



WIPO

WORLD
INTELLECTUAL PROPERTY
ORGANIZATION

WIPO Sequence-Desktop-Tool

Webinar-Schulung

Was wir heute behandeln

- Zweck des Tools
- Hauptansichten innerhalb der Benutzeroberfläche: Projekt-Startseite, Projektdetails
- Hauptfunktionen, die unterstützt werden:
 - Erstellen von einem Projekt und von Sequenzen
 - Importieren von Sequenzprotokolldaten - es werden verschiedene Formate unterstützt
 - Validieren von Sequenzprotokolldaten - Prüfbericht
 - Hinzufügen von Projektdaten - Merkmalschlüssel und Qualifier
 - Freitext-Qualifier und XLIFF-Export
 - Generieren von ST.26-konformen Sequenzprotokollen
- Sprachunterstützung und Anpassung der Einstellungen

Was wir nicht behandeln werden

- Das in der Einführung in WIPO ST.26 behandelte Material

https://www.wipo.int/meetings/en/details.jsp?meeting_id=62848

- Wenn Sie dieses Modul nicht gemacht haben, informieren Sie sich bitte über den WIPO-Standard ST.26 unter:

<https://www.wipo.int/export/sites/www/standards/en/pdf/03-26-01.pdf>

- Fortschritt in der Entwicklung von WIPO Sequence – die erste offizielle Version, die am Tag der Einführung verwendet werden wird, steht ab April 2022 zur Verfügung.

Zweck des Desktop-Tools

- Ab 1. Juli 2022 müssen alle Sequenzprotokolle, die auf internationaler, nationaler oder regionaler Ebene eingereicht werden, dem WIPO-Standard ST.26 entsprechen
- WIPO Sequence: Gemeinsames, von der WIPO erstelltes Desktop-Tool zur Erstellung und Validierung von WIPO ST.26-konformen Sequenzprotokollen
- WIPO Sequence: Von der WIPO erstelltes Tool, um zu gewährleisten, dass alle Anmelder weltweit Zugang zu dem gleichen kostenlosen Tool haben

WIPO Sequence: Installation

- Alle Installationspakete und die Dokumentation für die Benutzerunterstützung können von der WIPO Sequence-Homepage heruntergeladen werden unter:
<https://www.wipo.int/standards/en/sequence>
- Das WIPO Sequence-Desktop-Tool ist für MS Windows, Mac OSX und Linux-Betriebssysteme verfügbar
- Eine automatische Aktualisierungsfunktionalität informiert den Benutzer, wenn eine neue Version verfügbar ist
- Es müssen neue Nutzungsbedingungen akzeptiert werden, bevor eine neue Version auf Ihrem Desktop-Gerät installiert wird

WIPO Sequence: Wichtig

- Alle generierten Sequenzprotokolle und in WIPO Sequence eingegebenen Projektdaten werden **lokal** (auf dem Computer des Benutzers) gespeichert
- Projekte können offline erstellt und Sequenzprotokolle offline generiert werden, aber die automatische Aktualisierungsfunktion erfordert eine Verbindung zum Internet
- WIPO Sequence wird für die freie Nutzung durch alle Anmelder ohne Bereitstellung des Quellcodes bereitgestellt.

Projekt-Startseite



WIPO | Sequence

PROJECTS

PERSONS & ORGANIZATIONS

ORGANISMS

HELP



PREFERENCES

ENGLISH



[NEW PROJECT](#)

[IMPORT PROJECT](#)

[IMPORT SEQUENCE LISTING](#)


[VALIDATE SEQUENCE LISTING](#)

PROJECTS



Project name ◦	Applicant file reference	Applicant name	Invention title	Status	Creation Date 📅
Test ST.26 Import				new	2019-04-03
SampleValidProject	14283.6000-00000	BIOMX LTD.	BACTERIOPHAGE FOR MODULATING INFLAMMATORY BOWEL DISEASE	generated	2019-04-04


Projektdetails

 **DEMONSTRATION PROJECT** VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING PREFERENCES ENGLISH [Back To List](#)

GENERAL INFORMATION SEQUENCES

DEMONSTRATION PROJECT

[Print](#) [Export](#) [Import Another Project](#) [Validate](#) [Generate Sequence Listing](#)

Project Name Demonstration Project	Creation date 2019-01-30	
File Name Sequence-list-import	Sequences 6	
Description This is a description for the project.	Status generated	

► **GENERAL INFORMATION**

► **SEQUENCES**

Hauptfunktionen des Tools (1)

- Erstellen eines Projekts:
 - Allgemeine Informationen
 - Sequenzen
 - Validieren des Projekts
 - Generieren von ST.26 SP
 - Drucken von SP
 - Validieren von ST.26 SP
- Benutzerdefinierte Listen:
 - Benutzerdefinierte Organismen
 - Person/Organisation


Hauptfunktionen des Tools (2)

- Importieren:
 - Bestehende SP: ST.25/ST.26
 - Gängige Formate: FASTA/Multi-sequence/raw
 - Bestehendes ST.26-Projekt
- Funktionen des Tools:
 - Einstellungen
 - Mehrsprachige Unterstützung
 - Automatische Aktualisierung
- Die vollständige Funktionalität des Tools finden Sie im Handbuch zum WIPO Sequence-Desktop unter:
<https://www.wipo.int/export/sites/www/standards/en/sequence/wipo-sequence-manual-1-1-0-en.pdf>

Erstellen eines Projekts (Demo)

The screenshot shows the 'PROJECTS' section of the WIPO Sequence web application. The top navigation bar includes the WIPO logo, 'Sequence', and menu items for 'PROJECTS', 'PERSONS & ORGANIZATIONS', and 'ORGANISMS'. On the right side of the navigation bar are 'PREFERENCES' and 'ENGLISH' with a dropdown arrow. Below the navigation bar, there are four action links: 'NEW PROJECT', 'IMPORT PROJECT', 'IMPORT SEQUENCE LISTING', and 'VALIDATE SEQUENCE LISTING'. The main heading is 'PROJECTS'. To the right of the heading is a search box labeled 'Search project by name' with a magnifying glass icon. Below the search box is a message box that reads: 'Currently you do not have any projects in your list. In the 'Projects' area you can create a new project or import an existing project.'

Hinzufügen von Projektdetails: Allgemeine Informationen (Demo)

 WIPO | Sequence

[INSECTICIDAL PROTEINS](#)
[VERIFICATION REPORT](#)
[FREE TEXT QUALIFIERS](#)
[IMPORT REPORT](#)
[DISPLAY THE SEQUENCE LISTING](#)
[HELP](#)
▼
[PREFERENCES](#)
[ENGLISH ▼](#)
Return to project home

<p>Project Name Insecticidal Proteins</p> <p>Status modified</p> <p>Description Insecticidal proteins and methods for their use</p> <p>Source language code for free text qualifiers en</p> <p>Original free text language code en</p>	<p>Creation date 2021-04-07</p> <p>File Name Insecticidal Proteins SL</p> <p>Sequences 0</p> <p>Non English free text language code fr</p>	✎
----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	---

GENERAL INFORMATION

APPLICATION IDENTIFICATION

IP Office ▼

<p>Application Identification*</p> <p><input checked="" type="radio"/> Before the assignment of the application number</p> <p><input type="radio"/> After the assignment of the application number</p>	<p style="color: red;">Applicant file reference*</p> <p>Application File Reference is a mandatory field when 'Before the assignment of the application number' is provided.</p>
--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

Übersichtstabelle der Sequenzen

SEQUENCES

Sequence ID Number	Sequence Name	Length	Molecule Type	Organism
1	US20190136258A1-20190509-S00001_seq_SEQ ID NO 1	245	RNA	Rebilus crediton
2	Inserted sequence	41	DNA	Wohlfahrtiopsis bishoppi
3	US20190136258A1-20190509-S00001_seq_SEQ ID NO 2	1481		Pseudomonas sp.
4	US20190136258A1-20190509-S00001_seq_SEQ ID NO 2	1458		Pseudomonas monteilii

Hinzufügen von Projektdetails: Eine neue Sequenz

- Innerhalb der Projektdetailansicht ist es möglich, entweder eine Sequenz zu erstellen oder eine Sequenz in das Projekt zu importieren

The screenshot displays the top navigation bar of the WIPO Sequence application. The main menu includes: WIPO | Sequence, INSECTICIDAL PROTEINS, VERIFICATION REPORT, FREE TEXT QUALIFIERS, IMPORT REPORT, DISPLAY THE SEQUENCE LISTING, HELP, PREFERENCES, and ENGLISH. A 'Return to project home' button is located in the top right corner. Below the navigation bar, the 'GENERAL INFORMATION' and 'SEQUENCES' tabs are visible. The 'SEQUENCES' section contains a row of buttons: 'Create new sequence', 'Import sequence', 'Insert Sequence', 'Reorder Sequence', and 'Bulk Edit'. The 'Create new sequence' and 'Import sequence' buttons are highlighted with a red border. Below the buttons is a table with the following columns: Sequence ID Number, Sequence Name, Length, Molecule Type, and Organism.

Erstellen einer Sequenz

SEQUENCES

Create new sequence Import sequence Insert Sequence Reorder Sequence

Sequence ID Number	Sequence Name	Length	INSDSeqMoltype	Organism
1				

WIPO | Sequence INSECTICIDAL PROTEINS VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING HELP PREFERENCES ENGLISH Return to project home

1 2

Sequence Name*
Name/description for sequence

Molecule Type*
DNA

Residues*
agagagagagagagagagagatttaaaatttagagaatattagagagatatataggaagtatataggatatgagagtatagaggatatataggatata

Organism name
unidentified

Qualifier Molecule Type
genomic DNA

Mark as an intentionally skipped sequence
 The sequence contains both DNA & RNA fragments

Cancel Create sequence Create & Display Sequence

Übersprungene Sequenzen


- Wie in ST.25 werden übersprungene Sequenzen durch die Reihe ,000‘ dargestellt
- Übersprungene Sequenzen werden durch Anklicken des nachstehenden Kästchens angegeben:

SEQUENCE 2

Sequence Name* EP130135_N2067-7148W0 - SL_seq_2	Sequence Number (ID) 2
Molecule Type* AA	Length 45
Organism name synthetic construct	Qualifier Molecule Type protein
<input checked="" type="checkbox"/> Mark as an intentionally skipped sequence	

[Cancel](#)[Update sequence](#)

Neuanordnung von Sequenzen (Demo)

 **WIPO** | Sequence

[INSECTICIDAL PROTEINS](#)
[VERIFICATION REPORT](#)
[FREE TEXT QUALIFIERS](#)
[IMPORT REPORT](#)
[DISPLAY THE SEQUENCE LISTING](#)
[HELP](#)
▼
[PREFERENCES](#)
[ENGLISH](#)
▼
Return to project home

GENERAL INFORMATION **SEQUENCES**

SEQUENCES

Create new sequence
Import sequence
Insert Sequence
Reorder Sequence
Bulk Edit

Sequence ID Number	Sequence Name	Length	Molecule Type	Organism
1	Error four testing_seq_1	1004	DNA	unidentified
2	Error four testing_seq_2	191	AA	unidentified
3	Error four testing_seq_3	1004	DNA	synthetic construct
4	Error four testing_seq_4	191	AA	synthetic construct
5	Error four testing_seq_5	795	DNA	synthetic construct
6	Error four testing_seq_6	264	AA	synthetic construct

Importieren bestehender Sequenzprotokolle

The screenshot shows the WIPO Sequence database interface. The main area displays the file 'insecticidal proteins.xml' and the 'Project Name' field, which is set to 'Import Sequence Project'. A red circle '3' highlights the 'Project Name' field. A red circle '1' highlights the 'Upload ST.25 [.txt] or ST.26 [.xml] file' button. A red circle '2' highlights the file 'Insecticidal Proteins.xml' in the file explorer window.

The file explorer window shows the following files and folders:

Nombre	Fecha de modifica...	Tipo
ST26T-1087	02/07/2019 13:54	Carpeta de archiv
9_ST25_9238084_DTD_Based.xml	17/08/2017 18:33	Documento XML
changedata.xml	04/07/2019 10:17	Documento XML
Insecticidal Proteins (1).xml	05/07/2019 12:52	Documento XML
Insecticidal Proteins.xml	25/06/2019 18:50	Documento XML
Invalid_project.xml	02/07/2019 9:49	Documento XML
Noseqs0.xml	08/07/2019 14:44	Documento XML
Opt_Soy_Loci.xml	11/03/2019 15:45	Documento XML
QN_1.xml	02/07/2019 14:37	Documento XML
Results QV 29.xml	11/07/2019 15:00	Documento XML
ST_25_import_complex.txt	05/07/2019 13:42	Documento de te
ST_25_long.txt	04/07/2019 14:24	Documento de te

The file explorer window also shows the file name 'Insecticidal Proteins.xml' and the file type '.txt.xml (*.txt;*.xml)'.

The background interface includes the following elements:

- Navigation menu: WIPO | Sequence, PROJECTS, PERSONS & ORGANIZATIONS, ORGANISMS, PREFERENCES, ENGLISH
- Actions: NEW PROJECT, IMPORT PROJECT, IMPORT SEQUENCE LISTING, VALIDATE SEQUENCE LISTING
- Form fields: Project Name (Import Sequence Project), Select Range Sequences, Select the general information contents to be imported
- Buttons: Cancel, Import Sequence Listing
- Table headers: Project name, Applicant file referen, Creation Date

Importieren von ST.25-Sequenzprotokoll (1)

- WIPO Sequence unterstützt den Import von Sequenzprotokollen im ST.25-Format
- ST.26-Pflichtfelder, die in der importierten Datei fehlen, müssen jedoch vom Benutzer manuell eingegeben werden, einschließlich:
 - SOURCE/Source: Molekülart und Organismus
 - Obligatorische Qualifier für Merkmale, z. B. modified_base (mod_base)
- Beim Import nimmt WIPO Sequence verschiedene Änderungen an den importierte Daten vor, bevor sie in das Projekt aufgenommen werden.
- Zusammenfassung im Datenänderungsbericht

Importieren von ST.25-Sequenzprotokoll (2)

- Vorgenommene Änderungen werden gemäß den Empfehlungen in Anlage VII implementiert (Beratung für die Umwandlung von ST.25 zu ST.26 ohne Hinzufügen von neuem Offenbarungsgehalt)
- Diese umfassen:
 - Alle ‚u‘-Reste werden für eine RNA-Sequenz in ‚t‘ umgewandelt
 - Ersetzen der Molekülart (i) ADN durch DNA, (ii) ARN durch RNA, (iii) PRT durch AA
 - Ersetzen von ‚Künstlicher Sequenz‘ und angegebenen Äquivalenten durch ‚Synthetisches Konstrukt‘
 - Ersetzen von ‚unbekannt‘ (und angegebene Äquivalente) durch ‚nicht identifiziert‘
 - Ersetzen von Aminosäuresymbolen im 3-Buchstaben-Code durch 1-Buchstaben-Code.

Importieren von Sequenzprotokoll (Demo)



WIPO | Sequence

PROJECTS

PERSONS & ORGANIZATIONS

ORGANISMS

PREFERENCES ENGLISH

[NEW PROJECT](#) [IMPORT PROJECT](#) [IMPORT SEQUENCE LISTING](#) [VALIDATE SEQUENCE LISTING](#)

PROJECTS



Project name ◦	Applicant file reference	Applicant name	Invention title	Status	Creation Date
Insecticidal Proteins				new	2019-05-09

Importieren von FASTA-Format

WIPO | Sequence INSECTICIDAL PROTEINS VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING HELP PREFERENCES ENGLISH Return to project home

D:\test data\USPTO Test files\FASTA_multisequence_1.fasta Upload file [.txt, .xml, .FASTA]

Select Range of Sequence IDs * Molecule Type*


This field is mandatory and a value is required. Choose a default sequence molecule type for the selected Sequence ID range.

Check to save this description as a note.

Sequence Number [ID]	
1	>AAN76654.1 Est1 partial
2	>BAC11014.1 deletion isoform of telomerase reverse transcriptase
3	>CAA98800.1 CDC13
4	>AF411028.1 Saccharomyces pastorianus Est1 gene
5	>AB086379.1 Homo sapiens hTERT mRNA deletion isoform of telomerase reverse transcriptase

⏪ ⏩ 1 2 ⏪ ⏩

Importieren von RAW-Format

 WIPO | Sequence

[INSECTICIDAL PROTEINS](#)
[VERIFICATION REPORT](#)
[FREE TEXT QUALIFIERS](#)
[IMPORT REPORT](#)
[DISPLAY THE SEQUENCE LISTING](#)
[HELP](#)
▼
[PREFERENCES](#)
[ENGLISH ▼](#)
Return to project home

20	141 error test_seq_48	680	AA	Listeria monocytogenes
----	-----------------------	-----	----	------------------------

⏪ ⏩ 1 2 ⏪ ⏩


D:\test data\raw_test.txt Upload file [.txt, .xml, .FASTA]

The file selected is in raw format. Please select the sequence molecule type in order to import the sequence.

Sequence Name*	Molecule Type* ▼
Organism name	Qualifier Molecule Type ▼

Cancel
Import sequence

Importieren von Multi-sequence

 WIPO | Sequence

[Return to project home](#)

	INSECTICIDAL PROTEINS	VERIFICATION REPORT	FREE TEXT QUALIFIERS	IMPORT REPORT	DISPLAY THE SEQUENCE LISTING	HELP	▼ PREFERENCES ENGLISH▼
17		141 error test_seq_44		261	AA		Homo sapiens
18		141 error test_seq_46		29	DNA		Homo sapiens
19		141 error test_seq_47		29	DNA		Homo sapiens
20		141 error test_seq_48		680	AA		Listeria monocytogenes

⏪ ⏴ 1 2 ⏵ ⏩

D:\test data\Multisequence.txt Upload file [.txt, .xml, .FASTA]

Select Range of Sequence IDs

Cancel
Import sequence

Importbericht (1)

- Wenn während des Imports Fehler oder Warnungen aufgetreten sind, wird ein Importbericht erstellt.
- Die Meldungen in diesem Bericht weisen auf bestimmte Sequenzen hin, die eine manuelle Eingabe durch den Benutzer erfordern
- Der Importbericht enthält eine Klassifizierung, das entsprechende ST.25-Tag, eine Meldung für den Benutzer und die SEQ-ID
- Meldungen werden klassifiziert („Typ der Anmerkung“) als entweder:
 - INDIVIDUELL: bezieht sich auf eine spezielle importierte Sequenz
 - GLOBAL: betrifft alle importierten Sequenzen

Importbericht (2)

Type of Note	Data Element	Message Text	Detected Sequence
INDIVIDUAL	<222>	No location information has been found for the feature SOURCE of SEQ ID NO 23. The user can add the location information as recommended in Annex VII, ST.26.	23
INDIVIDUAL	<222>	No location information has been found for the feature SOURCE of SEQ ID NO 24. The user can add the location information as recommended in Annex VII, ST.26.	24
INDIVIDUAL	<222>	No location information has been found for the feature SOURCE of SEQ ID NO 25. The user can add the location information as recommended in Annex VII, ST.26.	25
INDIVIDUAL	<222>	No location information has been found for the feature SOURCE of SEQ ID NO 26. The user can add the location information as recommended in Annex VII, ST.26.	26

Datenänderungsbericht (1)

- Spezielle Details zu allen Änderungen, die während des Imports eines ST.25-Sequenzprotokolls vorgenommen wurden
- Anders als beim Importbericht, wo erwartet wird, dass der Benutzer diese Angaben bereitstellt
- Führt das ursprüngliche ST.25-Tag und das Ziel-ST.26-Tag sowie die angewandte Umwandlung und die entsprechende SEQ-ID auf
- Umwandlungen dürfen hier jedoch nicht den ursprünglichen Inhalt verändern. Zum Beispiel ist ein ‚u‘, das in ein ‚t‘ geändert wurde, im ST.26-Projekt immer noch Uracil

Datenänderungsbericht (2)



Change Data

Origin Tag	Origin Element Name	Origin Element Value	Target Element Name	Target Element Value	Transformation	Sequence ID Number
<222>	Feature Location		Feature Location	1.15	A feature location has been specified automatically since one was not provided.	23
<221>	Name/Key		Feature Key	REGION	The custom feature key has been replaced with a recommended key (see Annex VII, ST.26).	23
<223>	Other information		Qualifier Name	NOTE	A 'Note' qualifier has been created.	23
<223>	Other information		Qualifier Value	Antibody Light Chain CDR	A value has been added to qualifier	23

Hinzufügen von Merkmalschlüsseln und Qualifiern (1)

▼ SEQUENCE 2

Sequence Number [ID] 2
 Sequence Name Inserted sequence
 Length 41

Molecule Type DNA
 Organism Wohlfahrtiopsis bishoppi



▼ FEATURES

Add feature

Feature Key	Location	Qualifiers
<u>source</u>	1..41	mol_type = genomic DNA organism = Wohlfahrtiopsis bishoppi



▼ SEQUENCE


gatagtatgt atatatagta gtatgatgat gatatgatga t

41

Hinzufügen von Merkmalschlüsseln und Qualifiern (2)

▼ FEATURES

Add feature

Feature Key	Location	Qualifiers	
<u>source</u>	1..23	mol_type = genomic DNA organism = Tinamus osgoodi	

1

Feature 1

Feature Key*	▼	Feature Location*
D_segment		4..15

For a detailed explanation of the format of the feature location please [click here](#)

▼ QUALIFIERS



Add qualifier

Cancel Create Feature

Hinzufügen von Merkmalschlüsseln und Qualifiern (3)

▼ QUALIFIERS

Add qualifier

Qualifier Name	mol_type	Qualifier Value	genomic DNA	
Qualifier Name	organism	Qualifier Value	Tinamus osgoodi	

Qualifier Name

Qualifier Value

- cell_line
- cell_type
- chromosome
- clone
- clone_lib

Cancel Create Qualifier

Hinzufügen von Merkmal/Qualifier (Demo)

WIPO | Sequence PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH

NEW PROJECT IMPORT PROJECT IMPORT SEQUENCE LISTING VALIDATE SEQUENCE LISTING

PROJECTS

Search project by name

Project name	Applicant file reference	Applicant name	Invention title	Status	Creation Date
Insecticidal Proteins				new	2019-05-09
Optimal Soybean Loci				new	2019-05-09

Zulässige Merkmallagen (1)

■ Lagedeskriptoren für Nukleotid- und Aminosäuresequenzen:

Lage	Syntax	Beschreibung
Einzelrestzahl	x	Verweist auf einen einzelnen Rest in der Sequenz.
Restzahlen, die ein Sequenzintervall begrenzen	x..y	Verweist auf eine kontinuierliche Spanne von Resten, die durch den Anfangs- und Endrest begrenzt wird und diese umfasst.
Reste vor der ersten oder nach der letzten angegebenen Restzahl	<x >x <x..y x..>y <x..>y	Verweist auf einen Bereich, der einen angegebenen Rest oder ein Intervall von Resten umfasst und sich über einen angegebenen Rest hinaus erstreckt. Die Symbole ‚<‘ und ‚>‘ können mit einem einzelnen Rest oder mit den Zahlen des Anfangs- und Endrests eines Intervalls von Resten verwendet werden.

Zulässige Merkmallagen (2)

- Lagedeskriptoren nur für Nukleotidsequenzen:

Lage	Syntax	Beschreibung
Eine Stelle zwischen zwei benachbarten Nukleotiden	x^y	Verweist auf eine Stelle zwischen zwei benachbarten Nukleotiden, z. B. endonukleolytische Spaltstelle. Die Positionszahlen für die benachbarten Nukleotide sind durch ein Zirkumflex (^) getrennt.

Zulässige Merkmalagen (3)

- Lagedeskriptoren nur für Aminosäuresequenzen:

Lage	Syntax	Beschreibung
Restzahlen, die durch eine Quervernetzung innerhalb der Kette verbunden sind	x..y	Verweist auf Aminosäuren, die durch eine Vernetzung innerhalb der Kette verbunden sind, bei Verwendung mit einem Merkmal, das eine Quervernetzung innerhalb der Kette anzeigt, z. B. „CROSSLNK“ oder „DISULFID“

Komplexe Merkmallagen (NUR Nukleotidsequenzen)

Lagesyntax	Lagedeskriptor
join (location, location,... location)	Die Lagen werden zu einer zusammenhängenden Sequenz verbunden (von einem Ende zum anderen).
order (location, location,... location)	Die Elemente werden in der angegebenen Reihenfolge gefunden, aber es wird nichts darüber ausgesagt, ob das Verbinden dieser Elemente sinnvoll ist.
complement (location)	Zeigt an, dass sich das Merkmal auf dem Strang befindet, der komplementär zu dem durch den Lagedeskriptor angegebenen Sequenzintervall ist, wenn es in 5'- zu 3'-Richtung oder in der Richtung gelesen wird, die die 5'- zu 3'-Richtung nachahmt.

Freitext-Qualifier: Definition und Verwendung

- Freier Text: *„ist eine Art von Werteformat für bestimmte Qualifier, das in Form einer beschreibenden Textphrase oder einem anderen festgelegten Format dargestellt wird“* – aus: WIPO ST.26
- Eine von zwei Arten:
 - Sprachabhängig (kann eine Übersetzung erfordern)
z. B. Anmerkung
 - Sprachunabhängig, z. B. Allele
- Darf 1000 Zeichen nicht überschreiten, sofern es nicht der Übersetzungs-Qualifier ist.
- Siehe WIPO ST.26 Anlage I Abschnitte 6 und 8: Vollständige Liste von sprachabhängigen Freitext-Qualifiern

Hinzufügen eines Freitext-Qualifiers

WIPO | Sequence INSECTICIDAL PROTEINS VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING HELP PREFERENCES ENGLISH Return to project home

For a detailed explanation of the format of the feature location please [click here](#)

▼ QUALIFIERS

Add qualifier

Qualifier Name *	▼	Qualifier Value
note		
		NOTE: this value may require translation for National/Regional procedures.
Language*	▼	Non English Qualifier Value

There is currently no Non English language code selected in your project. Please select one first.

Cancel Create Qualifier

Cancel Create Feature

Freitext-Qualifier: XLIFF

Sequence ID Number	Sequence Name	Feature Key	Feature Location	Qualifier ID	Qualifier Name	Qualifier Value	Non English Qualifier Value-{fr}	Available language codes
1	Error four testing_seq_20	SOURCE	1.191	q26	<u>ORGANISM</u>	synthetic construct		
2	Error four testing_seq_1	source	1.1004	q5	<u>organism</u>	unidentified		
3	Error four testing_seq_2	SOURCE	1.191	q6	<u>ORGANISM</u>	unidentified		
4	Error four testing_seq_3	source	1.1004	q7	<u>organism</u>	synthetic construct		
5	Error four testing_seq_4	SOURCE	1.191	q8	<u>ORGANISM</u>	synthetic construct		

Validieren von Sequenzprotokoll

The screenshot displays the WIPO Sequence application interface. At the top, a dark navigation bar contains the WIPO logo and the text 'WIPO | Sequence'. To its right are several menu items: 'DEMO PROJECT', 'VERIFICATION REPORT', 'FREE TEXT QUALIFIERS', 'IMPORT REPORT', 'DISPLAY THE SEQUENCE LISTING', 'PREFERENCES', 'ENGLISH', and a 'Back To List' button. Below the navigation bar, the page title 'GENERAL INFORMATION SEQUENCES' is visible. The main content area features the heading 'DEMO PROJECT' on the left. To the right of this heading are five buttons: 'Print', 'Export', 'Import Another Project', 'Validate', and 'Generate Sequence Listing'. The 'Validate' button is highlighted with a red rectangular border. Below these buttons is a table with project details:

Project Name Demo Project	Creation date 2019-02-21	
File Name	Sequences 36	
Description Th is is a project for demonstration purposes of the manual.	Status new	

Prüfbericht

ERROR: After project verification, some errors or warnings have been detected. ✕

Report generated on 2021-04-26

Delete selected sequences

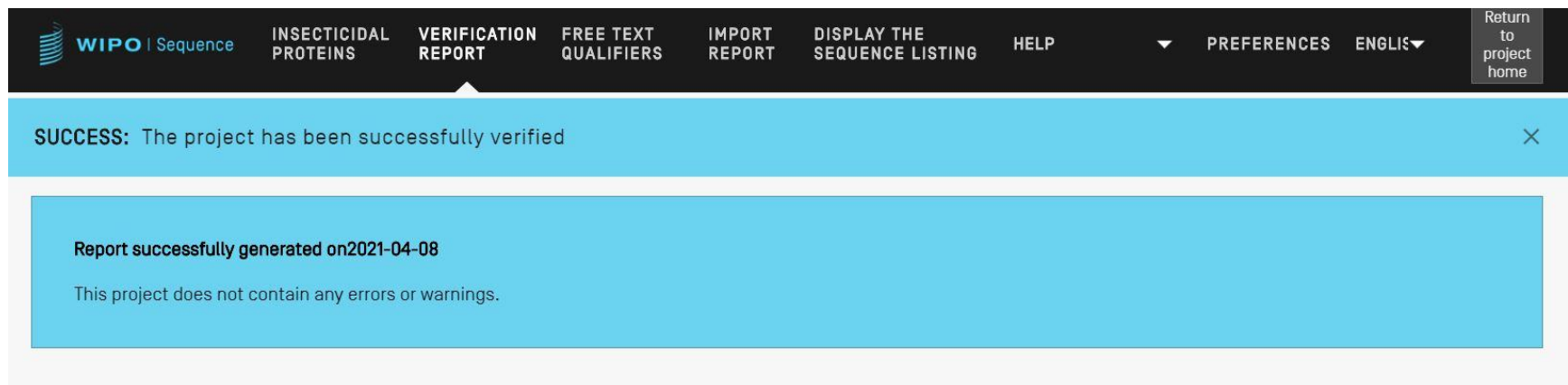
Print Report

<input type="checkbox"/>	Severity <small>▾</small>	Data Element <small>▾</small>	Message Text	Detected Value	Detected Sequence	Rule ID <small>▾</small>
<input type="checkbox"/>	ERROR	<u>Sequence Residue</u>	The sequence contains the invalid nucleotide symbol u at position 107. Nucleotide sequences must only contain the symbols set forth in WIPO ST.26 Annex I, Section 1.	-	Sequence 40	SR_2__SR_3
<input type="checkbox"/>	ERROR	<u>Sequence Residue</u>	The sequence contains the invalid nucleotide symbol u at position 4. Nucleotide sequences must only contain the symbols set forth in WIPO ST.26 Annex I, Section 1.	-	Sequence 40	SR_2__SR_3
			The sequence contains			

Fehler-/Warnungsmeldungen

- **WARNUNG:** Kann ignoriert werden, solte aber durch manuelle Überprüfung bearbeitet werden
- **FEHLER:** Muss vom Benutzer behoben werden
- Link im Prüfbericht zu einer speziellen Komponente innerhalb der Sequenz, die die Ursache des Fehlers/der Warnung war
- Projekt muss erneut validiert werden, damit dieser Fehler aus dem Bericht entfernt wird
- Das Tool verfolgt den Fortschritt des Benutzers innerhalb des Prüfberichts

Prüfbericht: keine Fehler



The screenshot displays the top navigation bar of the WIPO Sequence application. The navigation menu includes: WIPO | Sequence, INSECTICIDAL PROTEINS, VERIFICATION REPORT (highlighted), FREE TEXT QUALIFIERS, IMPORT REPORT, DISPLAY THE SEQUENCE LISTING, HELP, PREFERENCES, ENGLISH, and a 'Return to project home' button. Below the navigation bar, a light blue success message states: 'SUCCESS: The project has been successfully verified'. A larger light blue box contains the text: 'Report successfully generated on 2021-04-08' and 'This project does not contain any errors or warnings.'

Validierung des Sequenzprotokolls (Demo)

WIPO | Sequence PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH

NEW PROJECT IMPORT PROJECT IMPORT SEQUENCE LISTING VALIDATE SEQUENCE LISTING

PROJECTS

Search project by name

Project name ▾	Applicant file reference	Applicant name	Invention title	Status	Creation Date
Insecticidal Proteins				new	2019-05-09

Generieren von ST.26-Sequenzprotokoll

The screenshot displays the user interface of the WIPO Sequence application. At the top, a dark navigation bar contains the WIPO logo and the text 'WIPO | Sequence'. To its right, a series of menu items are listed: 'DEMO PROJECT', 'VERIFICATION REPORT', 'FREE TEXT QUALIFIERS', 'IMPORT REPORT', 'DISPLAY THE SEQUENCE LISTING', 'PREFERENCES', and 'ENGLISH' with a dropdown arrow. A 'Back To List' button is located in the top right corner of this bar.

Below the navigation bar, the page is divided into two tabs: 'GENERAL INFORMATION' and 'SEQUENCES'. The 'DEMO PROJECT' title is prominently displayed on the left. To the right of the title, there are five buttons: 'Print', 'Export', 'Import Another Project', 'Validate', and 'Generate Sequence Listing'. The 'Generate Sequence Listing' button is highlighted with a red rectangular border.

Below the buttons, a table provides project details:

Project Name Demo Project	Creation date 2019-02-21	
File Name	Sequences 36	
Description Th is is a project for demonstration purposes of the manual.	Status new	

```
<?xml version="1.0" encoding="UTF-8"?>
<!DOCTYPE ST26SequenceListing PUBLIC "-//WIPO//DTD Sequence Listing 1.3//EN" "ST26SequenceListing_V1_3.dtd">
<ST26SequenceListing originalFreeTextLanguageCode="en" dtdVersion="V1_3" fileName="Insecticidal Proteins SL"
softwareName="WIPO Sequence" softwareVersion="1.1.0-beta.5" productionDate="2021-04-08">
```

```
<ApplicationIdentification>
```

```
<IPOfficeCode>IB</IPOfficeCode>
```

```
<ApplicationNumberText>PCT/IB2021/000021</ApplicationNumberText>
```

```
<FilingDate>2021-04-07</FilingDate>
```

```
</ApplicationIdentification>
```

```
<ApplicantFileReference>WIPO-Insect-Demo</ApplicantFileReference>
```

```
<EarliestPriorityApplicationIdentification>
```

```
<IPOfficeCode>IB</IPOfficeCode>
```

```
<ApplicationNumberText>PCT/IB/2020/000045</ApplicationNumberText>
```

```
<FilingDate>2020-04-06</FilingDate>
```

```
</EarliestPriorityApplicationIdentification>
```

```
<ApplicantName languageCode="en">Merck Sharpe and Dohme Corp.</ApplicantName>
```

```
<InventionTitle languageCode="en">Insecticidal proteins and methods of their use</InventionTitle>
```

```
<SequenceTotalQuantity>32</SequenceTotalQuantity>
```

```
<SequenceData sequenceIDNumber="1">
```

```
<INSDSeq>
```

```
<INSDSeq_length>440</INSDSeq_length>
```

```
<INSDSeq_moltype>AA</INSDSeq_moltype>
```

```
<INSDSeq_division>PAT</INSDSeq_division>
```

```
<INSDSeq_feature-table>
```

```
<INSDFeature>
```

```
<INSDFeature_key>SOURCE</INSDFeature_key>
```

```
<INSDFeature_location>1..440</INSDFeature_location>
```

```
<INSDFeature_qual>
```

```
<INSDQualifier>
```

```
<INSDQualifier_name>MOL_TYPE</INSDQualifier_name>
```

```
<INSDQualifier_value>protein</INSDQualifier_value>
```

```
</INSDQualifier>
```

```
<INSDQualifier id="q84">
```

```
<INSDQualifier_name>ORGANISM</INSDQualifier_name>
```

```
<INSDQualifier_value>Homo sapiens</INSDQualifier_value>
```

```
</INSDQualifier>
```

```
</INSDFeature_qual>
```

```
</INSDFeature>
```

```
</INSDSeq_feature-table>
```

```
<INSDSeq_sequence>
```

```
QVQLVESGGGVVQPGRSLRLDCKASGITFSNSGMHWVRQAPGKGLEWVAVIWDYDGSKRYIADSVKGRFTISRDNKNTLFLQMNSLRAEDTAVYYCATNDYWGQGLVTVS
SNTKVDKRVESKYGPPCPPAPEFLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVDSQEDPEVQFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQFNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYK
```

Generieren von ST.26 SP in menschenlesbarem Format: TXT

Sequenzprotokoll-Information:

DTD-Version: V1_3

Dateiname: Insektizide Proteine SP

Software name: WIPO Sequence

Softwareversion: 1.1.0-beta.5

Produktionsdatum: 2021-04-08

Allgemeine Informationen:

Vorliegende Anmeldung / Amt für geistiges Eigentum: IB

Vorliegende Anmeldung / Anmeldenummer: PCT/IB2021/000021

Vorliegende Anmeldung / Anmeldetag: 2021-04-07

Vorliegende Anmeldung / Aktenzeichen des Anmelders: WIPO-Insekt-Demo

Früheste Prioritätsanmeldung / Amt für geistiges Eigentum: IB

Früheste Prioritätsanmeldung / Anmeldenummer: PCT/IB/2020/000045

Früheste Prioritätsanmeldung / Anmeldetag: 2020-04-06

Name des Anmelders: Merck Sharpe and Dohme Corp.

Name des Anmelders / Sprache: de

Bezeichnung der Erfindung: Insektizide Proteine und Verfahren zu deren Verwendung (de)

Sequenzgesamtmenge: 32

Sequenzen:

Sequenzzahl (ID): 1

Länge: 440

Art des Moleküls: AA

Merkmallage/Qualifier:

- SOURCE, 1..440

> MOL_TYPE, Protein

> ORGANISM, Homo sapiens

WIPO ÖFFENTLICH

Generieren von ST.26 SP in menschenlesbarem Format: HTML

Sequence Listing

1	Sequence Listing Information	
1-1	File Name	Insecticidal Proteins SL.xml
1-2	DTD Version	V1_3
1-3	Software Name	WIPO Sequence
1-4	Software Version	1.2.0-beta.3
1-5	Production Date	2022-03-21
1-6	Original free text language code	en
1-7	Non English free text language code	
2	General Information	
2-1	Current application: IP Office	IB
2-2	Current application: Application number	PCT/IB2021/000021
2-3	Current application: Filing date	2021-04-07
2-4	Current application: Applicant file reference	WIPO-Insect-Demo
2-5	Earliest priority application: IP Office	IB
2-6	Earliest priority application: Application number	PCT/IB/2020/000045
2-7	Earliest priority application: Filing date	2020-04-06
2-8en	Applicant name	Merck Sharpe and Dohme Corp.
2-8en	Applicant name: Name Latin	
2-9	Inventor name	
2-9en	Inventor name: Name Latin	
2-10en	Invention title	Insecticidal proteins and methods of their use
2-11	Sequence Total Quantity	31
3-1	Sequences	
3-1-1	Sequence Number [ID]	1
3-1-2	Molecule Type	AA
3-1-3	Length	440

Personen/Organisationen

WIPO | ST26 Tool PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH ▼

CREATE NEW PERSON OR ORGANIZATION

PERSONS & ORGANIZATIONS

Search person or organization by name

Name ◯	Language Code ◯	Name Latin ◯	Residence Address ◯	Correspondence Address ◯

WIPO | ST26 Tool CREATE NEW PERSON OR ORGANIZATION PREFERENCES ENGLISH ▼

Name*	Residence Address
Language* <input type="button" value="▼"/>	Correspondence Address
Name Latin	

Benutzerdefinierte Organismen

WIPO | ST26 Tool PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH ▾

EXPORT CUSTOM ORGANISMS IMPORT CUSTOM ORGANISMS **CREATE NEW ORGANISM**

ORGANISMS

Search organism by name 🔍

Name ▾

Verfügbare Sprachen (1)

- Das WIPO Sequence-Desktop-Tool bietet alle Beschriftungen und Benachrichtigungen in jeder der 10 PCT-Sprachen:

Englisch, Französisch, Spanisch, Arabisch, Russisch, Chinesisch, Deutsch, Portugiesisch, Koreanisch und Japanisch.

- Die Startseite/das Benutzerhandbuch ist auch in diesen 10 Sprachen verfügbar
- Die Sprache für die Benutzeroberfläche kann in der oberen rechten Ecke des Bildschirms eingestellt werden (siehe nächste Seite)
- Die Standardsprache der graphischen Benutzeroberfläche kann unter ‚Einstellungen‘ eingestellt werden
- Der Prüfbericht wird ebenfalls in dieser Sprache erstellt

Verfügbare Sprachen (2)



WIPO | Sequence DEMONSTRATION PROJECT VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING PREFERENCES ENGLISH Back To List

GENERAL INFORMATION SEQUENCES

DEMONSTRATION PROJECT

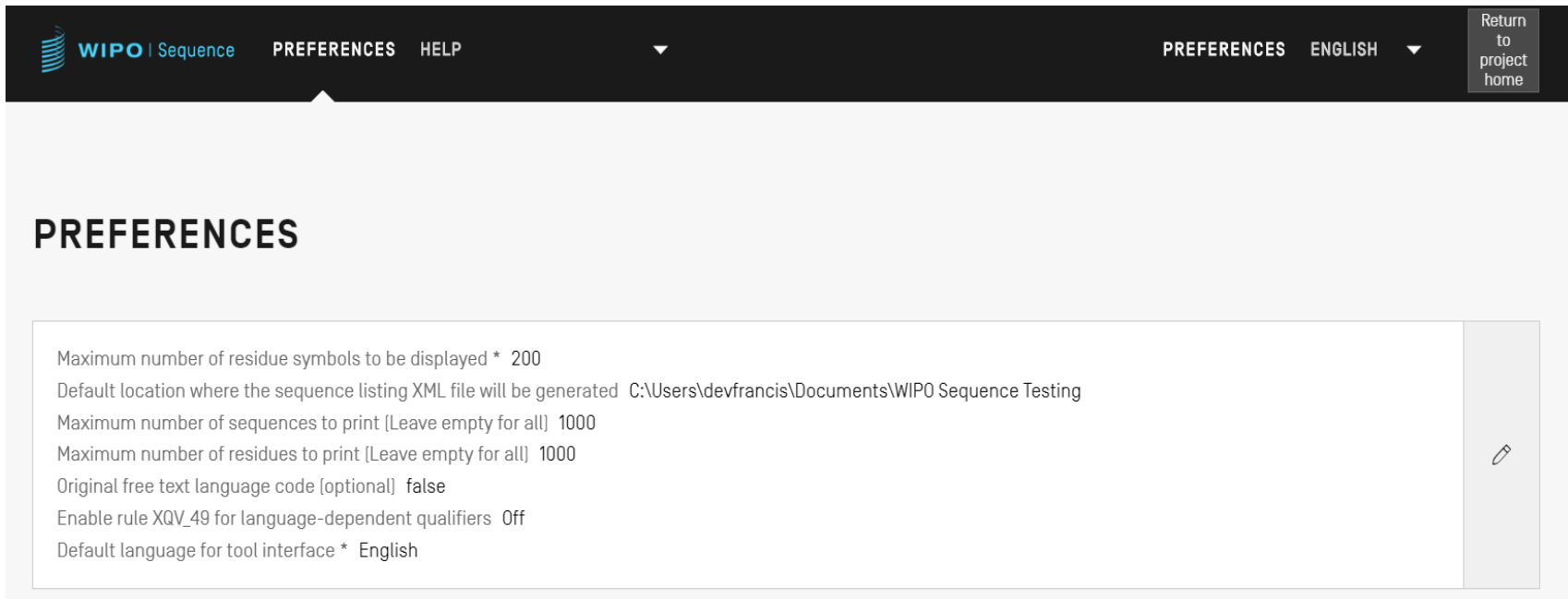
Print Export Import Another Project Validate **Generate Sequence Listing**

Project Name Demonstration Project	Creation date 2019-01-30	
File Name Sequence-list-import	Sequences 6	
Description This is a description for the project.	Status generated	

► GENERAL INFORMATION

► SEQUENCES

Anpassen der Einstellungen



The screenshot shows the 'PREFERENCES' page of the WIPO Sequence tool. The top navigation bar includes the WIPO logo, 'WIPO | Sequence', 'PREFERENCES', and 'HELP'. On the right, there are links for 'PREFERENCES', 'ENGLISH', and a 'Return to project home' button. The main content area is titled 'PREFERENCES' and contains a list of settings:

- Maximum number of residue symbols to be displayed * 200
- Default location where the sequence listing XML file will be generated C:\Users\devfrancis\Documents\WIPO Sequence Testing
- Maximum number of sequences to print [Leave empty for all] 1000
- Maximum number of residues to print [Leave empty for all] 1000
- Original free text language code [optional] false
- Enable rule XQV_49 for language-dependent qualifiers Off
- Default language for tool interface * English

A vertical grey bar on the right side of the settings list contains a pencil icon, indicating that these settings can be edited.

Frage-und Antwort-Sitzung

wiposequence@wipo.int

Weitere Quellen

- WIPO-Standard ST.26:

<https://www.wipo.int/export/sites/www/standards/en/pdf/03-26-01.pdf>

- WIPO Sequence-Homepage:

<https://www.wipo.int/standards/en/sequence>