

# أداة الويبو المكتبية للتسلسل

مدة اللقاء (10:00 ص حتى 11:30 ص توقيت السعودية) .

## البند

مقدمة

التعرف على معيار ST.26

التعرف أداة الويبو المكتبية للتسلسل

أسئلة واستفسارات (Q&A)

- 01 الغرض من الأداة
- 02 الأطر الرئيسية في الواجهة: إطار تفاصيل المشروع في صفحة المشروع
- 03 السمات الرئيسية التي تدعها الأداة
- 04 إنشاء مشروع وتسلسلات
- 05 استيراد بيانات قائمة التسلسل - مختلف الأنساق المدعومة
- 06 تثبيت بيانات قائمة التسلسل - تقرير التحقق
- 07 إضافة بيانات المشروع - مفاتيح السمات والمعرفات
- 08 توليد قائمة تسلسلي متوافقة مع المعيار 26ST.
- 09 الدعم اللغوي وتعديل التفضيلات

محتويات العرض

تحتوي على تسلسلات النويدات و الأحماض الأمينية التي تم الكشف عنها في طلب براءات الاختراع والتي تشكل جزءاً من الوصف. تتضمن قائمة التسلسل معلومات وصفية عن كل تسلسل وتعرف باسم الشروحات.

تتواءم مع متطلبات معيار الويبو المعني ( ST.25 أو ST.26 )  
تتيح البحث في قواعد بيانات التسلسل الخاص في الابتكار العالمية مثل:

- قاعدة البيانات التعاونية الدولية لتسلسل النوايدات:
- بنك اليابان لبيانات الحمض النووي.
- المختبر الأوربي للبيولوجيا الجزيئية.
- قواعد بيانات مكاتب الملكية الفكرية.

## لماذا معيار جديد للتسلسل الوراثي؟

- المعايير السابق (معيار ST.25) لا يتوافق مع قاعدة البيانات التعاونية الدولية لتسلسل النويدات ولهذا يتم فقد الكثير من البيانات .
- المعايير السابق (معيار ST.25) غير واضح و يتم تفسيرها وانفاذها بشكل مختلف من قبل مكاتب الملكية الفكرية.
- المعايير السابق (معيار ST.25) لا يحتوي على التسلسلات المعروفة مثل (nucleotide analogs, D-amino acids, branched sequences)
- البيانات غير منظمة المعيار السابق (معيار ST.25) وبالتالي لا يمكن التحقق التلقائي وتبادل البيانات.

- القبول بقائمة تسلسل واحدة حول العالم.
- المعيار بمثابة توجيهات تهدف إلى ضمان الاتفاق بين مكاتب الملكية الفكرية بشأن تطبيق قواعد التسلسل.
- يوضح المعيار ما هي أوجه الكشف المطلوبة أو المسموح بها بالنسبة إلى التسلسلات من أجل إدراجها في قائمة تسلسل ، والطريقة التي يجب أن تعرض بها هذه التسلسلات.
- تحسين جودة التقديم بفضل هيكل قوائم التسلسل بسق XML
- زيادة أتمتة التحقق من البيانات و تبسيط المعالجة في مكاتب الملكية الفكرية.
- توافق البيانات مع مزودي قاعدة البيانات التعاوني الدولية لتسلسل النويدات.

- وافقت لجنة المعايير في المنظمة العالمية للملكية الفكرية في دورتها الخامسة على تاريخ الانتقال وهو 1 يناير 2022م وتم تأجيله الى تاريخ 1 جولاى 2022م .
- سينتقل جميع مكاتب الملكية الفكرية في (1 جولاى 2022م) على الصعيد الدولي والإقليمي والوطني الى المعيار ST.26.
- تاريخ الإيداع الدولي سيكون التاريخ المرجعي الذي سيحدد ما إذا كان الطلب يدخل في قواعد التسلسل للمعيار ST.26 او المعيار السابق.

- المواد التي تناولتها مقدمة معيار الويبو ST.26

[https://www.wipo.int/meetings/ar/details.jsp?meeting\\_id=62848](https://www.wipo.int/meetings/ar/details.jsp?meeting_id=62848)

- إذا لم تستكمل هذه الوحدة، يُرجى الاطلاع على معيار الويبو ST.26 في الرابط التالي:

<https://www.wipo.int/export/sites/www/standards/en/pdf/03-26-01.pdf>

- التقدم المحرز في تطوير أداة الويبو للتسلسل - الإصدار الرسمي الأول الذي سيُستخدم في تاريخ القطيعة سيكون متاحاً في أبريل 2022.



- أداة الويبو للتسلسل: أداة مكتبية مشتركة أنشأتها الويبو من أجل إعداد وتثبيت قوائم تسلسل تتوافق مع معيار الويبو ST.26
- أداة الويبو للتسلسل هي أداة أنشأتها الويبو من أجل ضمان نفاذ جميع مودعي الطلبات حول العالم إلى الأداة المجانية نفسها

- يمكن تنزيل جميع حزم التثبيت ووثائق مساعدة المستخدم من الصفحة الرئيسية لأداة الويبو للتسلسل في الرابط التالي:  
<https://www.wipo.int/standards/ar/sequence/index.html>
- يمكن تثبيت أداة الويبو المكتبية للتسلسل على أنظمة التشغيل التالية: MS Windows و Mac OSX و Linux
- ستظهر لدى المستخدم وظيفة التحديث التلقائي عند إتاحة إصدار جديد
- يجب قبول شروط الاستخدام الجديدة قبل تثبيت إصدار جديد

- جميع قوائم التسلسل وبيانات المشروع المنشأة والمدخلة في أداة الويبو تُخزن داخلياً (أي على حاسوب المستخدم)
- يمكن إنشاء المشاريع وتوليد قوائم التسلسل دون الاتصال بالإنترنت، ولكن سمة التحديث التلقائي ستطلب اتصالاً بالإنترنت
- تُوزع أداة الويبو للتسلسل من أجل أن يستخدمها جميع مودعي الطلبات مجاناً دون الحاجة إلى توفير شفرة المصدر

العربية ▼

التفضيلات

مساعدة ▼

الكائنات الحيّة

الأشخاص والمنظمات

المشاريع



WIPO | Sequence

مشروع جديد استيراد المشروع استيراد الكشف التسلسلي تثبيت الكشف التسلسلي

## المشاريع



البحث عن المشروع بالاسم

اسم المشروع	رقم مرجع ملف المودع	اسم مودع الطلب	اسم الاختراع	الوضع	تاريخ الإنشاء
<u>test</u>	55555555555	محمد	تجريبي	generated	2022-05-09
<u>المشروع الاول</u>	WIPO-INSECT-DEMO	محمد	اختراع مادة كيميائية	invalid	2022-05-10
<u>المشروع الثالث</u>		محمد	تجريبي	invalid	2022-05-11

الرجوع إلى الصفحة الرئيسية للمشروع

العربية

التفضيلات

مساعدة

عرض الكشف التسلسلي

استيراد التقرير

معرّفات النص الحر

تقرير التحقق

المشروع الاول

WIPO | Sequence

معلومات عامة التسلسلات

توليد الكشف التسلسلي


تنبيه

استيراد مشروع آخر

تصدير

طباعة

## المشروع الاول

	تاريخ الإنشاء 10-05-2022	اسم المشروع المشروع الاول
	اسم الوثيقة المشروع الاول	الوضع invalid
	التسلسلات 1	الوصف
	رمز لغة النص غير الإنكليزية	شفرة اللغة المصدر لمعرّفات النص الحر en
	إضافة مُعرّف ترجمة تلقائياً عند إنشاء سمة منطقة التشفير Off	رمز لغة النص الحر الأصلية

## السمات الرئيسية للأداة (1)

- إعداد مشروع:
  - المعلومات الأساسية
  - التسلسلات
  - تثبيت المشروع
  - توليد قائمة تسلسل بنسق المعيار ST.26
  - طباعة قائمة التسلسل
  - تثبيت قوائم التسلسل المنشأة بنسق المعيار ST.26
- قوائم مخصصة:
  - كائنات مخصصة
  - شخص/منظمة

### • الاستيراد :

- قائمة تسلسل موجودة : المعياران ST.25 و ST.26
- الأنساق الشائعة : FASTA و multi-sequence و raw
- مشروع موجود مُنشأ بنسق المعيار ST.26

### • سمات الأداة :

- التفضيلات
- الدعم متعدد اللغات
- التحديث التلقائي

- يمكن الاطلاع على الوظائف الكاملة للأداة في دليل أداة الويبو المكتبية للتسلسل في الرابط التالي: <https://www.wipo.int/export/sites/www/standards/en/sequence/wipo-sequence-manual-1-1-0-en.pdf>

WIPO | Sequence
المشاريع
الأشخاص والمنظمات
الكائنات الحيّة
مساعدة
التفضيلات
العربية

مشروع جديد   استيراد المشروع   استيراد الكشف التسلسلي   تثبيت الكشف التسلسلي

## المشاريع

اسم المشروع	رقم مرجع ملف المودع	اسم مودع الطلب	اسم الاختراع	الوضع	تاريخ الإنشاء
<a href="#">test</a>	555555555555	محمد	تجريبي	generated	2022-05-09
<a href="#">المشروع الاول</a>	WIPO-INSECT-DEMO	محمد	اختراع مادة كيميائية	invalid	2022-05-10
<a href="#">المشروع الثالث</a>		محمد	تجريبي	invalid	2022-05-11
<a href="#">المشروع الثاني</a>	IEC150044PCT	[REDACTED]	CTLA4 [REDACTED] [REDACTED]T P [REDACTED]P	new	2022-05-10



# إضافة تفاصيل المشروع: المعلومات الأساسية (عرض توضيحي)



17

الرجوع إلى الصفحة الرئيسية للمشروع

العربية

التفضيلات

مساعدة

عرض الكشف التسلسلي

استيراد التقارير

معلومات النص

تقرير التحقق

مشروع بروتينات

WIPO | Sequence

معلومات عامة

التسلسلات

## معلومات عامة

تحديد الطلب

حدد الطلب قبل تعيين رقم الطلب

تحديد طلبات الأولوية

إضافة طلب الأولوية

المودع والمخترع


إضافة مودع الطلب

إضافة المخترع

اسم الاختراع

إضافة اسم الاختراع

## التسلسلات

التسلسل المحذوف	الكائن الحي	نوع الجزيء	الطول	اسم التسلسل	رقم محدد هوية التسلسل
لا	⬢⬢⬢⬢⬢⬢⬢⬢	DNA	375	IEC150044PCT-seq1_seq_1	<u>1</u>
لا	⬢⬢⬢⬢⬢⬢⬢⬢	AA	125	IEC150044PCT-seq1_seq_2	<u>2</u>
لا	⬢⬢⬢⬢⬢⬢⬢⬢	AA	364	IEC150044PCT-seq1_seq_3	<u>3</u>
 لا	⬢⬢⬢⬢⬢⬢⬢⬢	DNA	1092	IEC150044PCT-seq1_seq_4	<u>4</u>
لا	⬢⬢⬢⬢⬢⬢⬢⬢	DNA	345	IEC150044PCT-seq1_seq_5	<u>5</u>
لا	⬢⬢⬢⬢⬢⬢⬢⬢	AA	115	IEC150044PCT-seq1_seq_6	<u>6</u>

# إضافة تفاصيل المشروع: تسلسل جديد

- في إطار تفاصيل المشروع، من الممكن إنشاء تسلسل أو استيراده لوضعه في المشروع

الرجوع إلى الصفحة الرئيسية للمشروع

العربية

التفضيلات

مساعدة

عرض الكشف التسلسلي

استيراد التقرير

معرفة النص الحر

تقرير التحقق

المشروع الثاني

WIPO | Sequence

معلومات عامة التسلسلات

## التسلسلات

إجراء تسلسل جديد

استيراد التسلسل

إدخال التسلسل

إعادة ترتيب التسلسل

تحرير مجمع

رقم محدد هوية التسلسل	اسم التسلسل	الطول	نوع الجزيء	الكائن الحي	التسلسل المحذوف
1	IEC150044PCT-seq_seq_1	375	DNA	████████	لا
2	IEC150044PCT-seq_seq_2	125	AA	████████	لا

الرجوع إلى الصفحة الرئيسية للمشروع

العربية

التفضيلات

مساعدة

عرض الكشف التسلسلي

استيراد التقرير

معلومات عامة التسلسلات

المشروع التالي

تقرير التحقق

معلومات النص الحر

WIPO | Sequence

التسلسلات

إشياء تسلسل جديد

استيراد التسلسل

إدخال التسلسل

إعادة ترتيب التسلسل

تحرير مجمع

التسلسل المحذوف	الكانن الحي	نوع الجزيء	الطول	اسم التسلسل	رقم محدد هوية التسلسل
لا	◆◆◆◆◆◆◆◆	DNA	375	IEC150044PCT-seq_seq_1	1
لا	◆◆◆◆◆◆◆◆	AA	125	IEC150044PCT-seq_seq_2	2
لا	◆◆◆◆◆◆◆◆	AA	364	IEC150044PCT-seq_seq_3	3
لا	◆◆◆◆◆◆◆◆	DNA	1092	IEC150044PCT-seq_seq_4	4
لا	◆◆◆◆◆◆◆◆	DNA	345	IEC150044PCT-seq_seq_5	5
لا	◆◆◆◆◆◆◆◆	AA	115	IEC150044PCT-seq_seq_6	6
لا	◆◆◆◆◆◆◆◆	DNA	318	IEC150044PCT-seq_seq_7	7
لا	◆◆◆◆◆◆◆◆	AA	106	IEC150044PCT-seq_seq_8	8
لا	◆◆◆◆◆◆◆◆	DNA	345	IEC150044PCT-seq_seq_9	9
لا	◆◆◆◆◆◆◆◆	AA	115	IEC150044PCT-seq_seq_10	10
لا	◆◆◆◆◆◆◆◆	DNA	321	IEC150044PCT-seq_seq_11	11

مشروع جديد استيراد المشروع استيراد الكشف التسلسلي تثبيت الكشف التسلسلي

1 [ST.25.] أو [ST.26.] xml] أو [ST.25.] txt تحميل ملف

3 \* اسم المشروع  
استيراد تسلسل المشروع

2

إلغاء استيراد الكشف التسلسلي

المشاريع

اسم المشروع: رقم مرجع م

2022-05-05 5555555 test

2022-05-10 invalid اختراع مادة كيميائية محمد WIPO-INSECT-DEMO المشروع الأول

Name	Date modified	Type	Size
IEC150044PCT-seq.txt	5/10/2022 8:28 AM	Text Document	27 KB

- تدعم أداة الويبو للتسلسل أيضاً استيراد قوائم التسلسل المنشأة بنسق المعيار ST.25
- غير أنه يتعين على المستخدم أن يدخل بشكل يدوي الحقول الإلزامية المتعلقة بالمعيار ST.26 غير الموجودة في الملف المستورد، بما في ذلك:
  - SOURCE/المصدر: النوع الجزئي والكائن
  - المعرفات الإلزامية للسمات، مثل القاعدة المعدلة (mod\_base)
- فيما يخص استيراد البيانات، تدخل أداة الويبو للتسلسل تغييرات عديدة على المعلومات المستوردة قبل إدراجها ضمن المشروع.

## استيراد قوائم تسلسل منشأة بنسق المعيار ST.25 (2)

- يجري تنفيذ التغييرات وفقاً للتوصيات الواردة في المرفق السابع (الذي يوصي بالتحويل من نسق المعيار ST.25 إلى نسق المعيار ST.26 دون إضافة مادة جديدة).
- ومن بين هذه التغييرات ما يلي:

• تحويل كل البقايا من الفئة "u" إلى الفئة "t" فيما يخص RNA  
• تغيير النوع الجزئي:

- "1" DNA عوضاً عن ADN "2" و RNA عوضاً عن ARN "3" و AA عوضاً عن PRT
- الاستعاضة عن عبارة "التسلسل الاصطناعي" (والمعادلات المحددة) بعبارة "تركيبية صناعية"
- الاستعاضة عن عبارة "غير معروف" (والمعادلات المحددة) بعبارة "غير محدد"
- الاستعاضة عن الشفرة الخاصة برموز الأحماض الأمينية المكونة من ثلاثة حروف بشفرة من حرف واحد.

العربية ▼ التفضيلات مساعدة ▼ الكائنات الحية الأشخاص والمنظمات المشاريع WIPO | Sequence

مشروع جديد استيراد المشروع استيراد الكشف التسلسلي تثبيت الكشف التسلسلي

## المشاريع

البحث عن المشروع بالاسم

اسم المشروع	رقم مرجع ملف المودع	اسم مودع الطلب	اسم الاختراع	الوضع	تاريخ الإنشاء
<a href="#">test</a>	55555555555	محمد السالم	اختراع البروتين	modified	2022-05-09
<a href="#">المشروع الأول</a>	WIPO-INSECT-DEMO	محمد	اختراع مادة كيميائية	invalid	2022-05-10
<a href="#">المشروع الثالث</a>		محمد	تجريبي	invalid	2022-05-11
<a href="#">المشروع الثاني</a>	IEC150044PCT		CTLA4 [ P P	new	2022-05-10
<a href="#">مشروع يروتينات</a>	demo	محمد سالم	اختراع بروتين للجسم البشري	modified	2022-05-22



- إذا كان هناك أي أخطاء أو تحذيرات خلال عملية الاستيراد، فسيجري عندها توليد تقرير للاستيراد.
- تبرز الرسائل الواردة في هذا التقرير بعض قوائم التسلسل التي ستتطلب تدخلاً يدوياً من المستخدم
- يعرض تقرير الاستيراد تصنيفاً، وعلامة المعيار ST.25 ذات الصلة، ورسالة للمستخدم، ومعرف التسلسل
- تصنف الرسائل (نوع الملاحظة) على أنها إما:
  - فردية (INDIVIDUAL): أي تتعلق بتسلسل مستورد محدد
  - عامة (GLOBAL): أي تؤثر على جميع التسلسلات المستوردة

نوع الملاحظة	عناصر البيانات	نص الرسالة	التسلسل المكتشف
INDIVIDUAL	<222>	خلال الاستيراد، تم تعيين تلقائياً لموقع المُعرّف القيمة التالية: "n..1" حيث n هو طول التسلسل.	1,2,3,4,5,6,7,8,9,10,11,12,13,14,15,16,17,18,19,20,21,22,23,24,25,26,27,28,29,30,31,32,33,34
Global	<130>	خلال الاستيراد، تم تلقائياً تعيين القيمة التالية IEC150044PCT لـ "رقم مرجع ملف المودع"؛ يمكن تعديل هذه القيمة ضمن المشروع.	
Global	<110>	يجب اختيار منظمة واحدة أو شخص واحد باعتبارهما المودع الأول أو يجب اختيار شخص واحد باعتباره المخترع، مع رمز اللغة المناسب.	
Global	<150> , <151>	يرجى تحديد أي من طلبات الأولوية المستوردة [201410377352.9] يجب تعيينها كطلب الأولوية الأسبق.	
Global	<400>	تم الإشارة إلى معرفات التسلسل التالية [31] كمحذوفة عن قصد، بما أنها لا تستفي شروط المعيار ST.26 الواردة في الفقرة 7.	
Global		يرجى تقديم قيمة [قيم] مناسبة للمعرّف 'mol_type' لرقم [أرقام] تعريف التسلسل [التسلسلات] [SEQ ID NO[s]] التالي [التالية]: 1, 4, 5, 7, 9, 11, 13, 15, 17, 19, 21, 23, 25، على النحو المنصوص عليه في المرفق السابع من المعيار ST.26.	
Global		تم إنشاء تلقائياً السمات الإلزامية source/SOURCE باستثناء التسلسلات المحذوفة عن قصد.	

- تفاصيل محددة عن أي تغييرات أُجريت خلال استيراد قائمة تسلسل بنسق المعيار ST.25
- يختلف هذا التقرير عن تقرير الاستيراد الذي يتوقع فيه من المستخدم أن يقدم هذه التفاصيل
- يعرض هذا التقرير الرموز الأصلية للمعيار ST.25 والرموز المستهدفة للمعيار ST.26، إضافة إلى التحويلات المطبقة ومعرف التسلسل ذي الصلة
- لكن يُقصد بالتحويلات هنا تلك التي لا تغير المحتوى الأصلي. على سبيل المثال، يبقى اليوراسيل على حاله إذا تم تغييره من الفئة "u" إلى الفئة "t" في مشروع بنسق ST.26

نوع الملاحظة	عناصر البيانات	نص الرسالة	التسلسل المكتشف
INDIVIDUAL	<222>	خلال الاستيراد، تم تعيين تلقائياً لموقع المُعرِّف القيمة التالية: "n..1" حيث n هو طول التسلسل.	1,2,3,4,5,6,7,8,9,10,11,12,13,14,15,16,17,18,19,20,21,22,23,24,25,26,27,28,29,30,31,32,33,34
Global	<130>	خلال الاستيراد، تم تلقائياً تعيين القيمة التالية IEC150044PCT لـ "رقم مرجع ملف المودع"؛ يمكن تعديل هذه القيمة ضمن المشروع.	
Global	<110>	يجب اختيار منظمة واحدة أو شخص واحد باعتبارهما المودع الأول أو يجب اختيار شخص واحد باعتباره المخترع، مع رمز اللغة المناسب.	
Global	<150>، <151>	يرجى تحديد أي من طلبات الأولوية المستوردة [201410377352.9] يجب تعيينها كطلب الأولوية الأسبق.	
Global	<400>	تم الإشارة إلى معرفات التسلسل التالية [31] كمحذوفة عن قصد، بما أنها لا تستفي شروط المعيار ST.26 الواردة في الفقرة 7.	
Global		يرجى تقديم قيمة [قيم] مناسبة للمُعرِّف 'mol_type' لرقم [أرقام] تعريف التسلسل [التسلسلات] [SEQ ID NO[s]] التالي [التالية]: 1, 4, 5, 7, 9, 11, 13, 15, 17, 19, 21, 23, 25، على النحو المنصوص عليه في المرفق السابع من المعيار ST.26.	
Global		تم إنشاء تلقائياً السمات الإلزامية source/SOURCE باستثناء التسلسلات المحذوفة عن قصد.	

# إضافة مفاتيح السمات والمعرفات (1)

## التسلسل 2

	نوع الجزيء DNA الكائن الحي Oudemansia georgia	رقم التسلسل (محدد الهوية) 2 اسم السلسلة 1 الطول 18
---	--	--

## السمات

إضافة سمة

المعرفات	الموقع	مفتاح السمة
mol_type = genomic DNA organism = Oudemansia georgia	18..1	<u>source</u>

## إضافة مفاتيح السمات والمعرفات (2)

سمة جديدة

مفتاح السمة*	▼	موقع السمة*
D_segment		4..15

للحصول على شرح مفصل لسق موقع السمة الرجاء النقر [هنا](#)

المُعرِّفات

إضافة مُعرِّف

إلغاء إنشاء سمة

الرجوع إلى الصفحة الرئيسية للمشروع العربية التفضيلات مساعدة عرض الكشف التسلسلي استيراد التقرير معرفات النص الحر تقرير التحقق مشروع بروتينات WIPO | Sequence

معلومات عامة التسلسلات

### المودع والمخترع

إضافة المودع إضافة المخترع

اسم مودع الطلب: محمد السالم

اسم مودع الطلب الرئيسي: مودع الطلب الرئيسي

### اسم الاختراع

إضافة اسم الاختراع

اسم الاختراع: محمد السالم

اللغة: ar - Arabic

### التسلسلات

إشياء تسلسل جديد استيراد التسلسل إدخال التسلسل إعادة ترتيب التسلسل تحرير مجمع

↑

- واصفات الموقع الخاصة بتسلسلات النويدات والأحماض الأمينية

الموقع	الصيغة	الوصف
رقم بقية مفردة	x	يشير إلى بقية مفردة في التسلسل
أرقام بقايا تحدد نطاق قائمة التسلسل	x..y	يشير إلى مجموعة متواصلة من البقايا تحدها وتوجد فيها بقايا البداية والنهاية
بقايا ما قبل رقم البقية المحددة الأولى أو ما بعد رقم البقية المحددة الأخيرة	<x >x <x..y x..>y <x..>y	يشير إلى موضع يتضمن بقية محددة او نطاق محدد للبقايا، ويشمل ما هو أكثر من بقية محددة. وقد يُستخدم الرمزان '<' و '>' مع بقية مفردة أو أرقام البداية والنهاية لنطاق البقايا



- وصف الموقع الخاصة بتسلسلات النويدات فقط

الموقع	الصيغة	الوصف
موقع بين نوكلوتيدين متجاورين	$x^y$	يشير إلى موقع بين موقع بين نوكلوتيدين متجاورين، على سبيل المثال، موقع الانقسام النويدي. ويفصل بين أرقام موقع النويدات المتجاورة علامة الإقحام (^)

## مواقع السمات المسموح بها (3)

- واصفات الموقع الخاصة بتسلسلات الأحماض الأمينية فقط

الموقع	الصيغة	الوصف
أرقام بقايا يربط بينها تشابك داخل السلسلة	x..y	تشير إلى أحماض أمينية يربط بينا تشابك عند استخدامها مع سمة تدل على تشابك داخل السلسلة مثل "CROSSLNK" أو "DISULFID"

Location syntax	Location description
<code>join(location, location, ..., location)</code>	The indicated locations are joined (placed end-to-end) to form one contiguous sequence.
<code>order(location, location, ..., location)</code>	The elements are found in the specified order but nothing is implied about whether joining those elements is reasonable.
<code>complement(location)</code>	Indicates that the feature is located on the strand complementary to the sequence span specified by the location descriptor, when read in the 5' to 3' direction or in the direction that mimics the 5' to 3' direction.

الرجوع إلى الصفحة الرئيسية للمشروع

العربية

التفضيلات

مساعدة

عرض الكشف التسلسلي

استيراد التقرير

مُعرّفات النص الحر

تقرير التحققي

مشروع تجريبي

WIPO | Sequence

معلومات عامة التسلسلات

مشروع تجريبي

توليد الكشف التسلسلي

تثبيت

استيراد مشروع آخر

تصدير

طباعة

اسم المشروع مشروع تجريبي

الوضع invalid

الوصف

شفرة اللغة المصدر لمُعرّفات النص الحر en

رمز لغة النص الحر الأصلية

تاريخ الإنشاء 22-05-2022

اسم الوثيقة

التسلسلات 34

رمز لغة النص الحر غير الإنكليزية

إضافة مُعرّف ترجمة تلقائياً عند إنشاء سمة منطقة التشفير Off

خطأ: بعد التحقق من المشروع، تم اكتشاف بعض الأخطاء أو التحذيرات.


تم توليد التقرير في 23-05-2022

طباعة التقرير

حذف التسلسلات المختارة

التسلسل المكتشف	القيمة المكتشفة	نص الرسالة	عناصر البيانات	الخطورة	<input type="checkbox"/>
التسلسل 1	⚠️⚠️⚠️⚠️⚠️⚠️	تتضمن قيمة المُعرّف أحرفاً غير مسموح بها: ⚠️, ⚠️. لا يسمح إلا بالأحرف القابلة للطباعة [بما في ذلك حرف المسافة] من جدول الرموز اللاتينية الأساسية بالترميز الموحد [يونيكود] [باستثناء الأحرف المحجوزة].	قيمة المُعرّف	ERROR	<input type="checkbox"/>
التسلسل 1	-	قيمة المُعرّف الإلزامية للمُعرّف mol_type غير موجودة.	قيمة المُعرّف	ERROR	<input type="checkbox"/>
التسلسل 1	⚠️⚠️⚠️⚠️⚠️⚠️	يتضمن اسم الكائن الحي أحرفاً غير مسموح بها: ⚠️, ⚠️. لا يسمح إلا بالأحرف القابلة للطباعة [بما في ذلك حرف المسافة] من جدول الرموز اللاتينية الأساسية بالترميز الموحد [يونيكود] [باستثناء الأحرف المحجوزة].	الكائن الحي	ERROR	<input type="checkbox"/>
التسلسل 1	⚠️⚠️⚠️⚠️⚠️⚠️	لم يعثر على اسم الكائن الحي في قائمة أسماء الكائنات الحية المعرفة مسبقاً والمخصصة التي تم تخزينها في هذا النظام. تأكد من أن هذا الاسم هو اسم كائن حي مقبول من حيث التصنيف	الكائن الحي	WARNING	<input type="checkbox"/>

- التحذير: يمكن تجاهله ولكن ينبغي معالجته عن طريق المراجعة اليدوية
- الخطأ: يجب أن يعالجه المستخدم
- رابط في تقرير التحقق لمحتوى معين موجود ضمن التسلسل سبب الخطأ/التحذير
- يجب تثبيت المشروع مجدداً من أجل حذف الخطأ من التقرير
- يمكن طباعة تقرير التحقق لاستخدامه كمرجع لاحقاً

 **WIPO** | Sequence **INSECTICIDAL PROTEINS** **VERIFICATION REPORT** **FREE TEXT QUALIFIERS** **IMPORT REPORT** **DISPLAY THE SEQUENCE LISTING** **HELP** **PREFERENCES** **ENGLISH** [Return to project home](#)

**SUCCESS:** The project has been successfully verified ×

**Report successfully generated on 2021-04-08**  
This project does not contain any errors or warnings.

WIPO | Sequence PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH

NEW PROJECT IMPORT PROJECT IMPORT SEQUENCE LISTING VALIDATE SEQUENCE LISTING

## PROJECTS

Search project by name

Project name	Applicant file reference	Applicant name	Invention title	Status	Creation Date
<a href="#">Insecticidal Proteins</a>				new	2019-05-09




WIPO | Sequence DEMO PROJECT VERIFICATION REPORT FREE TEXT QUALIFIERS IMPORT REPORT DISPLAY THE SEQUENCE LISTING PREFERENCES ENGLISH [Back To List](#)

GENERAL INFORMATION SEQUENCES

## DEMO PROJECT

[Print](#) [Export](#) [Import Another Project](#) [Validate](#) [Generate Sequence Listing](#)

Project Name Demo Project	Creation date 2019-02-21
File Name	Sequences 36
Description Th is is a project for demonstration purposes of the manual.	Status new



```

<?xml version="1.0" encoding="UTF-8"?>
<!DOCTYPE ST26SequenceListing PUBLIC "-//WIPO//DTD Sequence Listing 1.3//EN" "ST26SequenceListing_V1_3.dtd">
<ST26SequenceListing originalFreeTextLanguageCode="en" dtdVersion="V1_3" fileName="Insecticidal Proteins SL"
softwareName="WIPO Sequence" softwareVersion="1.1.0-beta.5" productionDate="2021-04-08">
  <ApplicationIdentification>
    <IPOfficeCode>IB</IPOfficeCode>
    <ApplicationNumberText>PCT/IB2021/000021</ApplicationNumberText>
    <FilingDate>2021-04-07</FilingDate>
  </ApplicationIdentification>
  <ApplicantFileReference>WIPO-Insect-Demo</ApplicantFileReference>
  <EarliestPriorityApplicationIdentification>
    <IPOfficeCode>IB</IPOfficeCode>
    <ApplicationNumberText>PCT/IB/2020/000045</ApplicationNumberText>
    <FilingDate>2020-04-06</FilingDate>
  </EarliestPriorityApplicationIdentification>
  <ApplicantName languageCode="en">Merck Sharpe and Dohme Corp.</ApplicantName>
  <InventionTitle languageCode="en">Insecticidal proteins and methods of their use</InventionTitle>
  <SequenceTotalQuantity>32</SequenceTotalQuantity>
  <SequenceData sequenceIDNumber="1">
    <INSDSeq>
      <INSDSeq_length>440</INSDSeq_length>
      <INSDSeq_moltype>AA</INSDSeq_moltype>
      <INSDSeq_division>PAT</INSDSeq_division>
      <INSDSeq_feature-table>
        <INSDFeature>
          <INSDFeature_key>SOURCE</INSDFeature_key>
          <INSDFeature_location>1..440</INSDFeature_location>
          <INSDFeature_qual>
            <INSDQualifier>
              <INSDQualifier_name>MOL_TYPE</INSDQualifier_name>
              <INSDQualifier_value>protein</INSDQualifier_value>
            </INSDQualifier>
            <INSDQualifier id="q84">
              <INSDQualifier_name>ORGANISM</INSDQualifier_name>
              <INSDQualifier_value>Homo sapiens</INSDQualifier_value>
            </INSDQualifier>
          </INSDFeature_qual>
        </INSDFeature>
      </INSDSeq_feature-table>
      <INSDSeq_sequence>
        QVQLVESGGGVVQPGRSLRLDCKASGITFSNSGMHWVRQAPGKGLEWVAVIWYDGSKRYYADSVKGRFTISRDNKNTLFLQMNSLRAEDTAVYYCATNDDYWGQGLTIVTS
        SNTKVDKRVESKYGPPCPPAPEFLGGPSVFLFPPKPKDLMISRTEPVTCVVVDVSDQEDPEVQFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQFNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKC
      </INSDSeq_sequence>
    </INSDSeq>
  </SequenceData>
</ST26SequenceListing>

```

# توليد قائمة التسلسل بنسق المعيار ST.26 على شكل نسق يسهل على الإنسان قراءته: TXT

## Sequence Listing Information:

DTD Version: V1\_3  
File Name: Insecticidal Proteins SL  
Software Name: WIPO Sequence  
Software Version: 1.1.0-beta.5  
Production Date: 2021-04-08

## General Information:

Current application / IP Office: IB  
Current application / Application number: PCT/IB2021/000021  
Current application / Filing date: 2021-04-07  
Current application / Applicant file reference: WIPO-Insect-Demo  
Earliest priority application / IP Office: IB  
Earliest priority application / Application number: PCT/IB/2020/000045  
Earliest priority application / Filing date: 2020-04-06  
Applicant name: Merck Sharpe and Dohme Corp.  
Applicant name / Language: en  
Invention title: Insecticidal proteins and methods of their use ( en )  
Sequence Total Quantity: 32

## Sequences:

Sequence Number (ID): 1  
Length: 440  
Molecule Type: AA  
Features Location/Qualifiers:  
- SOURCE, 1..440  
> MOL\_TYPE, protein  
> ORGANISM, Homo sapiens

## Sequence Listing

<b>1</b>	<b>Sequence Listing Information</b>	
1-1	File Name	Insecticidal Proteins SL.xml
1-2	DTD Version	V1_3
1-3	Software Name	WIPO Sequence
1-4	Software Version	1.2.0-beta.3
1-5	Production Date	2022-03-21
1-6	Original free text language code	en
1-7	Non English free text language code	
<b>2</b>	<b>General Information</b>	
2-1	Current application: IP Office	IB
2-2	Current application: Application number	PCT/IB2021/000021
2-3	Current application: Filing date	2021-04-07
2-4	Current application: Applicant file reference	WIPO-Insect-Demo
2-5	Earliest priority application: IP Office	IB
2-6	Earliest priority application: Application number	PCT/IB/2020/000045
2-7	Earliest priority application: Filing date	2020-04-06
2-8en	Applicant name	Merck Sharpe and Dohme Corp.
2-8en	Applicant name: Name Latin	
2-9	Inventor name	
2-9en	Inventor name: Name Latin	
2-10en	Invention title	Insecticidal proteins and methods of their use
2-11	Sequence Total Quantity	31
<b>3-1</b>	<b>Sequences</b>	
3-1-1	Sequence Number [ID]	1
3-1-2	Molecule Type	AA
3-1-3	Length	440

WIPO | ST26 Tool PROJECTS PERSONS & ORGANIZATIONS ORGANISMS PREFERENCES ENGLISH ▾

CREATE NEW PERSON OR ORGANIZATION

## PERSONS & ORGANIZATIONS

Search person or organization by name

Name ◯	Language Code ◯	Name Latin ◯	Residence Address ◯	Correspondence Address ◯
--------	-----------------	--------------	---------------------	--------------------------

WIPO | ST26 Tool CREATE NEW PERSON OR ORGANIZATION PREFERENCES ENGLISH ▾ Close

Name*	Residence Address
Language*	Correspondence Address
Name Latin	

Cancel Save

- تتيح أداة الويبو المكتبية لتسلسل جميع العلامات التصنيفية ورسائل الإخطار بكل لغة من اللغات الرسمية العشر لمعاهدة التعاون بشأن البراءات:
- الإنكليزية والفرنسية والإسبانية والعربية والروسية والصينية والألمانية والبرتغالية والكورية واليابانية
- يتاح مضمون الصفحة الرئيسية/دليل المستخدم أيضا بتلك اللغات العشر
- يمكن ضبط لغة الواجهة في الزاوية اليمينية العليا من الشاشة (كما يظهر في الشريحة القادمة)
- يمكن تحديد اللغة الافتراضية لواجهة المستخدم المصورة في "التفضيلات"

الرجوع  
إلى  
الصفحة  
الرئيسية  
للمشروع

العربية ▼

التفضيلات

مساعدة ▼

التفضيلات

WIPO | Sequence

## التفضيلات



العدد الأقصى لرموز البقايا التي سيتم عرضها \* 60  
الموقع الاعتيادي حيث سيتم توليد ملف الكشف التسلسلي في نسق XML  
العدد الأقصى للتسلسلات التي يتعين طباعتها [يترك فارغاً في حالة الرغبة في طباعة جميع التسلسلات] 1000  
العدد الأقصى للبقايا التي يتعين طباعتها [يترك فارغاً في حالة الرغبة في طباعة جميع البقايا] 1200  
شفرة لغة النص الحر الأصلية [اختياري] true  
تعطيل قاعدة XQV\_49 للمعرفات التي تعتمد على اللغة true  
اللغة المفترضة لواجهة الأداة \* English

جلسة أسئلة وأجوبة

[wiposequence@wipo.int](mailto:wiposequence@wipo.int)



• معيار الويبو ST.26 :

<https://www.wipo.int/export/sites/www/standards/en/pdf/03-26-01.pdf>

• الصفحة الرئيسية لأداة الويبو للتسلسل

<https://www.wipo.int/standards/ar/sequence/index.html>

# شكراً

# لكم...

الأكاديمية | الهيئة السعودية للملكية الفكرية  
Academy | Saudi Authority for Intellectual Property



 | @SAIPKSA | SAIP.GOV.SA