



WIPO

WORLD
INTELLECTUAL PROPERTY
ORGANIZATION

WIPO Sequence-Desktop-Tool

Webinar-Schulung

Was wir heute behandeln

- Zweck des Tools
- Hauptansichten innerhalb der Benutzeroberfläche: Projekt-Startseite, Projektdetails
- Hauptfunktionen, die unterstützt werden:
 - Erstellen von einem Projekt und von Sequenzen
 - Importieren von Sequenzprotokolldaten - es werden verschiedene Formate unterstützt
 - Validieren von Sequenzprotokolldaten - Prüfbericht
 - Hinzufügen von Projektdaten - Merkmalschlüssel und Qualifier
 - Generieren von ST.26-konformen Sequenzprotokollen
- Sprachunterstützung und Anpassung der Einstellungen

Was wir nicht behandeln werden

- Das in der Einführung in WIPO ST.26 behandelte Material
- Wenn Sie dieses Modul nicht gemacht haben, informieren Sie sich bitte über den WIPO-Standard ST.26 unter:

<https://www.wipo.int/export/sites/www/standards/en/pdf/03-26-01.pdf>

Zweck des Desktop-Tools

- Ab 1. Januar 2022 müssen alle Sequenzprotokolle, die auf internationaler, nationaler oder regionaler Ebene eingereicht werden, dem WIPO-Standard ST.26 entsprechen
- Gemeinsames, von der WIPO erstelltes Desktop-Tool zur Erstellung und Validierung von WIPO ST.26-konformen Sequenzprotokollen
- Von der WIPO erstelltes Tool, um zu gewährleisten, dass alle Anmelder weltweit Zugang zu dem gleichen kostenlosen Tool haben

WIPO Sequence: Installation

- Das WIPO Sequence-Desktop-Tool ist für MS Windows, Mac OSX und Linux-Betriebssysteme verfügbar
- Eine automatische Aktualisierungsfunktionalität informiert den Benutzer, wenn eine neue Version verfügbar ist
- Alle Installationspakete und die Dokumentation für die Benutzerunterstützung können von der WIPO Sequence-Homepage heruntergeladen werden unter:
<https://www.wipo.int/standards/en/sequence>

WIPO Sequence: Wichtig

- Alle generierten Sequenzprotokolle und in WIPO Sequence eingegebenen Projektdaten werden **lokal** (auf dem Computer des Benutzers) gespeichert
- Projekte können offline erstellt und Sequenzprotokolle offline generiert werden, aber die automatische Aktualisierungsfunktion erfordert eine Verbindung zum Internet
- WIPO Sequence wird für die freie Nutzung durch alle Anmelder ohne Bereitstellung des Quellcodes bereitgestellt.

Projekt-Startseite



WIPO | Sequence

PROJECTS

PERSONS & ORGANIZATIONS

ORGANISMS

HELP



PREFERENCES

ENGLISH



[NEW PROJECT](#)

[IMPORT PROJECT](#)

[IMPORT SEQUENCE LISTING](#)


[VALIDATE SEQUENCE LISTING](#)

PROJECTS



Project name ◦	Applicant file reference	Applicant name	Invention title	Status	Creation Date 📅
Test ST.26 Import				new	2019-04-03
SampleValidProject	14283.6000-00000	BIOMX LTD.	BACTERIOPHAGE FOR MODULATING INFLAMMATORY BOWEL DISEASE	generated	2019-04-04


Projektdetails

 **DEMONSTRATION PROJECT** VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING PREFERENCES ENGLISH [Back To List](#)

GENERAL INFORMATION SEQUENCES

DEMONSTRATION PROJECT

[Print](#) [Export](#) [Import Another Project](#) [Validate](#) [Generate Sequence Listing](#)

Project Name Demonstration Project	Creation date 2019-01-30	
File Name Sequence-list-import	Sequences 6	
Description This is a description for the project.	Status generated	

► **GENERAL INFORMATION**

► **SEQUENCES**

Hauptfunktionen (1)

- Erstellen eines Projekts:
 - Allgemeine Informationen
 - Sequenzen
 - Validieren des Projekts
 - Generieren von ST.26 SP
 - Drucken von SP
 - Validieren von ST.26 SP
- Benutzerdefinierte Listen:
 - Benutzerdefinierte Organismen
 - Person/Organisation


Hauptfunktionen (2)

- Importieren:
 - Bestehende SP: ST.25/ST.26
 - Gängige Formate: FASTA/Raw/Multi-sequence
 - Bestehendes ST.26-Projekt
- Funktionen des Tools:
 - Einstellungen
 - Mehrsprachige Unterstützung
 - Automatische Aktualisierung
- Die vollständige Funktionalität des Tools finden Sie im Handbuch zum WIPO Sequence-Desktop unter:
https://www.wipo.int/export/sites/www/standards/en/sequence/wipo_sequence_manual_1_0_0.pdf

Erstellen eines Projekts (Demo)

The screenshot shows the 'PROJECTS' section of the WIPO Sequence application. The top navigation bar includes the WIPO logo, 'WIPO | Sequence', and menu items for 'PROJECTS', 'PERSONS & ORGANIZATIONS', and 'ORGANISMS'. On the right side of the navigation bar, there are links for 'PREFERENCES' and 'ENGLISH'. Below the navigation bar, a secondary menu contains the options 'NEW PROJECT', 'IMPORT PROJECT', 'IMPORT SEQUENCE LISTING', and 'VALIDATE SEQUENCE LISTING'. The main heading is 'PROJECTS'. To the right of the heading is a search box labeled 'Search project by name' with a magnifying glass icon. Below the search box, a message states: 'Currently you do not have any projects in your list. In the 'Projects' area you can create a new project or import an existing project.'

Hinzufügen von Projektdetails: Allgemeine Informationen

 WIPO | Sequence

[INSECTICIDAL PROTEINS](#)
[VERIFICATION REPORT](#)
[FREE TEXT QUALIFIERS](#)
[IMPORT REPORT](#)
[DISPLAY THE SEQUENCE LISTING](#)
[HELP](#)
▼
[PREFERENCES](#)
[ENGLISH ▼](#)
Return to project home

<p>Project Name Insecticidal Proteins</p> <p>Status modified</p> <p>Description Insecticidal proteins and methods for their use</p> <p>Source language code for free text qualifiers en</p> <p>Original free text language code en</p>	<p>Creation date 2021-04-07</p> <p>File Name Insecticidal Proteins SL</p> <p>Sequences 0</p> <p>Non English free text language code fr</p>	✎
--	--	---

GENERAL INFORMATION

APPLICATION IDENTIFICATION

IP Office	▼
<p>Application Identification*</p> <p><input checked="" type="radio"/> Before the assignment of the application number</p> <p><input type="radio"/> After the assignment of the application number</p>	<p style="color: red;">Applicant file reference*</p> <p>Application File Reference is a mandatory field when 'Before the assignment of the application number' is provided.</p>

Hinzufügen von Projektdetails: Eine neue Sequenz

- Innerhalb der Projektdetailansicht ist es möglich, entweder eine Sequenz zu erstellen oder eine Sequenz in das Projekt zu importieren

The screenshot displays the top navigation bar of the WIPO Sequence application. The main content area is titled 'SEQUENCES' and contains a row of five buttons: 'Create new sequence', 'Import sequence', 'Insert Sequence', 'Reorder Sequence', and 'Bulk Edit'. The first two buttons are highlighted with a red rectangular border. Below the buttons is a table with the following columns: 'Sequence ID Number', 'Sequence Name', 'Length', 'Molecule Type', and 'Organism'.

WIPO | Sequence INSECTICIDAL PROTEINS VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING HELP PREFERENCES ENGLISH Return to project home

GENERAL INFORMATION SEQUENCES

SEQUENCES

Create new sequence Import sequence Insert Sequence Reorder Sequence Bulk Edit

Sequence ID Number	Sequence Name	Length	Molecule Type	Organism
--------------------	---------------	--------	---------------	----------

Erstellen einer Sequenz

SEQUENCES

Create new sequence Import sequence Insert Sequence Reorder Sequence

Sequence ID Number	Sequence Name	Length	INSDSeqMoltype	Organism
1				

WIPO | Sequence INSECTICIDAL PROTEINS VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING HELP PREFERENCES ENGLISH Return to project home

1 2

Sequence Name*
Name/description for sequence

Molecule Type*
DNA

Residues*
agagagagagagagagagatttaaaatttagagaatattagagagatataggaagtatataggatatgagagtatagaggatatagggatata

Organism name
unidentified

Qualifier Molecule Type
genomic DNA

Mark as an intentionally skipped sequence
 The sequence contains both DNA & RNA fragments

Cancel Create sequence Create & Display Sequence

Übersprungene Sequenzen


- Wie in ST.25 werden übersprungene Sequenzen durch die Reihe ,000‘ dargestellt
- Übersprungene Sequenzen werden durch Anklicken des nachstehenden Kästchens angegeben:

SEQUENCE 2

Sequence Name* EP130135_N2067-7148W0 - SL_seq_2	Sequence Number (ID) 2
Molecule Type* AA	Length 45
Organism name synthetic construct	Qualifier Molecule Type protein
<input checked="" type="checkbox"/> Mark as an intentionally skipped sequence	

[Cancel](#)[Update sequence](#)

Neuanordnung von Sequenzen (Demo)

 **WIPO** | Sequence

[INSECTICIDAL PROTEINS](#)
[VERIFICATION REPORT](#)
[FREE TEXT QUALIFIERS](#)
[IMPORT REPORT](#)
[DISPLAY THE SEQUENCE LISTING](#)
[HELP](#)
▼
[PREFERENCES](#)
[ENGLISH](#)
▼
Return to project home

GENERAL INFORMATION **SEQUENCES**

SEQUENCES

Create new sequence
Import sequence
Insert Sequence
Reorder Sequence
Bulk Edit

Sequence ID Number	Sequence Name	Length	Molecule Type	Organism
1	Error four testing_seq_1	1004	DNA	unidentified
2	Error four testing_seq_2	191	AA	unidentified
3	Error four testing_seq_3	1004	DNA	synthetic construct
4	Error four testing_seq_4	191	AA	synthetic construct
5	Error four testing_seq_5	795	DNA	synthetic construct
6	Error four testing_seq_6	264	AA	synthetic construct

Importieren bestehender Sequenzprotokolle

WIPO | Sequence PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH

NEW PROJECT IMPORT PROJECT IMPORT SEQUENCE LISTING VALIDATE SEQUENCE LISTING

insecticidal proteins.xml Upload ST.25 [.txt] or ST.26 [.xml] file

Project Name 3
Import Sequence Project

Select Range Sequences

Select the general information contents to be imported

PROJECTS

Project name : Applicant file referen... Creation Date

Abrir

« Documentos » Import Seq Listing

Organizar Nueva carpeta

Nombre	Fecha de modifica...	Tipo
everis		
ST26 authoring t		
Este equipo		
Descargas		
Documentos		
Escritorio		
Imágenes		
Música		
Objetos 3D		
Videos		
OSDisk (C:)		
ST26T-1087	02/07/2019 13:54	Carpeta de archiv
9_ST25_9238084_DTD_Based.xml	17/08/2017 18:33	Documento XML
changedata.xml	04/07/2019 10:17	Documento XML
Insecticidal Proteins (1).xml	05/07/2019 12:52	Documento XML
Insecticidal Proteins.xml	25/06/2019 18:50	Documento XML
Invalid_project.xml	02/07/2019 9:49	Documento XML
Noseqs0.xml	08/07/2019 14:44	Documento XML
Opt_Soy_Loci.xml	11/03/2019 15:45	Documento XML
QN_1.xml	02/07/2019 14:37	Documento XML
Results QV 29.xml	11/07/2019 15:00	Documento XML
ST_25_import_complex.txt	05/07/2019 13:42	Documento de te
ST_25_long.txt	04/07/2019 14:24	Documento de te

Nombre: Insecticidal Proteins.xml

.txt.xml (*.txt;*.xml)

Abrir Cancelar

Cancel Import Sequence Listing

Importieren von ST.25-Sequenzprotokoll (1)

- WIPO Sequence unterstützt auch den Import von Sequenzen im ST.25-Format
- ST.26-Pflichtfelder, die in der importierten Datei fehlen, müssen vom Benutzer manuell eingegeben werden, einschließlich:
 - SOURCE/Source: Molekülart und Organismus
 - Obligatorische Qualifier für Merkmale, z. B. CDS-Merkmal
- Implementiert gemäß den Empfehlungen in Anlage VII (Beratung für die Umwandlung von ST.25 zu ST.26 ohne Hinzufügen von neuem Offenbarungsgehalt)

Importieren von ST.25-Sequenzprotokoll (2)

- Beim Import nimmt WIPO Sequence mehrere Änderungen an den importierten Daten vor, bevor sie in das Projekt aufgenommen werden.
- Diese umfassen:
 - Alle ‚u‘-Reste werden in ‚t‘ umgewandelt
 - Ersetzen der Molekülart (i) ADN durch DNA, (ii) ARN durch RNA, (iii) PRT durch AA
 - Ersetzen von ‚Künstlicher Sequenz‘ und angegebenen Äquivalenten (siehe UC12, Schritt 5) durch ‚Synthetisches Konstrukt‘
 - Ersetzen von ‚unbekannt‘ (angegebene Äquivalente) durch ‚nicht identifiziert‘
 - Ersetzen von Aminosäuresymbolen im 3-Buchstaben-Code durch 1-Buchstaben-Code.

Importieren von FASTA-Format

WIPO | Sequence INSECTICIDAL PROTEINS VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING HELP PREFERENCES ENGLISH Return to project home

D:\test data\USPTO Test files\FASTA_multisequence_1.fasta Upload file [.txt, .xml, .FASTA]

Select Range of Sequence IDs * Molecule Type*

This field is mandatory and a value is required. Choose a default sequence molecule type for the selected Sequence ID range.

Check to save this description as a note.

Sequence Number [ID]	
1	>AAN76654.1 Est1 partial
2	>BAC11014.1 deletion isoform of telomerase reverse transcriptase
3	>CAA98800.1 CDC13
4	>AF411028.1 Saccharomyces pastorianus Est1 gene
5	>AB086379.1 Homo sapiens hTERT mRNA deletion isoform of telomerase reverse transcriptase

⏪ ⏩ 1 2 ⏪ ⏩

Importieren von RAW-Format

WIPO | Sequence

[Return to project home](#)

20
141 error test_seq_48
680
AA
Listeria monocytogenes

⏪ ⏩ 1 2 ⏪ ⏩

D:\test data\raw_test.txt
Upload file [.txt, .xml, .FASTA]

The file selected is in raw format. Please select the sequence molecule type in order to import the sequence.

Sequence Name*	Molecule Type*	▼
Organism name	Qualifier Molecule Type	▼

Cancel Import sequence

Importieren von Multi-sequence

WIPO | Sequence
 INSECTICIDAL PROTEINS
VERIFICATION REPORT
FREE TEXT QUALIFIERS
IMPORT REPORT
DISPLAY THE SEQUENCE LISTING
HELP
▼ PREFERENCES ENGLISH▼
Return to project home

17	141 error test_seq_44	261	AA	Homo sapiens
18	141 error test_seq_46	29	DNA	Homo sapiens
19	141 error test_seq_47	29	DNA	Homo sapiens
20	141 error test_seq_48	680	AA	Listeria monocytogenes

⏪ ⏩ 1 2 ⏪ ⏩

D:\test data\Multisequence.txt Upload file [.txt, .xml, .FASTA]

Select Range of Sequence IDs

Cancel
Import sequence

Importieren von Sequenzprotokoll (Demo)



WIPO | Sequence

PROJECTS

PERSONS & ORGANIZATIONS

ORGANISMS

PREFERENCES ENGLISH

[NEW PROJECT](#)[IMPORT PROJECT](#)[IMPORT SEQUENCE LISTING](#)[VALIDATE SEQUENCE LISTING](#)

PROJECTS



Project name ◦	Applicant file reference	Applicant name	Invention title	Status	Creation Date
Insecticidal Proteins				new	2019-05-09

Importbericht (1)

- Wenn während des Imports Änderungen, Fehler oder Warnungen aufgetreten sind, wird ein Importbericht erstellt.
- Die Meldungen in diesem Bericht weisen auf bestimmte Sequenzen hin, die eine manuelle Eingabe durch den Benutzer erfordern
- Der Importbericht enthält eine Klassifizierung, das entsprechende ST.25-Tag, eine Meldung für den Benutzer und die SEQ-ID
- Meldungen werden klassifiziert („Typ der Anmerkung“) als entweder:
 - INDIVIDUELL: bezieht sich auf eine spezielle importierte Sequenz
 - GLOBAL: betrifft alle importierten Sequenzen

Importbericht (2)

Type of Note	Data Element	Message Text	Detected Sequence
INDIVIDUAL	<222>	No location information has been found for the feature SOURCE of SEQ ID NO 23. The user can add the location information as recommended in Annex VII, ST.26.	23
INDIVIDUAL	<222>	No location information has been found for the feature SOURCE of SEQ ID NO 24. The user can add the location information as recommended in Annex VII, ST.26.	24
INDIVIDUAL	<222>	No location information has been found for the feature SOURCE of SEQ ID NO 25. The user can add the location information as recommended in Annex VII, ST.26.	25
INDIVIDUAL	<222>	No location information has been found for the feature SOURCE of SEQ ID NO 26. The user can add the location	26

Datenänderungsbericht (1)

- Spezielle Details zu allen Änderungen, die während des Imports eines ST.25-Sequenzprotokolls vorgenommen wurden
- Anders als beim Importbericht, wo erwartet wird, dass der Benutzer diese Angaben bereitstellt
- Führt das ursprüngliche ST.25-Tag und das Ziel-ST.26-Tag sowie die angewandte Umwandlung und die entsprechende SEQ-ID auf
- Umwandlungen dürfen hier jedoch nicht den ursprünglichen Inhalt verändern. Zum Beispiel ist ein ‚u‘, das in ein ‚t‘ geändert wurde, im ST.26-Projekt immer noch Uracil

Datenänderungsbericht (2)



Change Data

Origin Tag	Origin Element Name	Origin Element Value	Target Element Name	Target Element Value	Transformation	Sequence ID Number
<222>	Feature Location		Feature Location	1.15	A feature location has been specified automatically since one was not provided.	23
<221>	Name/Key		Feature Key	REGION	The custom feature key has been replaced with a recommended key (see Annex VII, ST.26).	23
<223>	Other information		Qualifier Name	NOTE	A 'Note' qualifier has been created.	23
<223>	Other information		Qualifier Value	Antibody Light Chain CDR	A value has been added to qualifier	23

Validieren von Sequenzprotokoll

The screenshot displays the WIPO Sequence application interface. At the top, a dark navigation bar contains the WIPO logo and the text 'WIPO | Sequence'. To its right are several menu items: 'DEMO PROJECT', 'VERIFICATION REPORT', 'FREE TEXT QUALIFIERS', 'IMPORT REPORT', 'DISPLAY THE SEQUENCE LISTING', 'PREFERENCES', and 'ENGLISH' with a dropdown arrow. A 'Back To List' button is located in the top right corner of the navigation bar.

Below the navigation bar, the page content is organized into sections. On the left, there are two tabs: 'GENERAL INFORMATION' and 'SEQUENCES'. The main heading 'DEMO PROJECT' is prominently displayed. To the right of this heading is a row of five buttons: 'Print', 'Export', 'Import Another Project', 'Validate' (highlighted with a red border), and 'Generate Sequence Listing' (a blue button).

Below the buttons, a table-like structure displays project details. The left column contains the following information:

Project Name	Demo Project
File Name	
Description	This is a project for demonstration purposes of the manual.

The right column contains the following information:

Creation date	2019-02-21
Sequences	36
Status	new

An edit icon (pencil) is visible in a grey box on the far right of the details section.

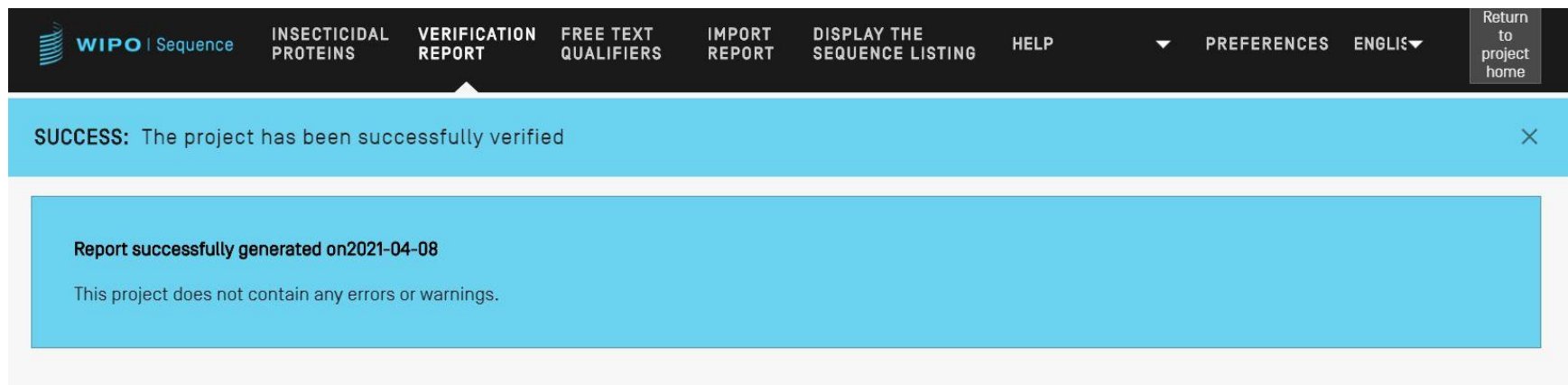
Prüfbericht: Fehler und Warnungen

Severity	Data Element	Message Text	Detected Value	Detected Sequence
WARNING	Feature Qualifiers	Verify that the 'note' qualifier describes the 'OTHER' or 'other' value for the 'mod_base', 'ncRNA_class', or 'regulatory_class' qualifiers.	xyz	Sequence 392
WARNING	Organism	The organism name has not been found in the list of predefined and custom organism names stored in this system. Suggestion: this organism may be added to the list of custom organism names.	Phytoplasma sp.	Sequence 394
ERROR	Qualifier Value	The mandatory qualifier value is missing.	mol_type	Sequence 394

Fehler-/Warnungsmeldungen

- **WARNUNG:** Kann ignoriert werden, solte aber durch manuelle Überprüfung bearbeitet werden
- **FEHLER:** Muss vom Benutzer behoben werden
- Link im Prüfbericht zu einer speziellen Komponente innerhalb der Sequenz, die die Ursache des Fehlers/der Warnung war
- Projekt muss erneut validiert werden, damit dieser Fehler aus dem Bericht entfernt wird
- Das Tool verfolgt den Fortschritt des Benutzers innerhalb des Prüfberichts

Prüfbericht: keine Fehler



The screenshot displays the top navigation bar of the WIPO Sequence application. The navigation menu includes: WIPO | Sequence, INSECTICIDAL PROTEINS, VERIFICATION REPORT (highlighted), FREE TEXT QUALIFIERS, IMPORT REPORT, DISPLAY THE SEQUENCE LISTING, HELP, a dropdown arrow, PREFERENCES, ENGLISH, and a 'Return to project home' button. Below the navigation bar, a light blue success message states: 'SUCCESS: The project has been successfully verified'. A larger light blue box contains the text: 'Report successfully generated on 2021-04-08' and 'This project does not contain any errors or warnings.'

Validieren von Sequenzprotokoll (Demo)

WIPO | Sequence PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH

NEW PROJECT IMPORT PROJECT IMPORT SEQUENCE LISTING VALIDATE SEQUENCE LISTING

PROJECTS

Search project by name

Project name	Applicant file reference	Applicant name	Invention title	Status	Creation Date
Insecticidal Proteins				new	2019-05-09

Hinzufügen von Merkmalschlüsseln und Qualifiern (1)

▼ SEQUENCE 2

Sequence Number [ID] 2
 Sequence Name Inserted sequence
 Length 41

Molecule Type DNA
 Organism Wohlfahrtiopsis bishoppi



▼ FEATURES

Add feature

Feature Key	Location	Qualifiers
<u>source</u>	1..41	mol_type = genomic DNA organism = Wohlfahrtiopsis bishoppi



▼ SEQUENCE


gatagtatgt atatatagta gtatgatgat gatatgatga t

41

Hinzufügen von Merkmalschlüsseln und Qualifiern (2)

▼ FEATURES

Add feature

Feature Key	Location	Qualifiers	
source	1..23	mol_type = genomic DNA organism = Tinamus osgoodi	

◀ 1 ▶

Feature 1

Feature Key*	▼	Feature Location*
D_segment		4..15

For a detailed explanation of the format of the feature location please [click here](#)

▼ QUALIFIERS



Add qualifier

Cancel **Create Feature**

Hinzufügen von Merkmalschlüsseln und Qualifiern (3)

▼ QUALIFIERS

Add qualifier

Qualifier Name	mol_type	Qualifier Value	genomic DNA	
Qualifier Name	organism	Qualifier Value	Tinamus osgoodi	

Qualifier Name

Qualifier Value

- cell_line
- cell_type
- chromosome
- clone
- clone_lib

Cancel Create Qualifier

Hinzufügen von Merkmal/Qualifier (Demo)

WIPO | Sequence PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH

NEW PROJECT IMPORT PROJECT IMPORT SEQUENCE LISTING VALIDATE SEQUENCE LISTING

PROJECTS

Search project by name

Project name	Applicant file reference	Applicant name	Invention title	Status	Creation Date
Insecticidal Proteins				new	2019-05-09
Optimal Soybean Loci				new	2019-05-09

Zulässige Merkmallagen (1)

- Lagedeskriptoren für Nukleotid- und Aminosäuresequenzen:

Lage	Syntax	Beschreibung
Einzelrestzahl	x	Verweist auf einen einzelnen Rest in der Sequenz.
Restzahlen, die ein Sequenzintervall begrenzen	x..y	Verweist auf eine kontinuierliche Spanne von Resten, die durch den Anfangs- und Endrest begrenzt wird und diese umfasst.
Reste vor der ersten oder nach der letzten angegebenen Restzahl	<x >x <x..y x..>y <x..>y	Verweist auf einen Bereich, der einen angegebenen Rest oder ein Intervall von Resten umfasst und sich über einen angegebenen Rest hinaus erstreckt. Die Symbole ‚<‘ und ‚>‘ können mit einem einzelnen Rest oder mit den Zahlen des Anfangs- und Endrests eines Intervalls von Resten verwendet werden.

Zulässige Merkmallagen (2)

- Lagedeskriptoren nur für Nukleotidsequenzen:

Lage	Syntax	Beschreibung
Eine Stelle zwischen zwei benachbarten Nukleotiden	x^y	Verweist auf eine Stelle zwischen zwei benachbarten Nukleotiden, z. B. endonukleolytische Spaltstelle. Die Positionszahlen für die benachbarten Nukleotide sind durch ein Zirkumflex (^) getrennt.

Zulässige Merkmalagen (3)

- Lagedeskriptoren nur für Aminosäuresequenzen:

Lage	Syntax	Beschreibung
Restzahlen, die durch eine Quervernetzung innerhalb der Kette verbunden sind	x..y	Verweist auf Aminosäuren, die durch eine Vernetzung innerhalb der Kette verbunden sind, bei Verwendung mit einem Merkmal, das eine Quervernetzung innerhalb der Kette anzeigt, z. B. „CROSSLNK“ oder „DISULFID“

Komplexe Merkmallagen (NUR Nukleotidsequenzen)

Lagesyntax	Lagedeskriptor
<code>join (location, location,... location)</code>	Die Lagen werden zu einer zusammenhängenden Sequenz verbunden (von einem Ende zum anderen).
<code>order (location, location,... location)</code>	Die Elemente werden in der angegebenen Reihenfolge gefunden, aber es wird nichts darüber ausgesagt, ob das Verbinden dieser Elemente sinnvoll ist.
<code>complement (location)</code>	Zeigt an, dass sich das Merkmal auf dem Strang befindet, der komplementär zu dem durch den Lagedeskriptor angegebenen Sequenzintervall ist, wenn es in 5'- zu 3'-Richtung oder in der Richtung gelesen wird, die die 5'- zu 3'-Richtung nachahmt.

Personen/Organisationen

WIPO | ST26 Tool PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH ▼

CREATE NEW PERSON OR ORGANIZATION

PERSONS & ORGANIZATIONS

Search person or organization by name

Name ◯	Language Code ◯	Name Latin ◯	Residence Address ◯	Correspondence Address ◯

WIPO | ST26 Tool CREATE NEW PERSON OR ORGANIZATION PREFERENCES ENGLISH ▼

Name*	Residence Address
Language* <input type="button" value="▼"/>	Correspondence Address
Name Latin	

Benutzerdefinierte Organismen

The screenshot displays the 'ORGANISMS' section of the WIPO ST26 Tool. The top navigation bar includes 'WIPO | ST26 Tool', 'PROJECTS', 'PERSONS & ORGANIZATIONS', 'ORGANISMS', 'PREFERENCES', and 'ENGLISH'. Below the navigation bar, there are three buttons: 'EXPORT CUSTOM ORGANISMS', 'IMPORT CUSTOM ORGANISMS', and 'CREATE NEW ORGANISM' (highlighted with a red border). The main heading 'ORGANISMS' is prominently displayed. A search bar with the placeholder text 'Search organism by name' and a magnifying glass icon is located on the right. Below the search bar, a table header is visible with a column labeled 'Name'.

WIPO | ST26 Tool PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH

EXPORT CUSTOM ORGANISMS IMPORT CUSTOM ORGANISMS **CREATE NEW ORGANISM**

ORGANISMS

Search organism by name

Name

Verfügbare Sprachen (1)

- Das WIPO Sequence-Desktop-Tool bietet alle Beschriftungen und Benachrichtigungen in jeder der 10 PCT-Sprachen:
- Englisch, Französisch, Spanisch, Arabisch, Russisch, Chinesisch, Deutsch, Portugiesisch, Koreanisch und Japanisch.
- Die Sprache für die Benutzeroberfläche kann in der oberen rechten Ecke des Bildschirms eingestellt werden (siehe nächste Seite)
- Die Standardsprache der graphischen Benutzeroberfläche kann unter ‚Einstellungen‘ eingestellt werden
- Der Prüfbericht wird ebenfalls in dieser Sprache erstellt

Verfügbare Sprachen (2)



WIPO | Sequence DEMONSTRATION PROJECT VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING PREFERENCES ENGLISH Back To List

GENERAL INFORMATION SEQUENCES

DEMONSTRATION PROJECT


Print Export Import Another Project Validate **Generate Sequence Listing**

Project Name Demonstration Project	Creation date 2019-01-30	
File Name Sequence-list-import	Sequences 6	
Description This is a description for the project.	Status generated	

► GENERAL INFORMATION

► SEQUENCES


Anpassen der Einstellungen

 **PREFERENCES** **HELP** ▼

PREFERENCES **ENGLISH** ▼ [Return to project home](#)

PREFERENCES

Maximum number of residue symbols to be displayed *	200
Default location where the sequence listing XML file will be generated	D:\test data\Insecticidal Proteins SL.xml
Maximum number of sequences to print [Leave empty for all]	-1
Maximum number of residues to print [Leave empty for all]	1200
Original free text language code (optional)	true
Default language for tool interface *	English



Freitext-Qualifier: Definition und Verwendung

- Freier Text: *„ist eine Art von Werteformat für bestimmte Qualifier, das in Form einer beschreibenden Textphrase oder einem anderen festgelegten Format dargestellt wird“* - WIPO ST.26
- Eine von zwei Arten:
 - Sprachabhängig (kann eine Übersetzung erfordern)
z. B. Anmerkung/ANMERKUNG
 - Sprachunabhängig, z. B. Allele
- Darf 1000 Zeichen nicht überschreiten.
- Siehe WIPO ST.26 Anlage I Abschnitte 6 und 8: Vollständige Liste von sprachabhängigen Freitext-Qualifiern

Hinzufügen eines Freitext-Qualifiers

WIPO | Sequence INSECTICIDAL PROTEINS VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING HELP PREFERENCES ENGLISH Return to project home

For a detailed explanation of the format of the feature location please [click here](#)

▼ QUALIFIERS

Add qualifier

Qualifier Name *	▼	Qualifier Value
note		
		NOTE: this value may require translation for National/Regional procedures.
Language*	▼	Non English Qualifier Value

There is currently no Non English language code selected in your project. Please select one first.

Cancel Create Qualifier

Cancel Create Feature

Freitext-Qualifier: XLIFF

Sequence ID Number	Sequence Name	Feature Key	Feature Location	Qualifier ID	Qualifier Name	Qualifier Value	Non English Qualifier Value-{fr}	Available language codes
1	Error four testing_seq_20	SOURCE	1.191	q26	<u>ORGANISM</u>	synthetic construct		
2	Error four testing_seq_1	source	1.1004	q5	<u>organism</u>	unidentified		
3	Error four testing_seq_2	SOURCE	1.191	q6	<u>ORGANISM</u>	unidentified		
4	Error four testing_seq_3	source	1.1004	q7	<u>organism</u>	synthetic construct		
5	Error four testing_seq_4	SOURCE	1.191	q8	<u>ORGANISM</u>	synthetic construct		

Generieren von ST.26-Sequenzprotokoll

The screenshot displays the WIPO Sequence application interface. At the top, a dark navigation bar contains the WIPO logo and the text 'WIPO | Sequence'. To its right are several menu items: 'DEMO PROJECT', 'VERIFICATION REPORT', 'FREE TEXT QUALIFIERS', 'IMPORT REPORT', 'DISPLAY THE SEQUENCE LISTING', 'PREFERENCES', 'ENGLISH', and a dropdown arrow. A 'Back To List' button is located in the top right corner of this bar.

Below the navigation bar, the page is divided into two tabs: 'GENERAL INFORMATION' and 'SEQUENCES'. The 'DEMO PROJECT' title is prominently displayed on the left. To its right, a row of five buttons is visible: 'Print', 'Export', 'Import Another Project', 'Validate', and 'Generate Sequence Listing'. The 'Generate Sequence Listing' button is highlighted with a red rectangular border.

Below the buttons, a table-like structure displays project details:

Project Name Demo Project	Creation date 2019-02-21	
File Name	Sequences 36	
Description Th is is a project for demonstration purposes of the manual.	Status new	

```

<?xml version="1.0" encoding="UTF-8"?>
<!DOCTYPE ST26SequenceListing PUBLIC "-//WIPO//DTD Sequence Listing 1.3//EN" "ST26SequenceListing_V1_3.dtd">
<ST26SequenceListing originalFreeTextLanguageCode="en" dtdVersion="V1_3" fileName="Insecticidal Proteins SL"
softwareName="WIPO Sequence" softwareVersion="1.1.0-beta.5" productionDate="2021-04-08">
  <ApplicationIdentification>
    <IPOfficeCode>IB</IPOfficeCode>
    <ApplicationNumberText>PCT/IB2021/000021</ApplicationNumberText>
    <FilingDate>2021-04-07</FilingDate>
  </ApplicationIdentification>
  <ApplicantFileReference>WIPO-Insect-Demo</ApplicantFileReference>
  <EarliestPriorityApplicationIdentification>
    <IPOfficeCode>IB</IPOfficeCode>
    <ApplicationNumberText>PCT/IB/2020/000045</ApplicationNumberText>
    <FilingDate>2020-04-06</FilingDate>
  </EarliestPriorityApplicationIdentification>
  <ApplicantName languageCode="en">Merck Sharpe and Dohme Corp.</ApplicantName>
  <InventionTitle languageCode="en">Insecticidal proteins and methods of their use</InventionTitle>
  <SequenceTotalQuantity>32</SequenceTotalQuantity>
  <SequenceData sequenceIDNumber="1">
    <INSDSeq>
      <INSDSeq_length>440</INSDSeq_length>
      <INSDSeq_moltype>AA</INSDSeq_moltype>
      <INSDSeq_division>PAT</INSDSeq_division>
      <INSDSeq_feature-table>
        <INSDFeature>
          <INSDFeature_key>SOURCE</INSDFeature_key>
          <INSDFeature_location>1..440</INSDFeature_location>
          <INSDFeature_qual>
            <INSDQualifier>
              <INSDQualifier_name>MOL_TYPE</INSDQualifier_name>
              <INSDQualifier_value>protein</INSDQualifier_value>
            </INSDQualifier>
            <INSDQualifier id="q84">
              <INSDQualifier_name>ORGANISM</INSDQualifier_name>
              <INSDQualifier_value>Homo sapiens</INSDQualifier_value>
            </INSDQualifier>
          </INSDFeature_qual>
        </INSDFeature>
      </INSDSeq_feature-table>
      <INSDSeq_sequence>

```

```

QVQLVESGGGVVQPGRSLRLDCKASGITFSNSGMHWVRQAPGKGLEWVAVIWDGSKRYYADSVKGRFTISRDNKNTLFLQMNSLRAEDTAVYYCATNDYWGQGLVTVS
SNTKVDKRVESKYGPPCPPAPEFLGGPSVFLFPPKPKDITLMISRTPEVTCVVVDVDSQEDPEVQFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQFNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYK

```

Generieren von ST.26 SP in menschenlesbarem Format: TXT

Sequenzprotokoll-Information:

DTD-Version: V1_3

Dateiname: Insektizide Proteine SP

Software name: WIPO Sequence

Softwareversion: 1.1.0-beta.5

Produktionsdatum: 2021-04-08

Allgemeine Informationen:

Vorliegende Anmeldung / Amt für geistiges Eigentum: IB

Vorliegende Anmeldung / Anmeldenummer: PCT/IB2021/000021

Vorliegende Anmeldung / Anmeldetag: 2021-04-07

Vorliegende Anmeldung / Aktenzeichen des Anmelders: WIPO-Insekt-Demo

Früheste Prioritätsanmeldung / Amt für geistiges Eigentum: IB

Früheste Prioritätsanmeldung / Anmeldenummer: PCT/IB/2020/000045

Früheste Prioritätsanmeldung / Anmeldetag: 2020-04-06

Name des Anmelders: Merck Sharpe and Dohme Corp.

Name des Anmelders / Sprache: de

Bezeichnung der Erfindung: Insektizide Proteine und Verfahren zu deren Verwendung (de)

Sequenzgesamtmenge: 32

Sequenzen:

Sequenzzahl (ID): 1

Länge: 440

Art des Moleküls: AA

Merkmallage/Qualifier:

- SOURCE, 1..440

> MOL_TYPE, Protein

> ORGANISM, Homo sapiens

Generieren von ST.26 SP in menschenlesbarem Format: HTML

Sequence Listing

Sequence Listing Information

File Name	Insecticidal Proteins SL
DTD Version	V1_3
Software Name	WIPO Sequence
Software Version	1.1.0-beta.5
Production Date	2021-04-08

General Information

Current application: IP Office	IB
Current application: Application number	PCT/IB2021/000021
Current application: Filing date	2021-04-07
Current application: Applicant file reference	WIPO-Insect-Demo
Earliest priority application: IP Office	IB
Earliest priority application: Application number	PCT/IB/2020/000045
Earliest priority application: Filing date	2020-04-06
Applicant name	Merck Sharpe and Dohme Corp.
Applicant name: Language	en
Applicant name: Name Latin	
Inventor name	
Inventor name: Language	
Inventor name: Name Latin	
Invention title	Insecticidal proteins and methods of their use (en)
Sequence Total Quantity	32

Sequences

Sequence Number [ID]	1
Molecule Type	AA
Length	440

Features Location/Qualifiers

SOURCE 1..440
 /MOL_TYPE= protein
 /ORGANISM= Homo sapiens

Residues

Weitere Quellen

- WIPO-Standard ST.26:

<https://www.wipo.int/export/sites/www/Standards/en/pdf/03-26-01.pdf>

- WIPO Sequence-Homepage:

<https://www.wipo.int/Standards/en/Sequenz>

Frage-und Antwort-Sitzung