



OMPI

ORGANIZACIÓN MUNDIAL
DE LA **PROPIEDAD**
INTELECTUAL

Herramienta WIPO Sequence

Seminario web de formación

Temas que se abordarán hoy

- Finalidad de la herramienta
- Principales vistas de la interfaz: Página de inicio sobre proyectos, Información detallada de los proyectos
- Funciones principales:
 - Crear proyectos y secuencias
 - Importar datos de listas de secuencias; compatible con distintos tipos de formatos
 - Validar datos de listas de secuencias: informe de verificación
 - Añadir información al proyecto: claves de caracterización y calificadores
 - Generar listas de secuencias compatibles con la Norma ST.26
- Distintos idiomas y definición de preferencias

Temas que no se tratarán

- El material que ya se abordó en la Introducción a la Norma ST.26
- Si no ha finalizado ese modulo, diríjase a la página de la Norma ST.26 de la OMPI:

<https://www.wipo.int/export/sites/www/standards/es/pdf/03-26-01.pdf>

Finalidad de la herramienta

- A partir del 1 de enero de 2022, todas las listas de secuencias presentadas a escala internacional, nacional o regional deberán ser compatibles con la Norma ST.26 de la OMPI
- Herramienta informática de uso común producida por la OMPI para la autoría y validación de listas de secuencias compatibles con la Norma ST.26
- Producida por la OMPI para garantizar que los solicitantes de todo el mundo tengan acceso a la misma herramienta gratuita

WIPO Sequence: Instalación

- La herramienta de escritorio WIPO Sequence puede conseguirse para los sistemas operativos MS Windows, Mac OSX y Linux
- Una funcionalidad de actualización automática avisará al usuario si hay una nueva versión disponible
- Los paquetes de instalación y toda la documentación de ayuda puede descargarse desde la página de inicio de WIPO Sequence:

<https://www.wipo.int/standards/es/sequence>

WIPO Sequence: Importante

- Todas las listas de secuencias generadas, así como los datos de cada proyecto, que se introducen en WIPO Sequence se almacenan **locamente** (en la computadora del usuario)
- Es posible crear proyectos y generar listas de secuencias fuera de línea, pero para aprovechar la funcionalidad de actualización automática se necesita conexión a Internet
- WIPO Sequence se distribuye para su uso libre por cualquier solicitante sin facilitar el código fuente.

Página de inicio de proyectos



WIPO | Sequence

PROJECTS

PERSONS & ORGANIZATIONS

ORGANISMS

HELP



PREFERENCES

ENGLISH



NEW PROJECT

IMPORT PROJECT

IMPORT SEQUENCE LISTING

VALIDATE SEQUENCE LISTING

PROJECTS





Project name ◦	Applicant file reference	Applicant name	Invention title	Status	Creation Date 📅
Test ST.26 Import				new	2019-04-03
SampleValidProject	14283.6000-00000	BIOMX LTD.	BACTERIOPHAGE FOR MODULATING INFLAMMATORY BOWEL DISEASE	generated	2019-04-04

OMPI

 ORGANIZACIÓN MUNDIAL
DE LA **PROPIEDAD**
INTELLECTUAL


Datos sobre el proyecto

 **WIPO Sequence** DEMONSTRATION PROJECT VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING PREFERENCES ENGLISH  [Back To List](#)

GENERAL INFORMATION SEQUENCES

DEMONSTRATION PROJECT

[Print](#) [Export](#) [Import Another Project](#) [Validate](#) [Generate Sequence Listing](#)

Project Name Demonstration Project	Creation date 2019-01-30	
File Name Sequence-list-import	Sequences 6	
Description This is a description for the project.	Status generated	

► **GENERAL INFORMATION**

► **SEQUENCES**

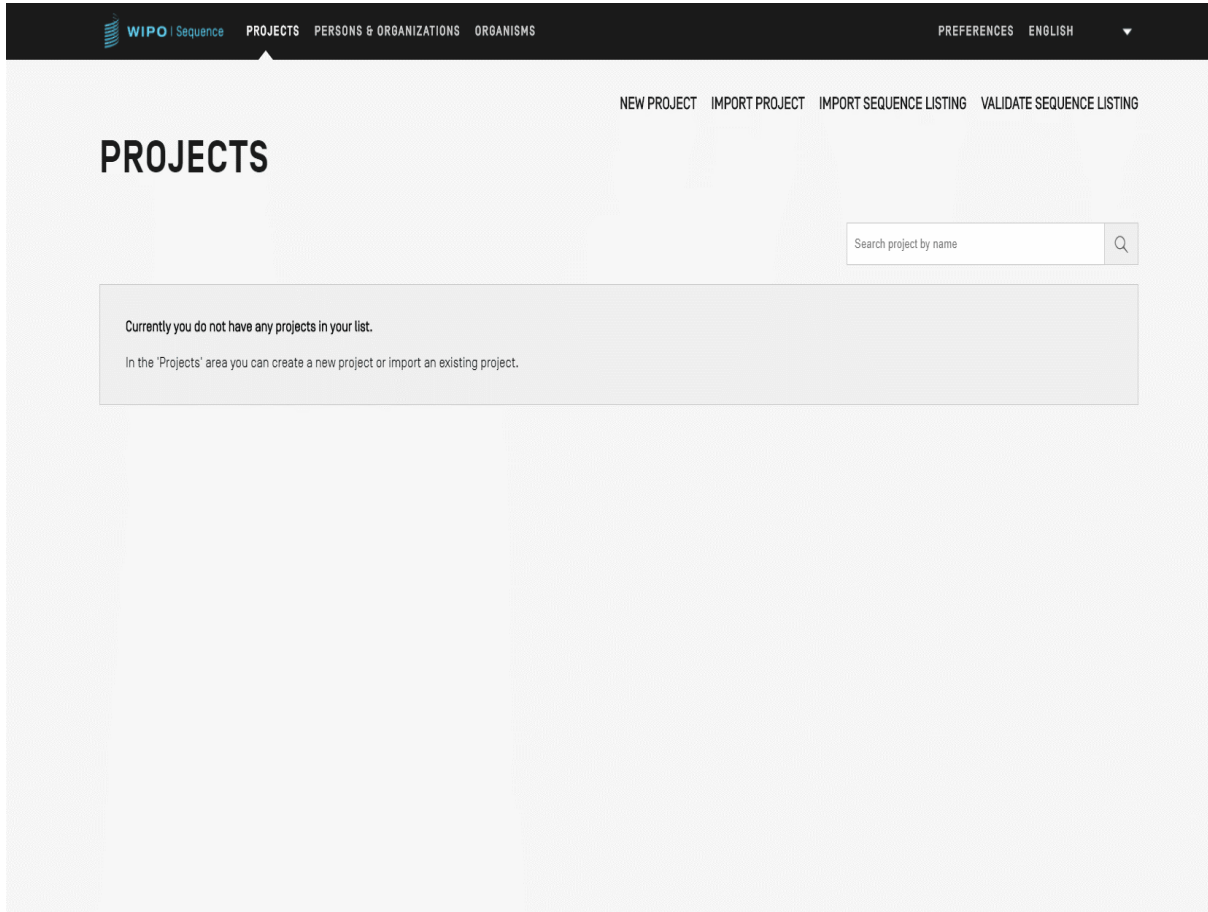
Principales funciones (1)

- Autoría del proyecto:
 - Información general
 - Secuencias
 - Validar proyecto
 - Generar lista de secuencias en formato ST.26
 - Imprimir lista de secuencias
 - Validar lista de secuencias en formato ST.26.
- Listas personalizadas:
 - Personalizar organismos
 - Personas y organizaciones

Principales funciones (2)

- Importación:
 - Listas de secuencias existentes: ST.25/ST.26
 - Formatos comunes: FASTA/RAW/varias secuencias
 - Proyecto existente en ST.26
- Funcionalidades de la herramienta:
 - Sección de preferencias
 - Apoyo en múltiples idiomas
 - Actualización automática
- Se puede consultar todas las funcionalidades de la herramienta en el manual de uso (disponible en línea):
https://www.wipo.int/export/sites/www/standards/es/sequence/wipo_sequence_manual_1_0_0.pdf

Crear un proyecto (versión demo)



The screenshot shows the 'PROJECTS' section of the WIPO Sequence application. The top navigation bar includes the WIPO logo, 'Sequence', and menu items for 'PROJECTS', 'PERSONS & ORGANIZATIONS', and 'ORGANISMS'. On the right, there are links for 'PREFERENCES' and 'ENGLISH'. Below the navigation, a secondary menu contains 'NEW PROJECT', 'IMPORT PROJECT', 'IMPORT SEQUENCE LISTING', and 'VALIDATE SEQUENCE LISTING'. The main heading is 'PROJECTS'. A search box labeled 'Search project by name' with a magnifying glass icon is positioned on the right. A central message box states: 'Currently you do not have any projects in your list. In the 'Projects' area you can create a new project or import an existing project.'

Añadir datos sobre el proyecto: información general

<p>Project Name Insecticidal Proteins</p> <p>Status modified</p> <p>Description Insecticidal proteins and methods for their use</p> <p>Source language code for free text qualifiers en</p> <p>Original free text language code en</p>		<p>Creation date 2021-04-07</p> <p>File Name Insecticidal Proteins SL</p> <p>Sequences 0</p> <p>Non English free text language code fr</p>	<p>Return to project home</p>
--	--	--	-------------------------------

GENERAL INFORMATION

APPLICATION IDENTIFICATION

<p>IP Office</p>		<p>▼</p>
<p>Application Identification*</p> <ul style="list-style-type: none"> <input checked="" type="radio"/> Before the assignment of the application number <input type="radio"/> After the assignment of the application number 	<p>Applicant file reference*</p> <p>Application File Reference is a mandatory field when 'Before the assignment of the application number' is provided.</p>	

Añadir datos sobre el proyecto: nueva secuencia

- En la vista de información sobre el proyecto, se puede crear o importar una secuencia

The screenshot shows the top navigation bar of the WIPO Sequence application. The main navigation menu includes: WIPO | Sequence, INSECTICIDAL PROTEINS, VERIFICATION REPORT, FREE TEXT QUALIFIERS, IMPORT REPORT, DISPLAY THE SEQUENCE LISTING, HELP, PREFERENCES, and ENGLISH. A 'Return to project home' button is located in the top right corner. Below the navigation bar, the 'GENERAL INFORMATION' and 'SEQUENCES' tabs are visible. The 'SEQUENCES' section is active, displaying a heading 'SEQUENCES' and a row of five buttons: 'Create new sequence', 'Import sequence', 'Insert Sequence', 'Reorder Sequence', and 'Bulk Edit'. The 'Create new sequence' and 'Import sequence' buttons are highlighted with a red border. Below the buttons is a table with the following columns: Sequence ID Number, Sequence Name, Length, Molecule Type, and Organism.

Sequence ID Number	Sequence Name	Length	Molecule Type	Organism
--------------------	---------------	--------	---------------	----------

Crear una secuencia

SEQUENCES

Create new sequence Import sequence Insert Sequence Reorder Sequence

Sequence ID Number	Sequence Name	Length	INSDSeqMoltype	Organism	
1	Seq_1	23	DNA	Tinamus osgoodi	

« « 1 » »

↑

Organism name: unidentified

Qualifier Molecule Type: genomic DNA

Mark as an intentionally skip
 The sequence contains both [

Cancel Create sequence Create & Display Sequence

Secuencias ignoradas

- Como en la Norma ST.25, las secuencias ignoradas se representan con la serie “000”
- Las secuencias ignoradas se indican seleccionando la casilla de la parte inferior:

SEQUENCE 2

Sequence Name* EP130135_N2067-7148W0 - SL_seq_2	Sequence Number (ID) 2
Molecule Type* AA	Length 45
Organism name synthetic construct	Qualifier Molecule Type protein
<input checked="" type="checkbox"/> Mark as an intentionally skipped sequence	

Cancel Update sequence

Reordenar secuencias (demo)

The screenshot shows the WIPO Sequence database interface. At the top, there is a navigation bar with the WIPO Sequence logo and several menu items: INSECTICIDAL PROTEINS, VERIFICATION REPORT, FREE TEXT QUALIFIERS, IMPORT REPORT, DISPLAY THE SEQUENCE LISTING, HELP, PREFERENCES, and ENGLISH. A 'Return to project home' button is also visible. Below the navigation bar, there are tabs for 'GENERAL INFORMATION' and 'SEQUENCES'. The 'SEQUENCES' tab is active, displaying a table of sequences. Above the table, there are buttons for 'Create new sequence', 'Import sequence', 'Insert Sequence', 'Reorder Sequence', and 'Bulk Edit'. The table has five columns: Sequence ID Number, Sequence Name, Length, Molecule Type, and Organism. The sequences listed are:

Sequence ID Number	Sequence Name	Length	Molecule Type	Organism
1	Error four testing_seq_1	1004	DNA	unidentified
2	Error four testing_seq_2	191	AA	unidentified
3	Error four testing_seq_3	1004	DNA	synthetic construct
4	Error four testing_seq_4	191	AA	synthetic construct
5	Error four testing_seq_5	795	DNA	synthetic construct
6	Error four testing_seq_6	264	AA	synthetic construct

Importar listas de secuencias existentes

WIPO | Sequence PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH

NEW PROJECT IMPORT PROJECT IMPORT SEQUENCE LISTING VALIDATE SEQUENCE LISTING

insecticidal proteins.xml Upload ST.25 [.txt] or ST.26 [.xml] file

Project Name Import Sequence Project

Select Range Sequences

Select the general information contents to be imported

Abrir

Organizar Nueva carpeta

Nombre	Fecha de modifica...	Tipo
everis		
ST26 authoring t		
Este equipo		
Descargas		
Documentos		
Escritorio		
Imágenes		
Música		
Objetos 3D		
Videos		
OSDisk (C:)		
ST26T-1087	02/07/2019 13:54	Carpeta de archiv
9_ST25_9238084_DTD_Based.xml	17/08/2017 18:33	Documento XML
changedata.xml	04/07/2019 10:17	Documento XML
Insecticidal Proteins (1).xml	05/07/2019 12:52	Documento XML
Insecticidal Proteins.xml	25/06/2019 18:50	Documento XML
Invalid_project.xml	02/07/2019 9:49	Documento XML
Noseqs0.xml	08/07/2019 14:44	Documento XML
Opt_Soy_Loci.xml	11/03/2019 15:45	Documento XML
QN_1.xml	02/07/2019 14:37	Documento XML
Results QV 29.xml	11/07/2019 15:00	Documento XML
ST_25_import_complex.txt	05/07/2019 13:42	Documento de te
ST_25_long.txt	04/07/2019 14:24	Documento de te

Nombre: Insecticidal Proteins.xml .txt.xml (*.txt;*.xml)

Abrir Cancelar

Cancel Import Sequence Listing

PROJECTS

Project name : Applicant file referen Creation Date

Importar listas de secuencias en formato ST.25 (1)

- WIPO Sequence también permite importar secuencias en formato compatible con la Norma ST.25
- El usuario deberá rellenar manualmente los campos obligatorios conforme a la Norma ST.26 que estén vacíos al importar el archivo, entre otros:
 - SOURCE/source: tipo de molécula y organismo
 - Calificadores obligatorios de las características, como, por ejemplo, la característica “CDS”
- Aplicación de acuerdo con lo dispuesto en el Anexo VII (recomendaciones para la transformación de listas de la Norma ST.25 con arreglo a la Norma ST.26 sin añadir materia nueva)

Importar listas de secuencias en formato ST.25 (2)

- Al efectuar la importación, WIPO Sequence realiza varias modificaciones en la información importada antes de incluirla en el proyecto.
- Las modificaciones son, entre otras, las siguientes:
 - Todos los residuos ‘u’ se convierten en “t”
 - Se sustituye el tipo de molécula: i) ADN por DNA, ii) ARN por RNA, iii) PRT por AA
 - Se sustituye “Artificial Sequence” y equivalentes específicos (véase UC12, fase 5) por “synthetic construct”
 - Se sustituye ‘Unknown’ (y equivalentes específicos) por ‘unidentified’
 - Se sustituyen los símbolos de aminoácidos de códigos de tres letras por códigos de una letra.

Importar formato FASTA

WIPO | Sequence INSECTICIDAL PROTEINS VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING HELP PREFERENCES ENGLISH Return to project home

D:\test data\USPTO Test files\FASTA_multisequence_1.fasta

Select Range of Sequence IDs * Molecule Type*

This field is mandatory and a value is required. Choose a default sequence molecule type for the selected Sequence ID range.

Check to save this description as a note.

Sequence Number [ID]	
1	>AAN76654.1 Est1 partial
2	>BAC11014.1 deletion isoform of telomerase reverse transcriptase
3	>CAA98800.1 CDC13
4	>AF411028.1 Saccharomyces pastorianus Est1 gene
5	>AB086379.1 Homo sapiens hTERT mRNA deletion isoform of telomerase reverse transcriptase

⏪ ⏩ 1 2 ⏪ ⏩

Importar formato RAW

WIPO | Sequence
Return to project home

20
141 error test_seq_48
680
AA
Listeria monocytogenes

⏪ ⏩ 1 2 ⏪ ⏩

D:\test data\raw_test.txt
Upload file [.txt, .xml, .FASTA]

The file selected is in raw format. Please select the sequence molecule type in order to import the sequence.

Sequence Name*	Molecule Type*	▼
Organism name	Qualifier Molecule Type	▼

Cancel
Import sequence

Importar formato de varias secuencias

WIPO | Sequence

INSECTICIDAL PROTEINS

VERIFICATION REPORT

FREE TEXT QUALIFIERS

IMPORT REPORT

DISPLAY THE SEQUENCE LISTING

HELP

▼ PREFERENCES ENGLISH

Return to project home

17	141 error test_seq_44	261	AA	Homo sapiens
18	141 error test_seq_46	29	DNA	Homo sapiens
19	141 error test_seq_47	29	DNA	Homo sapiens
20	141 error test_seq_48	680	AA	Listeria monocytogenes

⏪ ⏩ 1 2 ⏪ ⏩

D:\test data\Multisequence.txt

Upload file [,.txt, .xml, .FASTA]

Select Range of Sequence IDs

Cancel Import sequence

Importar listas de secuencias (demo)

WIPO | Sequence PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH

NEW PROJECT IMPORT PROJECT IMPORT SEQUENCE LISTING VALIDATE SEQUENCE LISTING

PROJECTS

Search project by name

Project name :	Applicant file reference	Applicant name	Invention title	Status	Creation Date
Insecticidal Proteins				new	2019-05-09

Informe de importación (1)

- Si se detectan modificaciones, errores o advertencias durante la importación, se genera un informe de importación.
- Los mensajes incluidos en este informe destacan ciertas secuencias para las que el usuario deberá introducir información manualmente
- En el informe de importación se proporciona una clasificación, la etiqueta correspondiente relativa a la Norma ST.25, un mensaje para el usuario y el identificador de secuencia (SEQ ID)
- Los mensajes se clasifican ('Type of note') como:
 - **INDIVIDUAL**: mensajes sobre una secuencia específica importada
 - **GLOBAL**: mensaje sobre todas las secuencias importadas

Informe de importación (2)

Type of Note	Data Element	Message Text	Detected Sequence
INDIVIDUAL	<222>	No location information has been found for the feature SOURCE of SEQ ID NO 23. The user can add the location information as recommended in Annex VII, ST.26.	23
INDIVIDUAL	<222>	No location information has been found for the feature SOURCE of SEQ ID NO 24. The user can add the location information as recommended in Annex VII, ST.26.	24
INDIVIDUAL	<222>	No location information has been found for the feature SOURCE of SEQ ID NO 25. The user can add the location information as recommended in Annex VII, ST.26.	25
INDIVIDUAL	<222>	No location information has been found for the feature SOURCE of SEQ ID NO 26. The user can add the location	26

Informe de datos modificados (1)

- Información específica de todo cambio introducido durante la importación de una lista de secuencia en formato ST.25
- Se coteja con el informe de importación en el que se prevé que el usuario introduzca los datos en cuestión
- Se expone en una lista la etiqueta original en formato ST.25 y la etiqueta final en formato ST.26, así como la transformación realizada y el SEQ ID pertinente
- Las transformaciones no modifican sin embargo el contenido original: p. ej.: la “u” que se convierte en “t” sigue representando el uracilo en el proyecto con formato ST.26

Informe de datos modificados (2)



Change Data

Origin Tag	Origin Element Name	Origin Element Value	Target Element Name	Target Element Value	Transformation	Sequence ID Number
<222>	Feature Location		Feature Location	1.15	A feature location has been specified automatically since one was not provided.	23
<221>	Name/Key		Feature Key	REGION	The custom feature key has been replaced with a recommended key (see Annex VII, ST.26).	23
<223>	Other information		Qualifier Name	NOTE	A 'Note' qualifier has been created.	23
<223>	Other information		Qualifier Value	Antibody Light Chain CDR	A value has been added to qualifier	23

Validación de la lista de secuencias

The screenshot displays the user interface of the WIPO Sequence application. At the top, a dark navigation bar contains the WIPO logo and the text 'WIPO | Sequence'. To its right are several menu items: 'DEMO PROJECT', 'VERIFICATION REPORT', 'FREE TEXT QUALIFIERS', 'IMPORT REPORT', 'DISPLAY THE SEQUENCE LISTING', 'PREFERENCES', and 'ENGLISH' with a dropdown arrow. A 'Back To List' button is located in the top right corner of the navigation bar.

Below the navigation bar, the main content area has a breadcrumb trail: 'GENERAL INFORMATION SEQUENCES'. The title 'DEMO PROJECT' is prominently displayed on the left. To the right of the title are five buttons: 'Print', 'Export', 'Import Another Project', 'Validate' (highlighted with a red border), and 'Generate Sequence Listing' (a blue button).

Below the buttons, a table-like structure displays project details:

Project Name Demo Project	Creation date 2019-02-21	
File Name	Sequences 36	
Description Th is is a project for demonstration purposes of the manual.	Status new	

Informe de verificación: errores y advertencias

WIPO | Sequence INSECTICIDAL PROTEINS **VERIFICATION REPORT** FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING PREFERENCES ENGLISH Back To List

ERROR: After project verification, some errors or warnings have been detected. ✕

Severity	Data Element	Message Text	Detected Value	Detected Sequence
WARNING	Feature Qualifiers	Verify that the 'note' qualifier describes the 'OTHER' or 'other' value for the 'mod_base', 'ncRNA_class', or 'regulatory_class' qualifiers.	xyz	Sequence 392
WARNING	Organism	The organism name has not been found in the list of predefined and custom organism names stored in this system. Suggestion: this organism may be added to the list of custom organism names.	Phytoplasma sp.	Sequence 394
ERROR	Qualifier Value	The mandatory qualifier value is missing.	mol_type	Sequence 394

Mensajes de error y advertencias

- **ADVERTENCIA:** se puede ignorar, pero debería resolverse tras un examen manual
- **ERROR:** el usuario debe resolverlo
- Enlace en el informe de verificación al componente específico de la secuencia donde se halla la causa del error o la advertencia
- El proyecto debe validarse de nuevo para que el error desaparezca del informe
- La herramienta hace un seguimiento de la progresión del examen por parte del usuario del informe de verificación

Informe de validación: sin errores

The screenshot displays a web application interface with a dark navigation bar at the top. The navigation bar contains the following elements from left to right: the WIPO | Sequence logo, a menu with options 'INSECTICIDAL PROTEINS', 'VERIFICATION REPORT', 'FREE TEXT QUALIFIERS', 'IMPORT REPORT', 'DISPLAY THE SEQUENCE LISTING', and 'HELP', a dropdown arrow, 'PREFERENCES', 'ENGLISH', and a 'Return to project home' button. Below the navigation bar is a light blue success message box that reads 'SUCCESS: The project has been successfully verified' with a close button (X). Underneath this is a larger light blue box containing the text: 'Report successfully generated on 2021-04-08' and 'This project does not contain any errors or warnings.'

Validación de lista de secuencias (demo)

WIPO | Sequence PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH

NEW PROJECT IMPORT PROJECT IMPORT SEQUENCE LISTING VALIDATE SEQUENCE LISTING

PROJECTS

Search project by name

Project name	Applicant file reference	Applicant name	Invention title	Status	Creation Date
Insecticidal Proteins				new	2019-05-09

Añadir claves de caracterización y calificadores (1)

▼ SEQUENCE 2

Sequence Number [ID] 2
 Sequence Name Inserted sequence
 Length 41

Molecule Type DNA
 Organism Wohlfahrtiopsis bishoppi



▼ FEATURES

Add feature

Feature Key	Location	Qualifiers
<u>source</u>	1..41	mol_type = genomic DNA organism = Wohlfahrtiopsis bishoppi



▼ SEQUENCE

gatagtatgt atatatagta gtatgatgat gatgatgatga t

41

Añadir claves de caracterización y calificadores (2)

▼ FEATURES

Add feature

Feature Key	Location	Qualifiers	
source	1..23	mol_type = genomic DNA organism = Tinamus osgoodi	

1

Feature 1

Feature Key*	Feature Location*
D_segment	4..15

For a detailed explanation of the format of the feature location please [click here](#)

▼ QUALIFIERS



Add qualifier

Cancel Create Feature

Añadir claves de caracterización y calificadores (3)

▼ QUALIFIERS

Add qualifier

Qualifier Name mol_type	Qualifier Value genomic DNA	
Qualifier Name organism	Qualifier Value Tinamus osgoodi	

Qualifier Name ▼ Qualifier Value

cell_line

cell_type

chromosome

clone

clone_lib

Añadir característica/calificador (demo)

WIPO | Sequence PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH

NEW PROJECT IMPORT PROJECT IMPORT SEQUENCE LISTING VALIDATE SEQUENCE LISTING

PROJECTS

Search project by name

Project name	Applicant file reference	Applicant name	Invention title	Status	Creation Date
Insecticidal Proteins				new	2019-05-09
Optimal Soybean Loci				new	2019-05-09

Localizaciones de características permitidas (1)

■ Descriptores de localización para secuencias de nucleótidos y de aminoácidos:

Localización	Sintaxis	Descripción
Número único de residuo	x	Designa un único residuo en la secuencia
Números de residuos que limitan un tramo de secuencia	x..y	Designa una serie continua de residuos delimitada por un residuo de inicio y uno de fin, incluidos éstos
Residuos antes del primero, o después del último, residuo especificado	<x >x <x..y x..>y <x..>y	Designa una región que incluye un residuo o una serie de residuos especificada y que se extiende más allá del residuo especificado. Los símbolos '<' y '>' podrán utilizarse con un único residuo, o los números de los residuos de inicio y de fin de una serie de residuos

Localizaciones de características permitidas (2)

- Descriptores de localización respecto de secuencias de nucleótidos únicamente:

Localización	Sintaxis	Descripción
Un sitio entre dos números de residuo adyacentes	x^y	Designa un sitio entre dos residuos adyacentes, por ejemplo, el sitio de una unión endonucleolítica. Los números de posición de los residuos adyacentes están separados por el símbolo (^).

Localizaciones de características permitidas (3)

- Descriptores de localización para secuencias de aminoácidos únicamente:

Localización	Sintaxis	Descripción
Números de residuo unidos por un enlace cruzado entre cadenas	x..y	Designa aminoácidos unidos por un enlace cruzado entre cadenas cuando se utiliza con una característica que indica un enlace cruzado entre cadenas, como "CROSSLNK" o "DISULFID".

Localización compleja de características (SOLO secuencias de nucleótidos)

Location syntax	Location description
<code>join(location, location, ..., location)</code>	The indicated locations are joined (placed end-to-end) to form one contiguous sequence.
<code>order(location, location, ..., location)</code>	The elements are found in the specified order but nothing is implied about whether joining those elements is reasonable.
<code>complement(location)</code>	Indicates that the feature is located on the strand complementary to the sequence span specified by the location descriptor, when read in the 5' to 3' direction or in the direction that mimics the 5' to 3' direction.

Personas/organizaciones

WIPO | ST26 Tool PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH ▼

CREATE NEW PERSON OR ORGANIZATION

PERSONS & ORGANIZATIONS

Search person or organization by name

Name ◯	Language Code ◯	Name Latin ◯	Residence Address ◯	Correspondence Address ◯

WIPO | ST26 Tool CREATE NEW PERSON OR ORGANIZATION PREFERENCES ENGLISH ▼

Name*	Residence Address
Language* <input type="button" value="▼"/>	Correspondence Address
Name Latin	

Organismos personalizados

The screenshot shows the 'ORGANISMS' section of the WIPO ST26 Tool. At the top, a dark navigation bar contains the WIPO logo and the text 'WIPO | ST26 Tool'. To its right are menu items: 'PROJECTS', 'PERSONS & ORGANIZATIONS', 'ORGANISMS' (which is highlighted with a white triangle), 'PREFERENCES', and 'ENGLISH' with a dropdown arrow. Below this bar, three action links are displayed: 'EXPORT CUSTOM ORGANISMS', 'IMPORT CUSTOM ORGANISMS', and 'CREATE NEW ORGANISM' (which is enclosed in a red rectangular box). The main heading 'ORGANISMS' is prominently displayed in large, bold, black letters. Below the heading is a search bar with the placeholder text 'Search organism by name' and a magnifying glass icon. At the bottom of the visible area, there is a grey bar with the text 'Name' followed by a small downward-pointing arrow.

Idiomas disponibles (1)

- La herramienta WIPO Sequence proporciona todas las etiquetas y los mensajes de notificación en los 10 idiomas del PCT:
 - Alemán, árabe, chino, coreano, español, francés, inglés, japonés, portugués y ruso
- El idioma de la interfaz se puede configurar en la esquina superior derecha de la pantalla (vea la imagen siguiente)
- El idioma por defecto de la IGU se puede determinar en la pestaña “Preferencias”
- El informe de verificación también se generará en ese idioma

Idiomas disponibles (2)



WIPO | Sequence DEMONSTRATION PROJECT VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING PREFERENCES ENGLISH Back To List

GENERAL INFORMATION SEQUENCES

DEMONSTRATION PROJECT

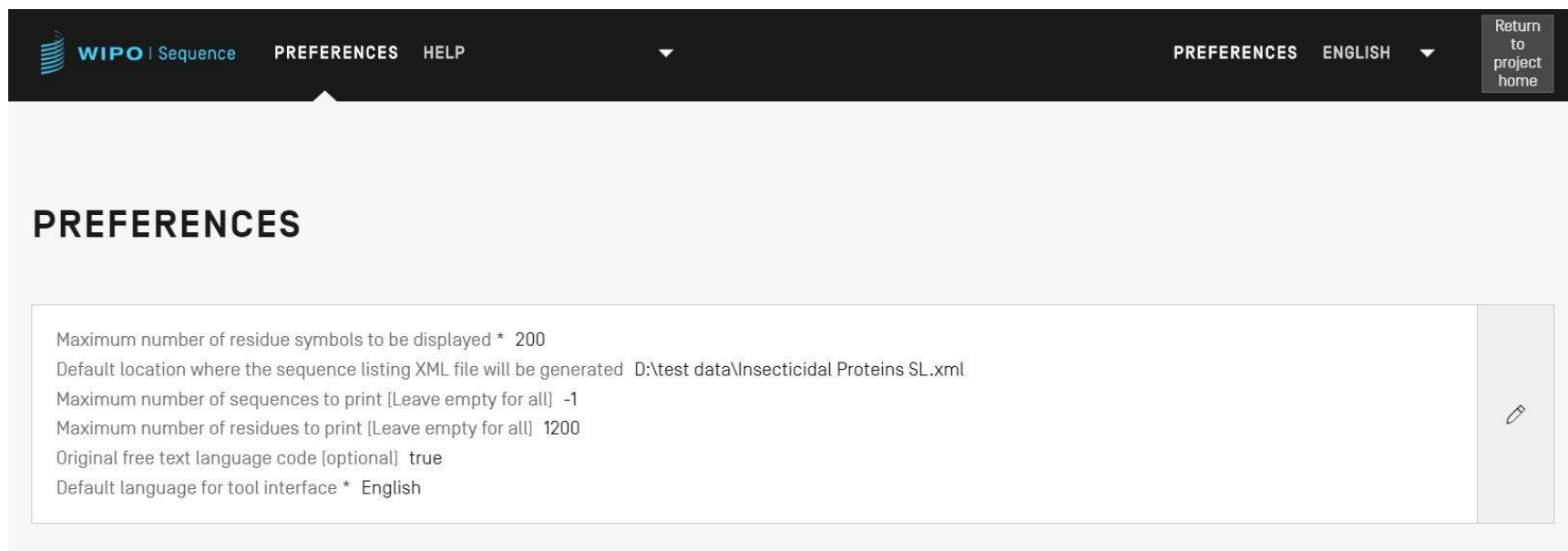
Print Export Import Another Project Validate **Generate Sequence Listing**

Project Name Demonstration Project	Creation date 2019-01-30	
File Name Sequence-list-import	Sequences 6	
Description This is a description for the project.	Status generated	

► GENERAL INFORMATION

► SEQUENCES

Ajuste de preferencias



The screenshot shows the 'PREFERENCES' page of the WIPO Sequence tool. The top navigation bar includes the WIPO logo, 'WIPO | Sequence', 'PREFERENCES', and 'HELP'. On the right, there are links for 'PREFERENCES', 'ENGLISH', and a 'Return to project home' button. The main content area is titled 'PREFERENCES' and contains a list of settings with a pencil icon on the right for editing.

Preference Name	Value
Maximum number of residue symbols to be displayed *	200
Default location where the sequence listing XML file will be generated	D:\test data\Insecticidal Proteins SL.xml
Maximum number of sequences to print [Leave empty for all]	-1
Maximum number of residues to print [Leave empty for all]	1200
Original free text language code (optional)	true
Default language for tool interface *	English

Calificadores de texto libre: definición y uso

- Texto libre: “*un tipo de formato de valor para ciertos calificadores, que se presenta en forma de una frase de texto descriptivo u otro formato especificado*” – Norma ST.26
- Uno de dos tipos:
 - Dependiente del idioma (puede requerir traducción) p. ej.: note/NOTE
 - Independiente del idioma, p. ej.: *allele*
- No debe exceder 1.000 caracteres.
- Véanse las Secciones 6 y 8 del Anexo I de la Norma ST.26: lista completa de calificadores de texto libre dependiente del idioma

Añadir calificador de texto libre

WIPO | Sequence INSECTICIDAL PROTEINS VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING HELP PREFERENCES ENGLISH Return to project home

For a detailed explanation of the format of the feature location please [click here](#)

▼ QUALIFIERS

Add qualifier

Qualifier Name *	▼	Qualifier Value
note		
		NOTE: this value may require translation for National/Regional procedures.
Language*	▼	Non English Qualifier Value

There is currently no Non English language code selected in your project. Please select one first.

Cancel Create Qualifier

Cancel Create Feature

Calificadores de texto libre: XLIFF

WIPO | Sequence INSECTICIDAL PROTEINS VERIFICATION REPORT **FREE TEXT QUALIFIERS** IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING HELP PREFERENCES ENGLISH Return to project home

IMPORT FREE TEXT QUALIFIERS EXPORT FREE TEXT QUALIFIERS

FREE TEXT QUALIFIERS

Sequence ID Number	Sequence Name	Feature Key	Feature Location	Qualifier ID	Qualifier Name	Qualifier Value	Non English Qualifier Value-[fr]	Available language codes
1	Error four testing_seq_20	SOURCE	1..191	q26	<u>ORGANISM</u>	synthetic construct		
2	Error four testing_seq_1	source	1..1004	q5	<u>organism</u>	unidentified		
3	Error four testing_seq_2	SOURCE	1..191	q6	<u>ORGANISM</u>	unidentified		
4	Error four testing_seq_3	source	1..1004	q7	<u>organism</u>	synthetic construct		
5	Error four testing_seq_4	SOURCE	1..191	q8	<u>ORGANISM</u>	synthetic construct		

Generar lista de secuencias en formato ST.26

The screenshot displays the user interface of the WIPO Sequence application. At the top, a dark navigation bar contains the WIPO logo and the text 'WIPO | Sequence'. To its right, a series of menu items are listed: 'DEMO PROJECT', 'VERIFICATION REPORT', 'FREE TEXT QUALIFIERS', 'IMPORT REPORT', 'DISPLAY THE SEQUENCE LISTING', 'PREFERENCES', and 'ENGLISH' with a dropdown arrow. A 'Back To List' button is located in the top right corner of this bar.

Below the navigation bar, the page is divided into two tabs: 'GENERAL INFORMATION' and 'SEQUENCES'. The 'DEMO PROJECT' title is prominently displayed on the left. To the right of the title, there are five buttons: 'Print', 'Export', 'Import Another Project', 'Validate', and 'Generate Sequence Listing'. The 'Generate Sequence Listing' button is highlighted with a red rectangular border.

Below the buttons, a table provides project details:

Project Name Demo Project	Creation date 2019-02-21	
File Name	Sequences 36	
Description Th is is a project for demonstration purposes of the manual.	Status new	

```

<?xml version="1.0" encoding="UTF-8"?>
<!DOCTYPE ST26SequenceListing PUBLIC "-//WIPO//DTD Sequence Listing 1.3//EN" "ST26SequenceListing_V1_3.dtd">
<ST26SequenceListing originalFreeTextLanguageCode="en" dtdVersion="V1_3" fileName="Insecticidal Proteins SL"
softwareName="WIPO Sequence" softwareVersion="1.1.0-beta.5" productionDate="2021-04-08">
  <ApplicationIdentification>
    <IPOfficeCode>IB</IPOfficeCode>
    <ApplicationNumberText>PCT/IB2021/000021</ApplicationNumberText>
    <FilingDate>2021-04-07</FilingDate>
  </ApplicationIdentification>
  <ApplicantFileReference>WIPO-Insect-Demo</ApplicantFileReference>
  <EarliestPriorityApplicationIdentification>
    <IPOfficeCode>IB</IPOfficeCode>
    <ApplicationNumberText>PCT/IB/2020/000045</ApplicationNumberText>
    <FilingDate>2020-04-06</FilingDate>
  </EarliestPriorityApplicationIdentification>
  <ApplicantName languageCode="en">Merck Sharpe and Dohme Corp.</ApplicantName>
  <InventionTitle languageCode="en">Insecticidal proteins and methods of their use</InventionTitle>
  <SequenceTotalQuantity>32</SequenceTotalQuantity>
  <SequenceData sequenceIDNumber="1">
    <INSDSeq>
      <INSDSeq_length>440</INSDSeq_length>
      <INSDSeq_moltype>AA</INSDSeq_moltype>
      <INSDSeq_division>PAT</INSDSeq_division>
      <INSDSeq_feature-table>
        <INSDFeature>
          <INSDFeature_key>SOURCE</INSDFeature_key>
          <INSDFeature_location>1..440</INSDFeature_location>
          <INSDFeature_qual>
            <INSDQualifier>
              <INSDQualifier_name>MOL_TYPE</INSDQualifier_name>
              <INSDQualifier_value>protein</INSDQualifier_value>
            </INSDQualifier>
            <INSDQualifier id="q84">
              <INSDQualifier_name>ORGANISM</INSDQualifier_name>
              <INSDQualifier_value>Homo sapiens</INSDQualifier_value>
            </INSDQualifier>
          </INSDFeature_qual>
        </INSDFeature>
      </INSDSeq_feature-table>
      <INSDSeq_sequence>
        QVQLVESGGGVVQPGRSLRLDCKASGITFSNSGMHWVRQAPGKGLEWVAVIWDGSKRYYADSVKGRFTISRDNKNTLFLQMNSLRAEDTAVYYCATNDDYWGQGLTIVTS
        SNTKVDKRVESKYGPPCPPAPEFLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVDVVSQEDPEVQFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQFNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKC

```

Generar lista de secuencia (ST.26) en formato legible por humanos: TXT

Sequence Listing Information:

DTD Version: V1_3

File Name: Insecticidal Proteins SL

Software Name: WIPO Sequence

Software Version: 1.1.0-beta.5

Production Date: 2021-04-08

General Information:

Current application / IP Office: IB

Current application / Application number: PCT/IB2021/000021

Current application / Filing date: 2021-04-07

Current application / Applicant file reference: WIPO-Insect-Demo

Earliest priority application / IP Office: IB

Earliest priority application / Application number: PCT/IB/2020/000045

Earliest priority application / Filing date: 2020-04-06

Applicant name: Merck Sharpe and Dohme Corp.

Applicant name / Language: en

Invention title: Insecticidal proteins and methods of their use (en)

Sequence Total Quantity: 32

Sequences:

Sequence Number (ID): 1

Length: 440

Molecule Type: AA

Features Location/Qualifiers:

- SOURCE, 1..440

> MOL_TYPE, protein

> ORGANISM, Homo sapiens

Generar lista de secuencia (ST.26) en formato legible por humanos: HTML

Sequence Listing

Sequence Listing Information

File Name	Insecticidal Proteins SL
DTD Version	V1_3
Software Name	WIPO Sequence
Software Version	1.1.0-beta.5
Production Date	2021-04-08

General Information

Current application: IP Office	IB
Current application: Application number	PCT/IB2021/000021
Current application: Filing date	2021-04-07
Current application: Applicant file reference	WIPO-Insect-Demo
Earliest priority application: IP Office	IB
Earliest priority application: Application number	PCT/IB/2020/000045
Earliest priority application: Filing date	2020-04-06
Applicant name	Merck Sharpe and Dohme Corp.
Applicant name: Language	en
Applicant name: Name Latin	
Inventor name	
Inventor name: Language	
Inventor name: Name Latin	
Invention title	Insecticidal proteins and methods of their use (en)
Sequence Total Quantity	32

Sequences

Sequence Number [ID]	1
Molecule Type	AA
Length	440

Features Location/Qualifiers

SOURCE 1..440
 /MOL_TYPE= protein
 /ORGANISM= Homo sapiens

Residues

Recursos adicionales

- Norma ST.26 de la OMPI:

<https://www.wipo.int/export/sites/www/standards/es/pdf/03-26-01.pdf>

- Página de inicio de WIPO Sequence:

<https://www.wipo.int/standards/es/sequence>

Turno de preguntas