 서열

발명의 명칭 Example of a Sequence Listing

언어 ko - Korean



서열

새로운 서열 생성

서열 가져오기

서열 삽입

서열 재정렬

일괄 수정

서열식별번호	서열 명칭	길이	서열 타입	생물명	생략된 서열
1	Seq_1	162	DNA	Zymomonas mobilis	아니요
2	Seq_2	20	AA	Zymomonas mobilis	아니요
3	Seq_3	20	AA	Zymomonas mobilis	아니요

서열 작성

SEQUENCES

Create new sequence Import sequence Insert Sequence Reorder Sequence

Sequence ID Number	Sequence Name	Length	INSDSeqMoltype	Organism
1	WIPO Sequence			

INSECTICIDAL PROTEINS VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING HELP PREFERENCES ENGLISH Return to project home

1 2

Sequence Name*
Name/description for sequence

Molecule Type*
DNA

Residues*
agagagagagagagagagatttaaaatttagagaatattagagagatatataggaagtatataggatatgagagtatagaggatatagggatata

Organism name
unidentified

Qualifier Molecule Type
genomic DNA

Mark as an intentionally skipped sequence
 The sequence contains both DNA & RNA fragments

Cancel Create sequence Create & Display Sequence

서열



새로운 서열 생성

서열 가져오기

서열 삽입

서열 재정렬

일괄 수정

서열식별번호	서열 명칭	길이	서열 타입	생물명	생략된 서열
1	 ST26서열목록작성 테스트	검증 보고서	언어 종속한 정자	검증 보고서 가져오기	서열목록 표시
2					
3	서열 명칭 Name/description for sequence		서열 타입* DNA		
잔기* agagagagagagagagagtttaa					
생물명 * unidentified		한정자 분자 타입 genomic DNA			
<input type="checkbox"/> 의도적으로 생략된 서열로 표시 <input type="checkbox"/> 이 서열은 DNA 및 RNA 단편을 모두 포함합니다					

취소 서열 생성 **서열 생성 및 표시**

생략된 서열

- ST. 25에서와 마찬가지로 생략된 서열은 '000'으로 표시됩니다.
- 생략된 서열로 지정하려면 하단의 체크박스를 체크하면 됩니다.
- 구체적인 대상: 구체적으로 정의된 아미노산 잔기가 4개 미만인 아미노산 서열/구체적으로 정의된 핵산 잔기가 10개 미만인 핵산 서열 등

SEQUENCE 2

Sequence Name* EP130135_N2067-7148W0 - SL_seq_2	Sequence Number (ID) 2
Molecule Type* AA	Length 45
Organism name synthetic construct	Qualifier Molecule Type protein
<input checked="" type="checkbox"/> Mark as an intentionally skipped sequence	

Cancel

Update sequence

▼ 서열 4

서열 명칭 SkippedSequenceExample	서열식별번호 4
서열 타입* AA ▼	길이 0
생물명 * synthetic construct	한정자 분자 타입 protein ▼
<input checked="" type="checkbox"/> 의도적으로 생략된 서열로 표시	

취소

서열 업데이트

서열 재정렬

- 기작성된 서열목록의 서열번호의 순서를 변경할 수 있습니다.

The screenshot shows the WIPO Sequence database interface. At the top, there is a navigation bar with various options like 'WIPO Sequence', 'INSECTICIDAL PROTEINS', 'VERIFICATION REPORT', 'FREE TEXT QUALIFIERS', 'IMPORT REPORT', 'DISPLAY THE SEQUENCE LISTING', 'HELP', 'PREFERENCES', and 'ENGLISH'. Below the navigation bar, there are tabs for 'GENERAL INFORMATION' and 'SEQUENCES'. The 'SEQUENCES' tab is active, and the page title is 'SEQUENCES'. Below the title, there are several buttons: 'Create new sequence', 'Import sequence', 'Insert Sequence', 'Reorder Sequence' (highlighted with a red box), and 'Bulk Edit'. Below the buttons is a table with the following data:

Sequence ID Number	Sequence Name	Length	Molecule Type	Organism
1	Error four testing_seq_1	1004	DNA	unidentified
2	Error four testing_seq_2	191	AA	unidentified
3	Error four testing_seq_3	1004	DNA	synthetic construct
4	Error four testing_seq_4	191	AA	synthetic construct
5	Error four testing_seq_5	795	DNA	synthetic construct
6	Error four testing_seq_6	264	AA	synthetic construct

▼ 서열

새로운 서열 생성

서열 가져오기

서열 삽입

서열 재정렬

일괄 수정

서열식별번호	서열 명칭	길이	서열 타입	생물명	생략된 서열
1	Seq_1	162	DNA	Zymomonas mobilis	아니요
2	Seq_2	20	AA	Zymomonas mobilis	아니요
3	Seq_3	20	AA	Zymomonas mobilis	아니요
4	SkippedSequenceExample	0	AA	synthetic construct	예

기존 서열목록 가져오기

The screenshot displays the WIPO Sequence web application interface. At the top, navigation tabs include 'PROJECTS', 'PERSONS & ORGANIZATIONS', and 'ORGANISMS'. The main navigation bar features buttons for 'NEW PROJECT', 'IMPORT PROJECT', 'IMPORT SEQUENCE LISTING' (highlighted with a red box), and 'VALIDATE SEQUENCE LISTING'. Below this, a form area contains a text input field with 'insecticidal proteins.xml', an 'Upload ST.25 [.txt] or ST.26 [.xml] file' button (marked with a red circle 1), and a 'Project Name' field containing 'Import Sequence Project' (marked with a red circle 3). A file explorer window is overlaid on the interface, showing a directory structure with files like 'ST26T-1087', '9_ST25_9238084_DTD_Based.xml', 'changedata.xml', 'Insecticidal Proteins (1).xml', and 'Insecticidal Proteins.xml' (marked with a red circle 2). The file explorer also shows a table with columns for 'Nombre', 'Fecha de modifica...', and 'Tipo'. At the bottom of the file explorer, the file name 'Insecticidal Proteins.xml' and the file type '*.txt.xml (*.txt;*.xml)' are visible. The background interface includes a 'PROJECTS' section with a search bar and a table with columns for 'Project name', 'Applicant file referen...', and 'Creation Date'. A blue 'Import Sequence Listing' button is located at the bottom right of the form area.

서열

새로운 서열 생성

서열 가져오기

서열 삽입

서열 재정렬

일괄 수정

서열식별번호	서열 명칭	길이	서열 타입	생물명	생략된 서열
1	Seq_1	162	DNA	Zymomonas mobilis	아니요
2	Seq_2	20	AA	Zymomonas mobilis	아니요
3	Seq_3	20	AA	Zymomonas mobilis	아니요
4	SkippedSequenceExample	0	AA	synthetic construct	예

⏪ ⏩ 1 ⏪ ⏩

파일 [.txt, .xml, .FASTA] 업로드

원시(raw), FASTA, 다중-서열, ST.25, ST.26

ST.25 서열목록 가져오기 (1)

- WIPO Sequence는 ST.25 서열목록을 가져올 수 있습니다.
- 다만, 가져온 파일에는 포함되어 있지 않으나 ST.26에서는 필수로 입력해야 하는 요소는 (아래 내용을 포함) 사용자가 수동으로 입력해야 합니다:
 - SOURCE/ source: 분자 타입 및 생물명
 - 특징에 필요한 필수 한정자 (예: modified_base(mod_base))
 - 기작성된 서열목록의 서열번호의 순서를 변경할 수 있음
- ‘가져오기’를 수행할 때 WIPO Sequence는 가져온 데이터를 일부 변경하여 프로젝트에 포함시킵니다.
- 이러한 변경 사항은 “변경된 데이터” 보고서에 요약됩니다.

ST.25 서열목록 가져오기 (2)

- 데이터 변경은 Annex VII의 권장사항에 따라 수행됩니다.
(Annex VII은 신규사항 추가 없이 ST.25에서 ST.26으로 서열목록을 변환하기 위한 권장사항을 제공)
- 데이터 변경에는 다음과 같은 사항이 포함됩니다:
 - RNA 서열인 경우 모든 ‘u’ 잔기를 ‘t’로 변환
 - 분자 타입 대체:
 - (i) AND → DNA, (ii) ARN → RNA, (iii) PRT → AA
 - ‘artificial sequence(인공 서열)’ (및 특정 등가물)을 ‘synthetic construct(합성 구조체)’로 대체
 - ‘unknown(알 수 없음)’ (및 특정 등가물)을 ‘unidentified(식별되지 않음)’으로 대체
 - 3-문자 아미노산 기호를 1-문자 아미노산 기호로 대체

서열목록 가져오기

일반 정보 서열

서열

새로운 서열 생성

서열 가져오기

서열 삽입

서열 재정렬

일괄 수정

서열식별번호	서열 명칭	길이	서열 타입	생물명	생략된 서열
--------	-------	----	-------	-----	--------

1 C:\Users\20110023\Documents\ST테스트서열.txt

파일 [.txt, .xml, .FASTA] 업로드

 2 가져올 서열을 입력하십시오.

서열식별번호	위치
[1]	1
[2]	3
[3]	4

⏪ ⏩ 1 ⏪ ⏩

서열 ID 범위를 선택하십시오.

1-3

심표를 사용하여 개별 서열을 구분하십시오 [예: "2,5,8"]; 대시를 사용하여 서열 범위를 표시하십시오 [예: "2-8"].

취소

서열 가져오기

FASTA 형식 가져오기

WIPO | Sequence INSECTICIDAL PROTEINS VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING HELP PREFERENCES ENGLISH Return to project home

D:\test data\USPTO Test files\FASTA_multisequence_1.fasta Upload file [.txt, .xml, .FASTA]

Select Range of Sequence IDs * Molecule Type*

This field is mandatory and a value is required. Choose a default sequence molecule type for the selected Sequence ID range.

Check to save this description as a note.

Sequence Number [ID]	
1	>AAN76654.1 Est1 partial
2	>BAC11014.1 deletion isoform of telomerase reverse transcriptase
3	>CAA98800.1 CDC13
4	>AF411028.1 Saccharomyces pastorianus Est1 gene
5	>AB086379.1 Homo sapiens hTERT mRNA deletion isoform of telomerase reverse transcriptase

⏪ ⏩ 1 2 ⏪ ⏩

RAW 형식 가져오기

WIPO | Sequence
Return to project home

INSECTICIDAL PROTEINS
VERIFICATION REPORT
FREE TEXT QUALIFIERS
IMPORT REPORT
DISPLAY THE SEQUENCE LISTING
HELP
PREFERENCES
ENGLISH

20	141 error test_seq_48	680	AA	Listeria monocytogenes
----	-----------------------	-----	----	------------------------

⏪ ⏩ 1 2 ⏪ ⏩

D:\test data\raw_test.txt Upload file [.txt, .xml, .FASTA]

The file selected is in raw format. Please select the sequence molecule type in order to import the sequence.

Sequence Name*	Molecule Type*	▼
Organism name	Qualifier Molecule Type	▼

Cancel
Import sequence

다중서열 가져오기

WIPO | Sequence INSECTICIDAL PROTEINS VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING HELP PREFERENCES ENGLISH Return to project home

17	141 error test_seq_44	261	AA	Homo sapiens
18	141 error test_seq_46	29	DNA	Homo sapiens
19	141 error test_seq_47	29	DNA	Homo sapiens
20	141 error test_seq_48	680	AA	Listeria monocytogenes

⏪ ⏩ 1 2 ⏪ ⏩

D:\test data\Multisequence.txt

Select Range of Sequence IDs

가져오기 보고서 (1)

- 가져오기 중 오류 또는 경고가 발생한 경우 보고서가 생성됩니다.
- 이 보고서에 기재된 메시지는 사용자의 수동 입력을 필요로 하는 특정 서열들을 강조하여 표시합니다.
- 보고서에는 Note 유형, 관련된 ST.25의 데이터 항목, 사용자를 위한 메시지 및 서열식별번호가 기재되어 있습니다.
- 메시지는 다음과 같이 분류됩니다. ('Note 유형'):
 - INDIVIDUAL: 가져오기를 한 특정(개별) 서열과 관련됩니다.
 - GLOBAL: 가져오기를 한 모든 서열에 영향을 줍니다.

가져오기 보고서 (2)


[INSECTICIDAL PROTEINS](#)
[VERIFICATION REPORT](#)
[FREE TEXT QUALIFIERS](#)
[IMPORT REPORT](#)
[DISPLAY THE SEQUENCE LISTING](#)
[HELP](#)
[PREFERENCES](#)
[ENGLISH](#)
[Return to project home](#)

Import Report Messages

Type of Note	Data Element	Message Text	Detected Sequence
INDIVIDUAL	<222>	No location information has been found for the feature SOURCE of SEQ ID NO 23. The user can add the location information as recommended in Annex VII, ST.26.	23
INDIVIDUAL	<222>	No location information has been found for the feature SOURCE of SEQ ID NO 24. The user can add the location information as recommended in Annex VII, ST.26.	24
INDIVIDUAL	<222>	No location information has been found for the feature SOURCE of SEQ ID NO 25. The user can add the location information as recommended in Annex VII, ST.26.	25
INDIVIDUAL	<222>	No location information has been found for the feature SOURCE of SEQ ID NO 26. The user can add the location	26

성공: ST.25 프로젝트를 성공적으로 가져왔습니다.



검증 보고서 가져오기

[검증 보고서 인쇄](#)

검증 메시지 가져오기

Note 유형	데이터 항목	메시지	검출된 서열
INDIVIDUAL	<221>	이 프로젝트에 서열식별번호(SEQ ID NO):5의 번역문을 가져오지 못했습니다. 삭제되지 않도록 적절한 조치를 취하십시오. 이 프로젝트에서 서열식별번호(SEQ ID NO):5:ILSISLSYYSILTTHLLILI의 번역문이 별도의 서열로 포함되어 있지 않은 경우 이를 복사하여 별도의 서열에 붙여 넣을 수 있습니다. 이 서열이 서열식별번호(SEQ ID NO): 5의 번역문임을 나타내는 'note' 한정자가 포함되어야 합니다. 좀 더 상세한 내용과 선택사항은 WIPO Sequence 사용자 매뉴얼을 참조하십시오.	5
INDIVIDUAL	<223>	특징 CDS를 갖는 서열인 서열식별번호: 5에서 <223> 값이 누락되었습니다. 사용자 매뉴얼을 참고하여 검토하십시오.	5

변경된 데이터 보고서 (1)

- ST.25 서열목록을 가져오는 동안 수행된 모든 변경사항에 대한 구체적인 내용을 보여줍니다.
- 이 보고서는 사용자에게 세부 사항을 제공하도록 요청하는 ‘가져오기’에 대한 보고서와 대조됩니다.
- 원래의 ST.25 태그와 대상이 되는 ST.26 태그뿐만 아니라 적용된 변환과 이와 관련된 서열식별번호(SEQ ID)를 표시합니다.
- 다만, 여기에서의 변환은 원래의 내용을 변경하는 것은 아닙니다. (예를 들어, ‘t’로 변환된 ‘u’는 ST.26 프로젝트에서 여전히 우라실(uracil)임)

변경된 데이터 보고서 (2)

Change Data

Origin Tag	Origin Element Name	Origin Element Value	Target Element Name	Target Element Value	Transformation	Sequence ID Number
<222>	Feature Location		Feature Location	1.15	A feature location has been specified automatically since one was not provided.	23
<221>	Name/Key		Feature Key	REGION	The custom feature key has been replaced with a recommended key (see Annex VII, ST.26).	23
<223>	Other information		Qualifier Name	NOTE	A 'Note' qualifier has been created.	23
<223>	Other information		Qualifier Value	Antibody Light Chain CDR	A value has been added to qualifier	23

변경된 데이터

기존 태그	기존 항목 명칭	기존 항목 값	변환된 항목 명칭	변환된 항목 값	변환	최초 서열식별번호(Sequence ID)	서열식별번호
INSDQualifier	ID		한정자 ID	q9	한정자 ID가 지정되지 않아 이 한정자 ID가 생성되었습니다.		4
sequenceIDNumber	sequenceIDNumber	1	서열식별번호	4	이 서열에서 XML 항목인 'SequenceIDNumber'가 변경되었습니다.		4
INSDQualifier	ID		한정자 ID	q10	한정자 ID가 지정되지 않아 이 한정자 ID가 생성되었습니다.		5
sequenceIDNumber	sequenceIDNumber	2	서열식별번호	5	이 서열에서 XML 항목인 'SequenceIDNumber'가 변경되었습니다.		5

특징 기호 및 한정자 추가 (1)

▼ SEQUENCE 2

Sequence Number (ID) 2
Sequence Name Inserted sequence
Length 41

Molecule Type DNA
Organism Wohlfahrtiopsis bishoppi



▼ FEATURES

Add feature

Feature Key	Location	Qualifiers
source	1..41	mol_type = genomic DNA organism = Wohlfahrtiopsis bishoppi



▼ SEQUENCE

gatagtatgt atatatagta gtatgatgat gatatgatga t

41

▼ 서열 1

서열식별번호 1
서열 명칭 Seq_1
길이 162

서열 타입 DNA
생물명 *Zymomonas mobilis*



▼ 특징

특징 추가

특징 기호	위치	한정자	
CDS	11..70	protein_id = 3 translation = ILSISLSYYSILTTHLLILI	
source	1..162	mol_type = genomic DNA organism = <i>Zymomonas mobilis</i>	

특징 기호 및 한정자 추가 (2)

▼ FEATURES

Add feature

Feature Key	Location	Qualifiers	
source	1..23	mol_type = genomic DNA organism = Tinamus osgoodi	

1

Feature 1

Feature Key*	Feature Location*
D_segment	4..15

For a detailed explanation of the format of the feature location please [click here](#)



▼ QUALIFIERS

Add qualifier

Cancel Create Feature

▼ 특징

특징 추가

특징 기호	위치	한정자	
CDS	11..70	protein_id = 3 translation = ILSISLSYYSILTTHLLILI	
source	1..162	mol_type = genomic DNA organism = Zymomonas mobilis	

⏪ ⏩ 1 ⏪ ⏩

새로운 특징

특징 기호*	특징 위치*
D_segment	4..5

특징 위치의 형식에 대한 상세한 설명은 다음을 참조하십시오. [여기를 클릭하세요](#)

▼ 한정자



한정자 추가

취소 특징 생성

특징 기호 및 한정자 추가 (3)

▼ QUALIFIERS

Add qualifier

Qualifier Name mol_type	Qualifier Value genomic DNA	
Qualifier Name organism	Qualifier Value Tinamus osgoodi	

Qualifier Name	▼	Qualifier Value
<ul style="list-style-type: none"> cell_line cell_type chromosome clone clone_lib 		

▼ 한정자

한정자 추가

한정자 명칭 * ▼ 한정자 값

allele
gene
gene_synonym
map
note
product
pseudo
pseudogene
standard_name

취소 한정자 생성

취소 특징 생성

▼ 지열

허용되는 특징 위치 (1)

■ 핵산염기 및 아미노산 서열에 대한 위치 설명자

위치	구문	설명
단일 잔기 번호	x	서열에서 단일 잔기를 가리킨다.
서열 범위를 한정하는 잔기 번호	x..y	시작 및 말단 잔기에 의해 묶이고 이를 포함하는 연속적인 범위의 잔기를 가리킨다.
첫 번째 지정된 잔기 수 이전의 또는 마지막으로 지정된 잔기 수 이후의 잔기들	<x >x <x..y x..>y <x..>y	특정 잔기 또는 잔기 범위를 포함하고 특정 잔기를 넘어 확장되는 영역을 가리킨다. '<' 및 '>'기호를 단일 잔기 또는 서열 범위의 시작 및 말단과 함께 사용하여 특징이 지정된 잔기 수 이상으로 확장될 수 있음을 명시한다.

허용되는 특징 위치 (2)

■ hexanym기 서열만을 위한 위치 설명자:

위치	구문	설명
두 개의 인접한 hexanym기 사이의 부위	x^y	<ul style="list-style-type: none"> - 2개의 인접한 hexanym 사이의 부위를 가리킨다(예: 내부hexanym서열 절단 부위). 인접한 hexanym의 위치 번호는 캐럿(^)으로 구분된다. - 고리형 hexanym기(100개 hexanym으로 이루어진 경우)의 경우 1^{100}으로 표시한다.

허용되는 특징 위치 (3)

■ 아미노산 서열만을 위한 위치 설명자

위치	구문	설명
사슬간 가교 결합에 의해 결합된 잔기 번호	x..y	<u>“CROSSLINK” 또는 “DISULFID”와 같은 사슬간 가교 결합을 나타내는 특징과 함께 사용될 때</u> 사슬간 결합에 의해 결합되는 아미노산을 가리킨다.

복잡한 특징 위치

(핵산염기 서열만 해당)

위치 구문	위치 설명
join(location, location, ... , location)	표시된 위치는 하나의 연속적인 서열을 형성하기 위해 결합되어 있다(말단에서 말단까지 배치).
order(location, location, ... , location)	본 요소는 지정된 순서대로 발견되지만 해당 요소를 결합하는 것이 합리적인지에 대해서는 암시하지 않는다.
complement(location)	5'-말단 → 3'-말단 방향으로 읽거나, 5'-말단 → 3'-말단 방향을 모방하는 방향으로 읽을 경우에 특징은 위치 설명자가 지정한 서열 범위에 상보적인 가닥에 위치해 있음을 나타낸다.

자유텍스트 한정자: 정의 및 사용

- 자유텍스트(free text)는 “설명 텍스트 구문 또는 기타 지정된 형식(별첨 I에 표시됨)의 양식으로 제공되는 특정 한정자에 대한 값 형식의 한 유형”입니다.
 - 참조: WIPO ST.26

- 다음 두 가지 유형 중 하나:
 - 언어의존적 (번역이 필요한 경우가 있음) 예, note
 - 언어독립적 예, allele

- translation 한정자 외에는 1000자를 초과하지 않아야 합니다.

- 언어의존적 자유텍스트 한정자의 전체 목록은 WIPO ST.26 Annex I Sections 6 및 8을 참조하십시오.

자유텍스트 한정자 추가하기

WIPO | Sequence INSECTICIDAL PROTEINS VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING HELP PREFERENCES ENGLISH Return to project home

For a detailed explanation of the format of the feature location please [click here](#)

▼ QUALIFIERS

Add qualifier

Qualifier Name *	▼	Qualifier Value
note		NOTE: this value may require translation for National/Regional procedures.
Language*	▼	Non English Qualifier Value

There is currently no Non English language code selected in your project. Please select one first.

Cancel Create Qualifier

Cancel Create Feature

▼ 한정자

한정자 추가

한정자 명칭 *

note

한정자 값

참고: 이 값은 국내/지역 절차를 위해 번역이 필요할 수 있습니다.

언어*


ko

비영어 한정자 값

취소

한정자 생성

자유 텍스트 한정자: XLIFF


[WIPO | Sequence](#)
[INSECTICIDAL PROTEINS](#)
[VERIFICATION REPORT](#)
[FREE TEXT QUALIFIERS](#)
[IMPORT REPORT](#)
[DISPLAY THE SEQUENCE LISTING](#)
[HELP](#)
[PREFERENCES](#)
[ENGLISH](#)
[Return to project home](#)

[IMPORT FREE TEXT QUALIFIERS](#)
[EXPORT FREE TEXT QUALIFIERS](#)

FREE TEXT QUALIFIERS

Sequence ID Number	Sequence Name	Feature Key	Feature Location	Qualifier ID	Qualifier Name	Qualifier Value	Non English Qualifier Value-[fr]	Available language codes
1	Error four testing_seq_20	SOURCE	1.191	q26	<u>ORGANISM</u>	synthetic construct		
2	Error four testing_seq_1	source	1.1004	q5	<u>organism</u>	unidentified		
3	Error four testing_seq_2	SOURCE	1.191	q6	<u>ORGANISM</u>	unidentified		
4	Error four testing_seq_3	source	1.1004	q7	<u>organism</u>	synthetic construct		
5	Error four testing_seq_4	SOURCE	1.191	q8	<u>ORGANISM</u>	synthetic construct		



자유텍스트 한정자를 가져오기 자유텍스트 한정자 내보내기

언어 종속 한정자

자유텍스트 한정자에 대한 출발어 코드 en

자유 텍스트 한정자에 대한 대상 언어 코드



서열식별번호	서열 명칭	특징 기호	특징 위치	한정자 ID	한정자 명칭	한정자 값	비영어 한정자 값-(ko)	사용 가능한 언어 코드
7	ST테스트서열_seq_4	REGION	1..11	q30	<u>note</u>	Designed peptide based on size and polarity to act as a linker between the alpha and beta chains of Protein XYZ		
1	Seq_1	source	1..162	q2	<u>organism</u>	Zymomonas mobilis		
2	Seq_2	source	1..20	q4	<u>organism</u>	Zymomonas mobilis		
3	Seq_3	source	1..20	q8	<u>organism</u>	Zymomonas mobilis		
4	SkippedSequenceExample	source		q28	<u>organism</u>	synthetic construct		

서열목록 유효성 검증

WIPO | Sequence
DEMO PROJECT
VERIFICATION REPORT
FREE TEXT QUALIFIERS
IMPORT REPORT
DISPLAY THE SEQUENCE LISTING
PREFERENCES
ENGLISH ▼
Back To List

GENERAL INFORMATION SEQUENCES

DEMO PROJECT

Print
Export
Import Another Project
Validate
Generate Sequence Listing

<p>Project Name Demo Project</p> <p>File Name</p> <p>Description Th is is a project for demonstration purposes of the manual.</p>	<p>Creation date 2019-02-21</p> <p>Sequences 36</p> <p>Status new</p>	✎
---	---	--

일반 정보 서열

ST26서열목록작성테스트

인쇄

내보내기

다른 프로젝트 가져오기

검증

서열목록 생성

프로젝트 명칭 ST26서열목록작성테스트

상태 수정된

프로젝트 설명 서열목록작성테스트

최초 자유텍스트 언어 코드 en

CDS 특징이 생성될 때 translation 한정자를 자동으로 추가합니다. 켜짐

생성일자 2021-04-23 11:55


파일명 ST26SequenceListingTest_0414

서열 7

비영어 자유텍스트 언어 코드 ko



검증 보고서

 WIPO | Sequence

[INSECTICIDAL PROTEINS](#)
[VERIFICATION REPORT](#)
[FREE TEXT QUALIFIERS](#)
[IMPORT REPORT](#)
[DISPLAY THE SEQUENCE LISTING](#)
[HELP](#)
[PREFERENCES](#)
[ENGLISH](#)
Return to project home

ERROR: After project verification, some errors or warnings have been detected. ✕

Report generated on 2021-04-26

<input type="checkbox"/>	Severity	Data Element	Message Text	Detected Value	Detected Sequence	Rule ID
<input type="checkbox"/>	ERROR	<u>Sequence Residue</u>	The sequence contains the invalid nucleotide symbol u at position 107. Nucleotide sequences must only contain the symbols set forth in WIPO ST.26 Annex I, Section 1.	-	Sequence 40	SR_2_SR_3
<input type="checkbox"/>	ERROR	<u>Sequence Residue</u>	The sequence contains the invalid nucleotide symbol u at position 4. Nucleotide sequences must only contain the symbols set forth in WIPO ST.26 Annex I, Section 1.	-	Sequence 40	SR_2_SR_3

오류: 프로젝트 검증 후, 일부 오류 또는 경고 사항이 검출되었습니다.

보고서 생성일자 2022-05-05

선택한 서열 삭제


검증 보고서 인쇄

<input type="checkbox"/>	심각도 :	데이터 항목 :	메시지	검출된 값	검출된 서열
	WARNING	<u>프로젝트</u>	비영어 자유텍스트 언어 코드가 입력되었으나, 비영어 자유텍스트 값을 갖는 한정자가 없습니다.	-	
	WARNING	<u>출원 정보 확인</u>	출원번호가 비어있습니다. 출원번호를 부여 받은 경우 출원번호를 필수로 기재해야 합니다.		
<input checked="" type="checkbox"/>	ERROR	<u>특징 위치</u>	한정자 id 속성은 반드시 서열목록 내 각 한정자를 유일하게 식별해야 합니다.	q28	서열 5
<input checked="" type="checkbox"/>	ERROR	<u>한정자 값</u>	'mol_type' 한정자에 대한 필수 한정자 값이 누락되었습니다.	-	서열 5

오류/경고 메시지

- WARNING(경고): 무시할 수 있지만 수동 검토를 통한 해결이 필요합니다.
- ERROR(오류): 사용자가 반드시 해결해야 합니다.
- 검증 보고서는 ERROR(오류)/WARNING(경고)의 원인이 된 서열 내 특정 항목과 링크되어 있습니다.
- 검증 보고서에서 이 ERROR(오류)를 제거하려면 프로젝트를 다시 '검증'해야 합니다.
- 나중에 참조할 수 있도록 검증 보고서를 인쇄할 수 있습니다.

유효성 검증 보고서: 오류 없음

 [INSECTICIDAL PROTEINS](#) [VERIFICATION REPORT](#) [FREE TEXT QUALIFIERS](#) [IMPORT REPORT](#) [DISPLAY THE SEQUENCE LISTING](#) [HELP](#) [PREFERENCES](#) [ENGLISH](#) [Return to project home](#)

SUCCESS: The project has been successfully verified ✕

Report successfully generated on 2021-04-08

This project does not contain any errors or warnings.


ST.26 준수 서열목록 생성

WIPO | Sequence DEMO PROJECT VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING PREFERENCES ENGLISH [Back To List](#)

GENERAL INFORMATION SEQUENCES

DEMO PROJECT

[Print](#) [Export](#) [Import Another Project](#) [Validate](#) [Generate Sequence Listing](#)

Project Name Demo Project	Creation date 2019-02-21	
File Name	Sequences 36	
Description Th is is a project for demonstration purposes of the manual.	Status new	

 **WIPO | Sequence**

[프로젝트 홈으로 돌아가기](#)

[ST26서열목록작성 테스트](#)
[검증 보고서](#)
[언어 종속 한 정자](#)
[검증 보고서 가져오기](#)
[서열목록 표시](#)
[도움말](#)

[환경 설정](#)
[한국어](#)

일반 정보 서열

ST26서열목록작성테...

인쇄
내보내기
다른 프로젝트 가져오기
검증
서열목록 생성

프로젝트 명칭 ST26서열목록작성테스트

상태 수정된

프로젝트 설명 서열목록작성테스트

최초 자유텍스트 언어 코드 en

CDS 특징이 생성될 때 translation 한정자를 자동으로 추가합니다. 쉼표

생성일자 2021-04-23 11:55

파일명 ST26SequenceListingTest_0414

서열 7

비영어 자유텍스트 언어 코드 ko



```

<?xml version="1.0" encoding="UTF-8"?>
<!DOCTYPE ST26SequenceListing PUBLIC "-//WIPO//DTD Sequence Listing 1.3//EN" "ST26SequenceListing_V1_3.dtd">
<ST26SequenceListing originalFreeTextLanguageCode="en" dtdVersion="V1_3" fileName="Insecticidal Proteins SL"
softwareName="WIPO Sequence" softwareVersion="1.1.0-beta.5" productionDate="2021-04-08">
  <ApplicationIdentification>
    <IPOfficeCode>IB</IPOfficeCode>
    <ApplicationNumberText>PCT/IB2021/000021</ApplicationNumberText>
    <FilingDate>2021-04-07</FilingDate>
  </ApplicationIdentification>
  <ApplicantFileReference>WIPO-Insect-Demo</ApplicantFileReference>
  <EarliestPriorityApplicationIdentification>
    <IPOfficeCode>IB</IPOfficeCode>
    <ApplicationNumberText>PCT/IB/2020/000045</ApplicationNumberText>
    <FilingDate>2020-04-06</FilingDate>
  </EarliestPriorityApplicationIdentification>
  <ApplicantName languageCode="en">Merck Sharpe and Dohme Corp.</ApplicantName>
  <InventionTitle languageCode="en">Insecticidal proteins and methods of their use</InventionTitle>
  <SequenceTotalQuantity>32</SequenceTotalQuantity>
  <SequenceData sequenceIDNumber="1">
    <INSDSeq>
      <INSDSeq_length>440</INSDSeq_length>
      <INSDSeq_moltype>AA</INSDSeq_moltype>
      <INSDSeq_division>PAT</INSDSeq_division>
      <INSDSeq_feature-table>
        <INSDFeature>
          <INSDFeature_key>SOURCE</INSDFeature_key>
          <INSDFeature_location>1..440</INSDFeature_location>
          <INSDFeature_qual>
            <INSDQualifier>
              <INSDQualifier_name>MOL_TYPE</INSDQualifier_name>
              <INSDQualifier_value>protein</INSDQualifier_value>
            </INSDQualifier>
            <INSDQualifier id="q84">
              <INSDQualifier_name>ORGANISM</INSDQualifier_name>
              <INSDQualifier_value>Homo sapiens</INSDQualifier_value>
            </INSDQualifier>
          </INSDFeature_qual>
        </INSDFeature>
      </INSDSeq_feature-table>
      <INSDSeq_sequence>

```

```

QVQLVESGGGVVQPGRSLRLDCKASGITFSNSGMHWVRQAPGKGLEWVAVIWDGSKRYIADSVKGRFTISRDNKNTLFLQMNSLRAEDTAVYYCATNDYWGQGLVTVS
SNTKVDKRVESKYGPPCPPAPEFLGGPSVFLFPPKPKDITLMISRTPEVTCVVVDVSDQEDPEVFQFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQFNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYK

```

읽기 편한 형식: TXT로 ST.26 서열목록 생성

서열목록 정보:

DTD 버전: V1_3
 파일명: Insecticidal Proteins SL
 소프트웨어 이름: WIPO Sequence
 소프트웨어 버전: 1.1.0-beta.5
 생성일자: 2021-04-08

일반 정보:

현재 출원 번호 / 특허청 코드: IB
 현재 출원 번호 / 출원인 관리번호: PCT/IB2021/000021
 우선권주장의 기초가 되는 출원 중 최초 출원 / 특허청 코드: IB
 우선권주장의 기초가 되는 출원 중 최초 출원 / 출원번호: PCT/IB/2020/000045
 우선권주장의 기초가 되는 출원 중 최초 출원 / 출원일자: 2020-04-06
 출원인 명칭: Merck Sharpe and Dohme Corp.
 출원인 명칭 / 언어: en
 발명의 명칭: Insecticidal proteins and methods of their use (en)
 서열 식별번호의 수: 32

서열:

서열식별번호: 1
 길이: 440
 서열 타입: AA
 특징 위치/한정자:
 - source, 1..440
 > mol_type, protein
 > organism, homo sapiens

읽기 편한 형식: HTML로 ST.26 서열목록 생성

Sequence Listing

1	Sequence Listing Information	
1-1	File Name	Insecticidal Proteins SL.xml
1-2	DTD Version	V1_3
1-3	Software Name	WIPO Sequence
1-4	Software Version	1.2.0-beta.3
1-5	Production Date	2022-03-21
1-6	Original free text language code	en
1-7	Non English free text language code	
2	General Information	
2-1	Current application: IP Office	IB
2-2	Current application: Application number	PCT/IB2021/000021
2-3	Current application: Filing date	2021-04-07
2-4	Current application: Applicant file reference	WIPO-Insect-Demo
2-5	Earliest priority application: IP Office	IB
2-6	Earliest priority application: Application number	PCT/IB/2020/000045
2-7	Earliest priority application: Filing date	2020-04-06
2-8en	Applicant name	Merck Sharpe and Dohme Corp.
2-8en	Applicant name: Name Latin	
2-9	Inventor name	
2-9en	Inventor name: Name Latin	
2-10en	Invention title	Insecticidal proteins and methods of their use
2-11	Sequence Total Quantity	31
3-1	Sequences	
3-1-1	Sequence Number [ID]	1
3-1-2	Molecule Type	AA
3-1-3	Length	440

서열목록

1	서열목록 정보	
1-1	파일명	ST26SequenceListingTest_0414.xml
1-2	DTD 버전	V1_3
1-3	소프트웨어 이름	WIPO Sequence
1-4	소프트웨어 버전	1.2.0-beta.3
1-5	생성일자	2022-05-05
1-6	최초 자유텍스트 언어 코드	en
1-7	비영어 자유텍스트 언어 코드	ko
2	일반 정보	
2-1	현재 출원 번호: 특허청 코드	KR
2-2	현재 출원 번호: 출원번호	
2-3	현재 출원 번호: 출원일자	
2-4	현재 출원 번호: 출원인 관리번호	98-00002
2-5	우선권주장의 기초가 되는 출원 중 최초 출원: 특허청 코드	KR
2-6	우선권주장의 기초가 되는 출원 중 최초 출원: 출원번호	10-1997-0212344
2-7	우선권주장의 기초가 되는 출원 중 최초 출원: 출원일자	1997-07-01
2-8ko	출원인 명칭	홍길동
2-8en	출원인 명칭: 영문 명칭	Hong
2-9ko	발명자 이름	홍길동
2-9en	발명자 이름: 영문 명칭	Hong

개인/법인

WIPO | ST26 Tool PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH ▼

CREATE NEW PERSON OR ORGANIZATION

PERSONS & ORGANIZATIONS

Search person or organization by name

Name ◯	Language Code ◯	Name Latin ◯	Residence Address ◯	Correspondence Address ◯

WIPO | ST26 Tool CREATE NEW PERSON OR ORGANIZATION PREFERENCES ENGLISH ▼

Name*	Residence Address
Language* <input type="button" value="▼"/>	Correspondence Address
Name Latin	

WIPO | Sequence 프로젝트 개인 및 법인 생물명 도움말 환경설정 한국어

개인 또는 법인 신규 생성

개인 및 법인

개인 또는 법인 명칭 검색

이름 ◦	언어 코드 ◦	영문 명칭 ◦	주소 ◦	송달 주소 ◦
홍길동	ko - Korean	Hong	서울시	서울시

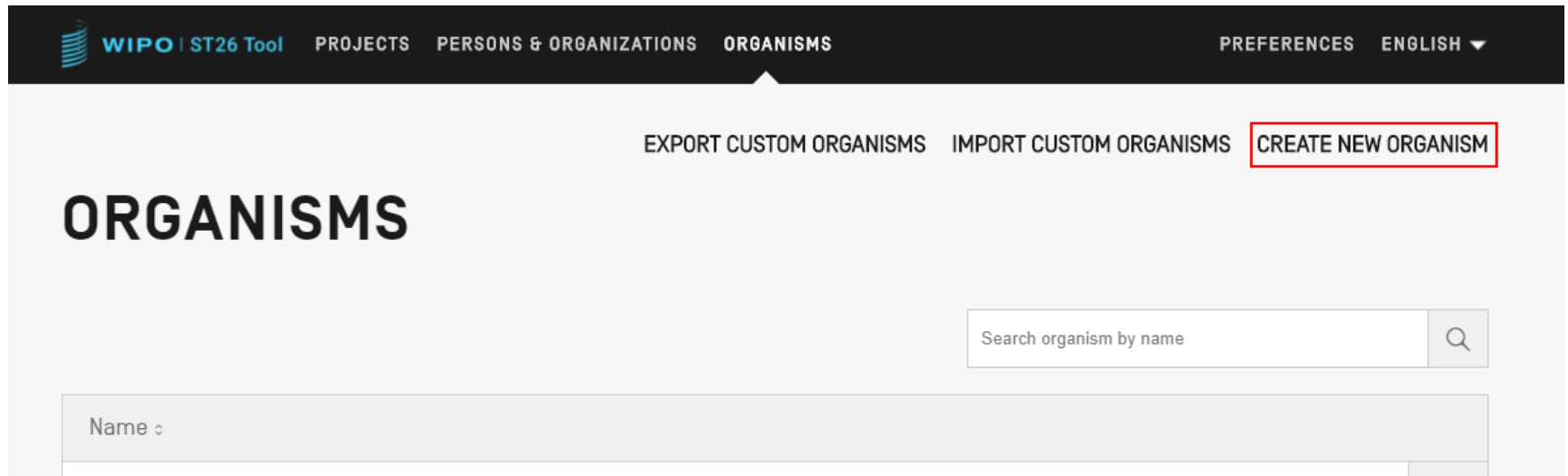
⏪ ⏩ 1 ⏪ ⏩

WIPO | Sequence 개인 또는 법인 신규 생성 도움말 환경설정 한국어 닫기

이름*	주소
언어*	송달 주소
영문 명칭	

취소 저장

사용자 정의 생물명




WIPO | ST26 Tool PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS **ORGANISMS** PREFERENCES ENGLISH ▼

EXPORT CUSTOM ORGANISMS IMPORT CUSTOM ORGANISMS **CREATE NEW ORGANISM**

ORGANISMS

Search organism by name

Name ▾


프로젝트
개인 및 법인
생물명
도움말
환경설정
한국어

[사용자 정의 생물명 내보내기](#)
[사용자 정의 생물명 가져오기](#)
[새로운 생물명 생성](#)

생물명

표시할 데이터가 없습니다.

사용 가능한 언어 (1)

- WIPO Sequence 데스크탑 소프트웨어는 모든 라벨 및 통지 메시지를 10가지 PCT 언어로 각각 제공합니다.
 - 영어, 프랑스어, 스페인어, 아랍어, 러시아어, 중국어, 독일어, 포르투갈어, 한국어, 일본어
- 홈페이지/사용자 매뉴얼도 이러한 10개 언어로 제공됩니다.
- 인터페이스 언어는 화면의 우측 상단에서 설정할 수 있습니다.
(다음 페이지 참조)
- ‘환경 설정’에서 기본 GUI 언어를 설정할 수 있습니다.
- 검증 보고서도 설정된 언어로 생성됩니다.


사용 가능한 언어 (2)

WIPO | Sequence DEMONSTRATION PROJECT VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING PREFERENCES ENGLISH Back To List

GENERAL INFORMATION SEQUENCES

DEMONSTRATION PROJECT

Print Export Import Another Project Validate **Generate Sequence Listing**

Project Name Demonstration Project	Creation date 2019-01-30	
File Name Sequence-list-import	Sequences 6	
Description This is a description for the project.	Status generated	

▶ GENERAL INFORMATION

▶ SEQUENCES

일반 정보 서열

ST26서열목록작성테...

[인쇄](#)
[내보내기](#)
[다른 프로젝트 가져오기](#)
[검증](#)
[서열목록 생성](#)

프로젝트 명칭 ST26서열목록작성테스트

상태 수정된

프로젝트 설명 서열목록작성테스트

최초 자유텍스트 언어 코드 en

CDS 특징이 생성될 때 translation 한정자를 자동으로 추가합니다. [켜짐](#)

생성일자 2021-04-23 11:55

파일명 ST26SequenceListingTest_0414

서열 7

비영어 자유텍스트 언어 코드 ko



▶ 일반 정보

▶ 서열

환경 설정 조정

PREFERENCES

Maximum number of residue symbols to be displayed * 200

Default location where the sequence listing XML file will be generated C:\Users\devfrancis\Documents\WIPO Sequence Testing

Maximum number of sequences to print [Leave empty for all] 1000

Maximum number of residues to print [Leave empty for all] 1000

Original free text language code [optional] false

Enable rule XQV_49 for language-dependent qualifiers Off

Default language for tool interface * English



환경설정

한 행당 표시할 잔기 기호의 최대 개수 * 60
 서열목록 XML 파일을 생성할 기본 파일 경로 C:\Users
 인쇄할 최대 서열 개수 [전부 인쇄할 경우 비워두십시오] 1000
 인쇄할 최대 잔기 개수 [전부 인쇄할 경우 비워두십시오] 1200
 최초 자유텍스트 언어 코드 [선택 사항] true
 언어 종속 한정자에 대해 규칙 XQV_49 사용 켜짐
 인터페이스 기본 언어 * 한국어



Q&A 세션

wiposequence@wipo.int

추가 자료

- WIPO 표준 ST.26 (영어):

<https://www.wipo.int/export/sites/www/standards/en/pdf/03-26-01.pdf>

- WIPO Sequence 홈페이지 (영어):

<https://www.wipo.int/standards/en/sequence>